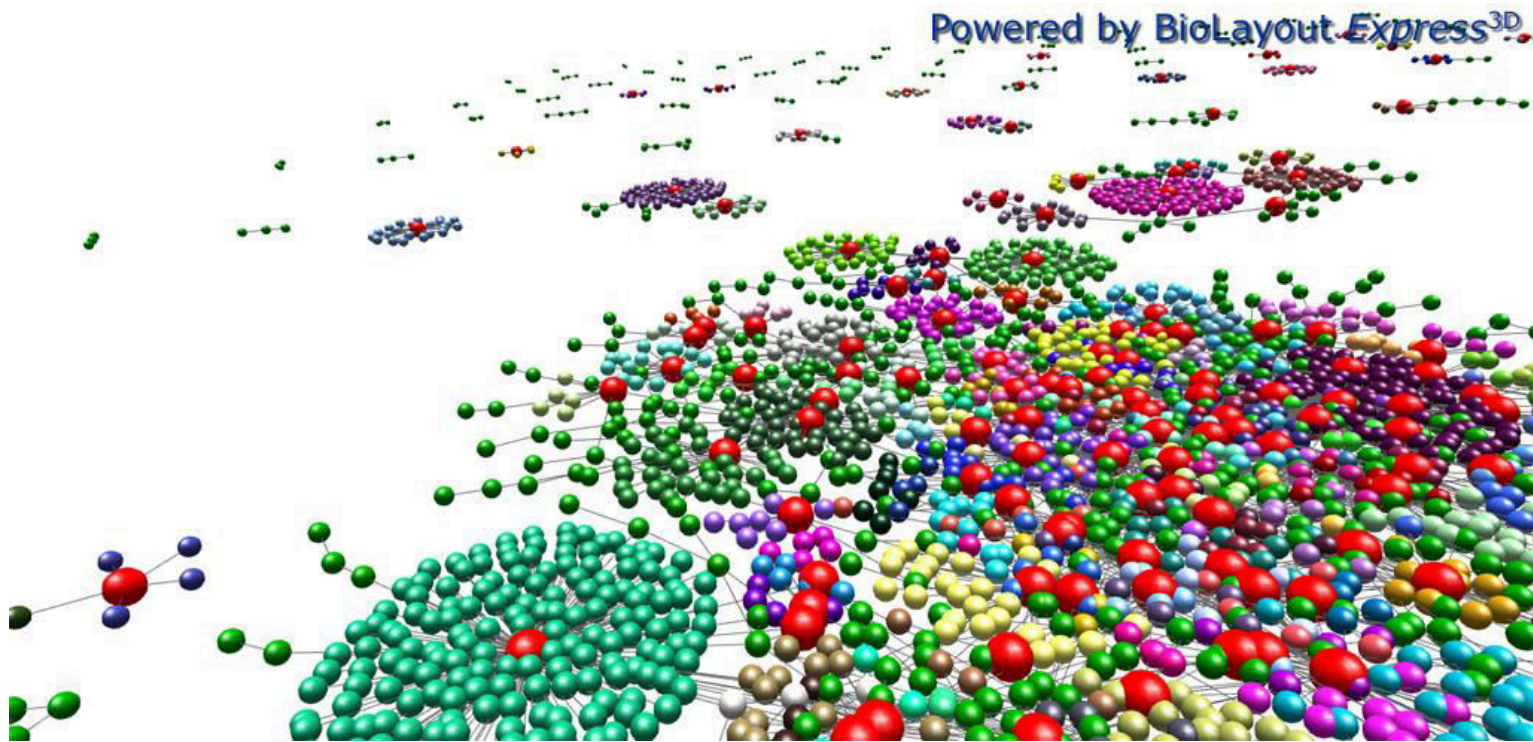


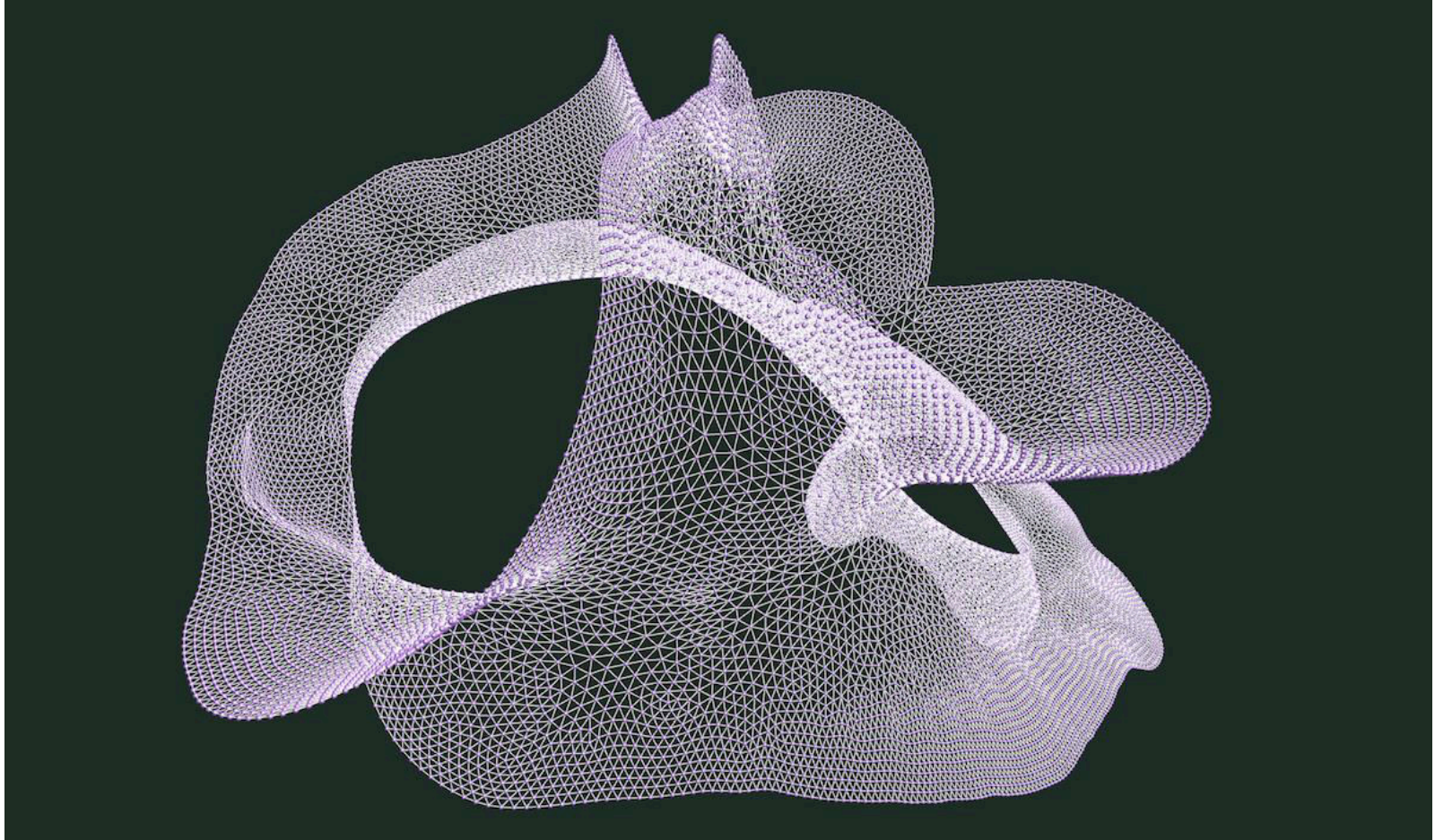
BioLayout Express 3D

- práce se sítěmi ve 2D i 3D
- motivem zobrazení microarray
- Java, pod licencí GNU GPL
- Množství vstupních formátů (simple pairing, matrix, GML,...)
- Fruchterman-Rheingoldův algoritmus, Markovův shlukovací algoritmus

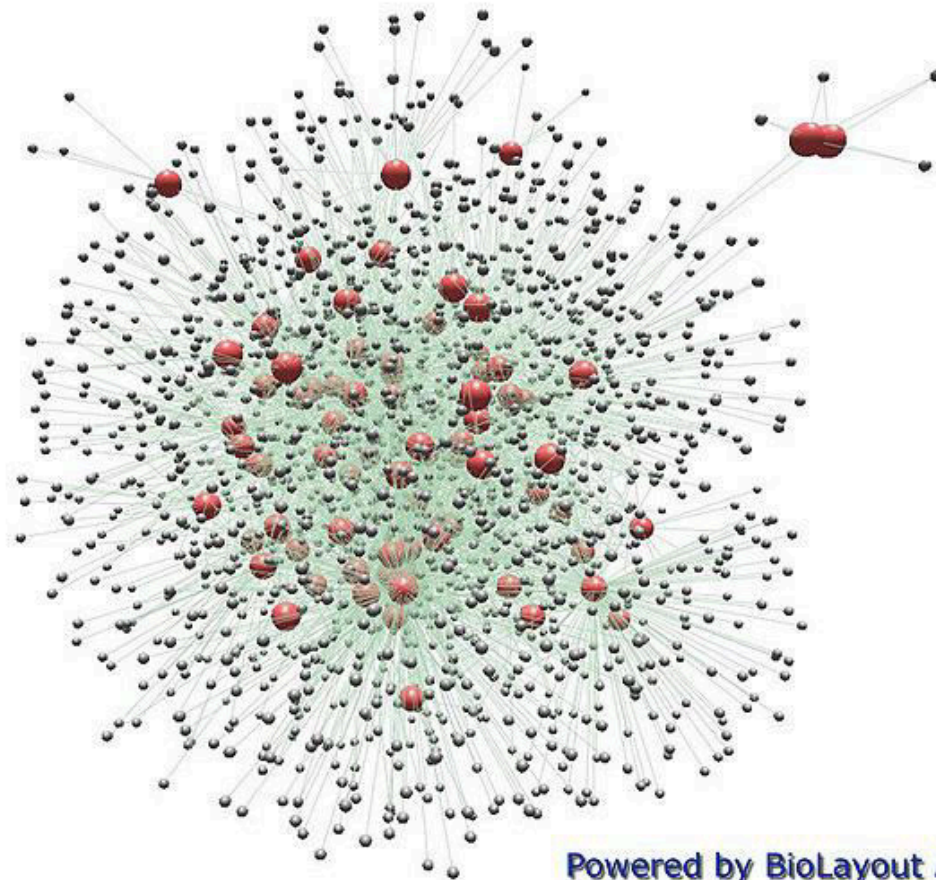
2D zobrazení v prostoru



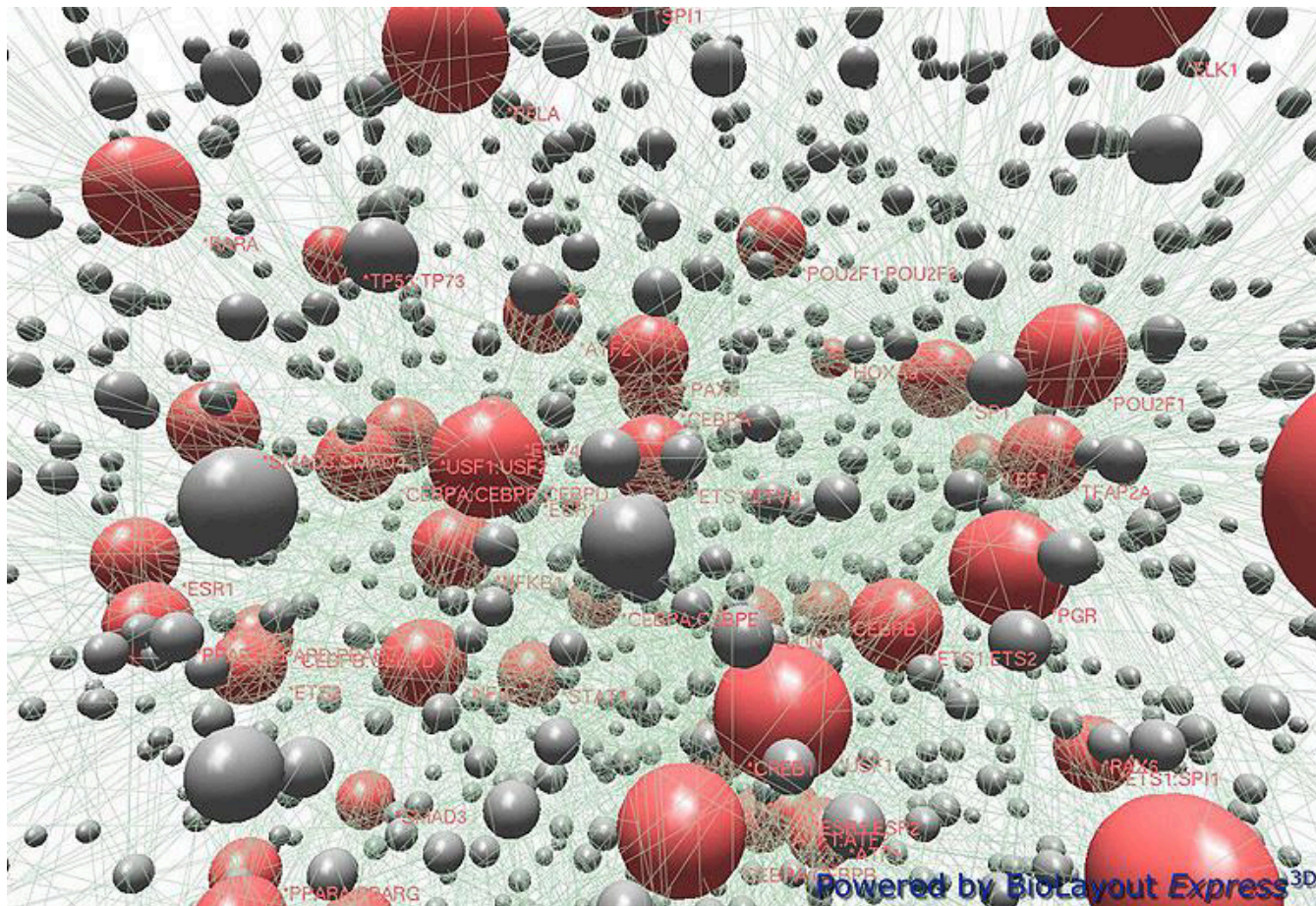
Model pro studium fluidních toků (Fast Multipole Multilevel Method)



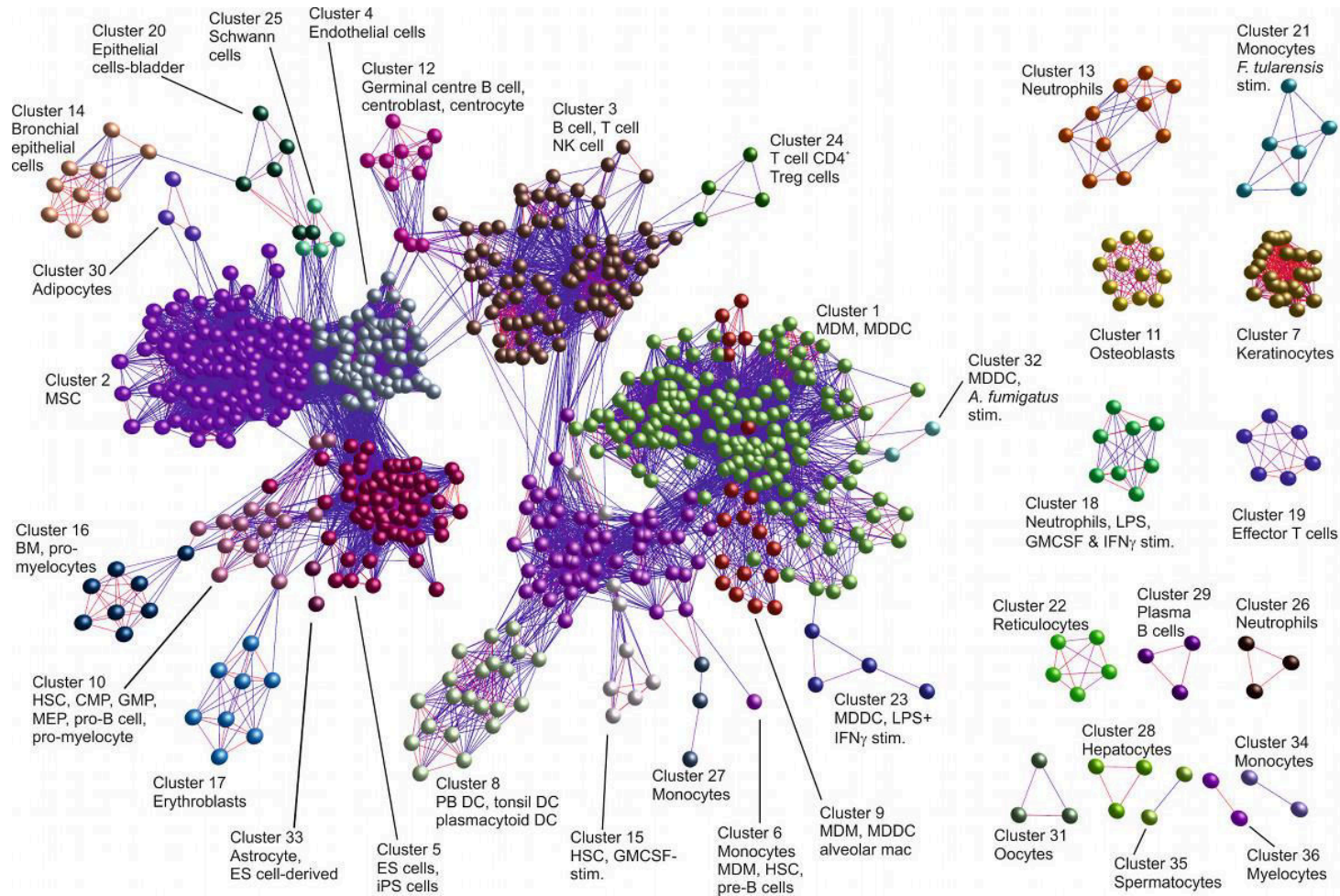
Transkripční regulační síť



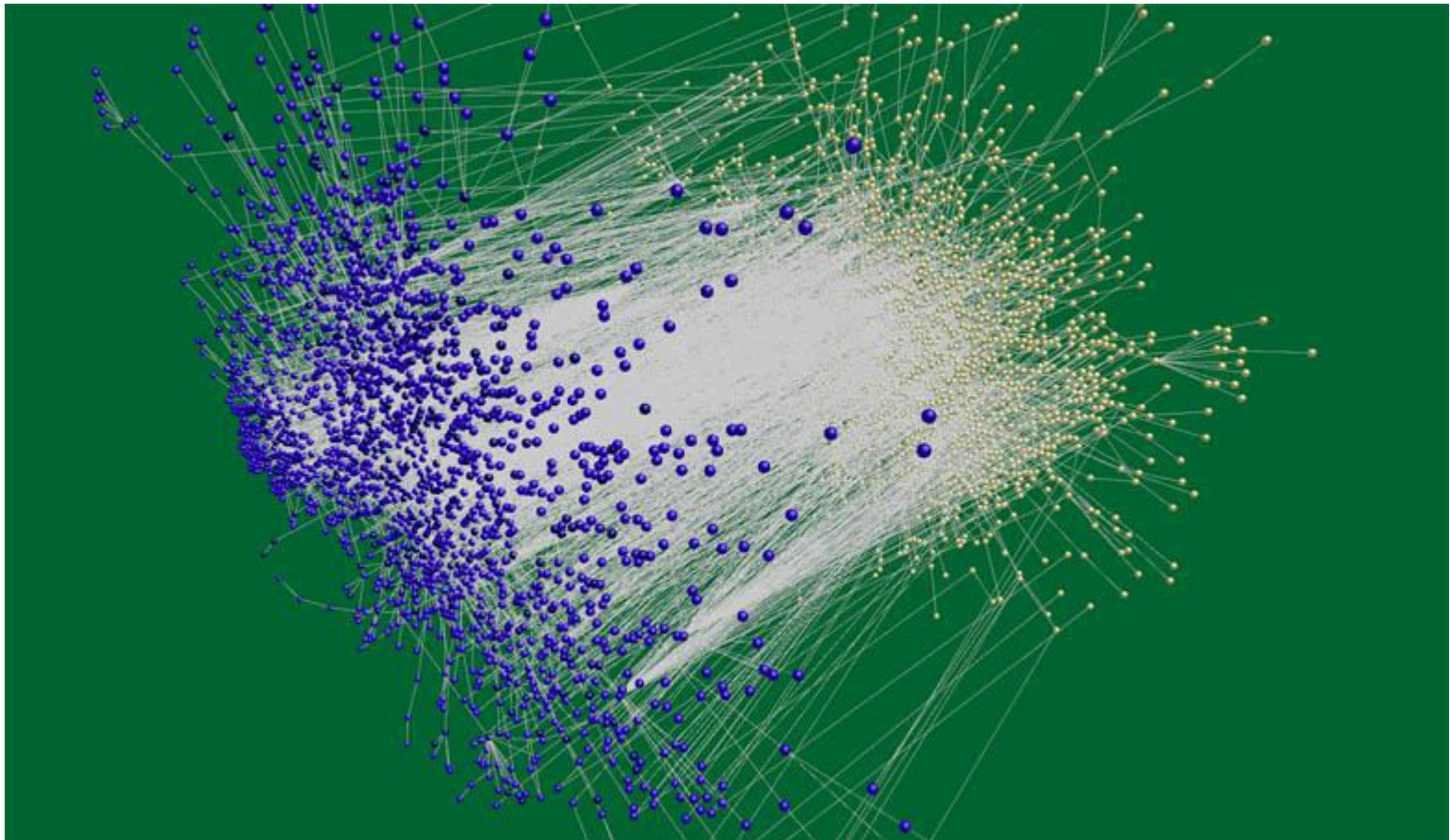
Přiblížený náhled v transkripční regulační síti

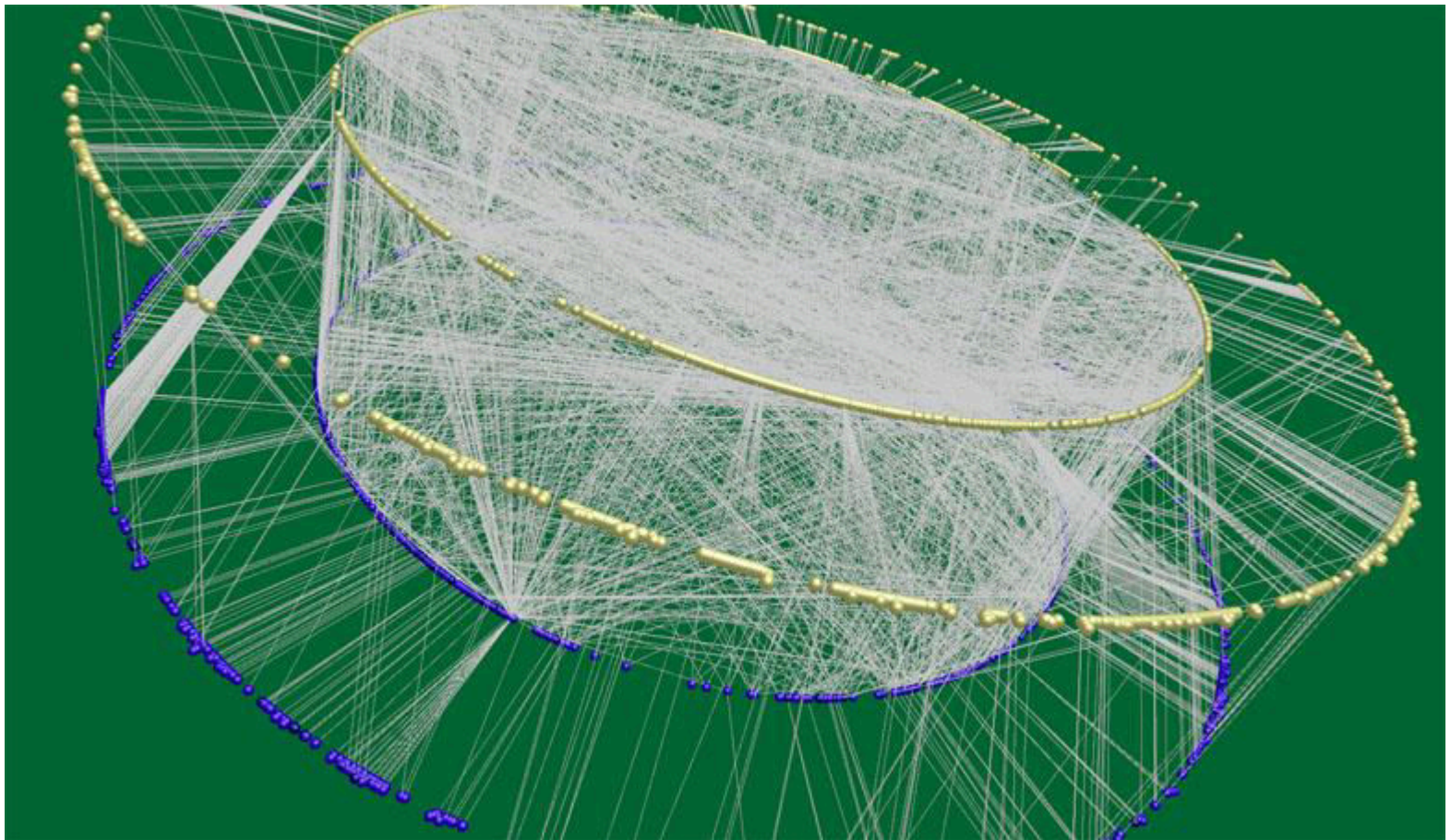


Druhy buněk v lidském těle (shlukování)

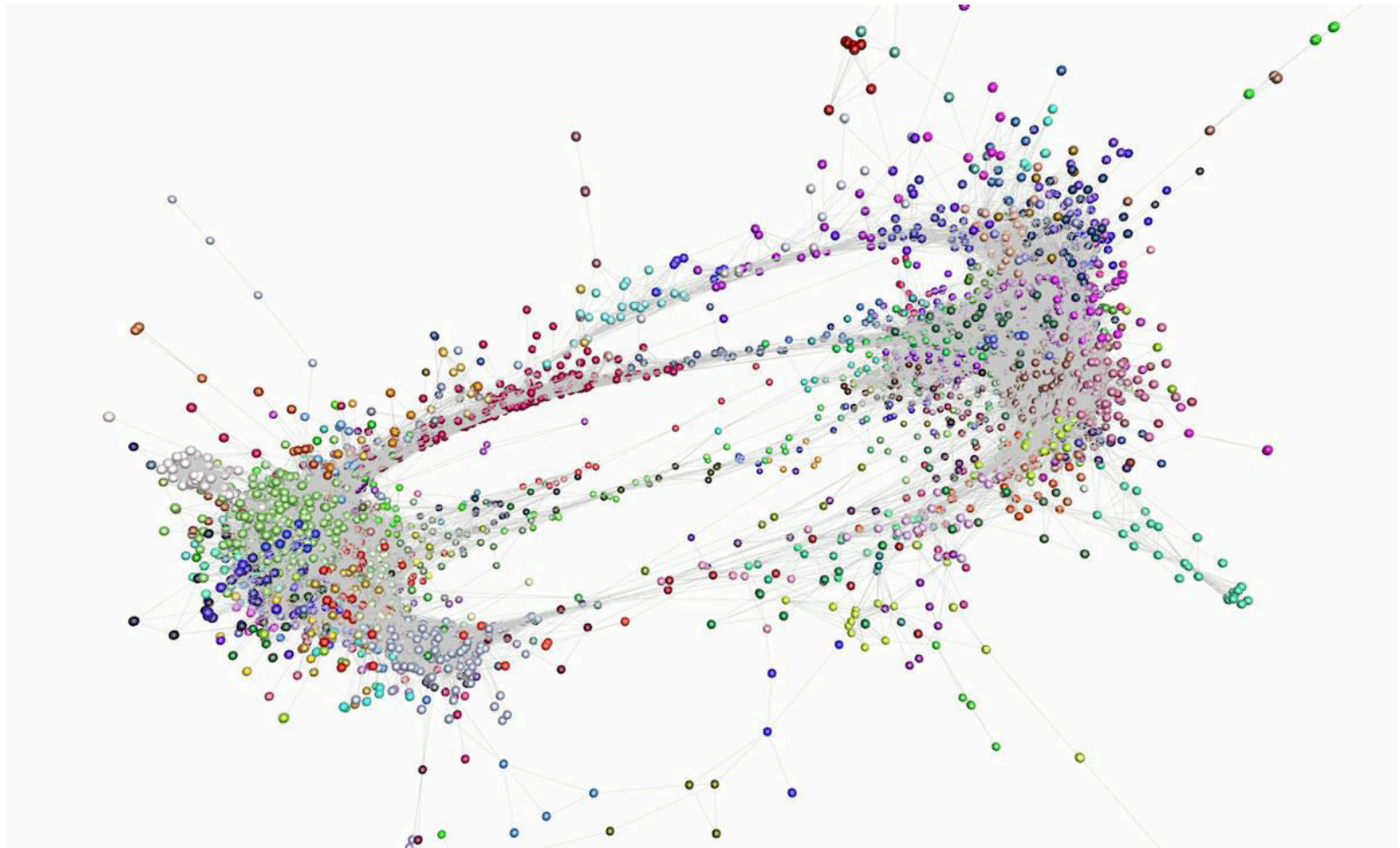


Proteinová interakce (žluté = lidské, modré = z kvasinky)

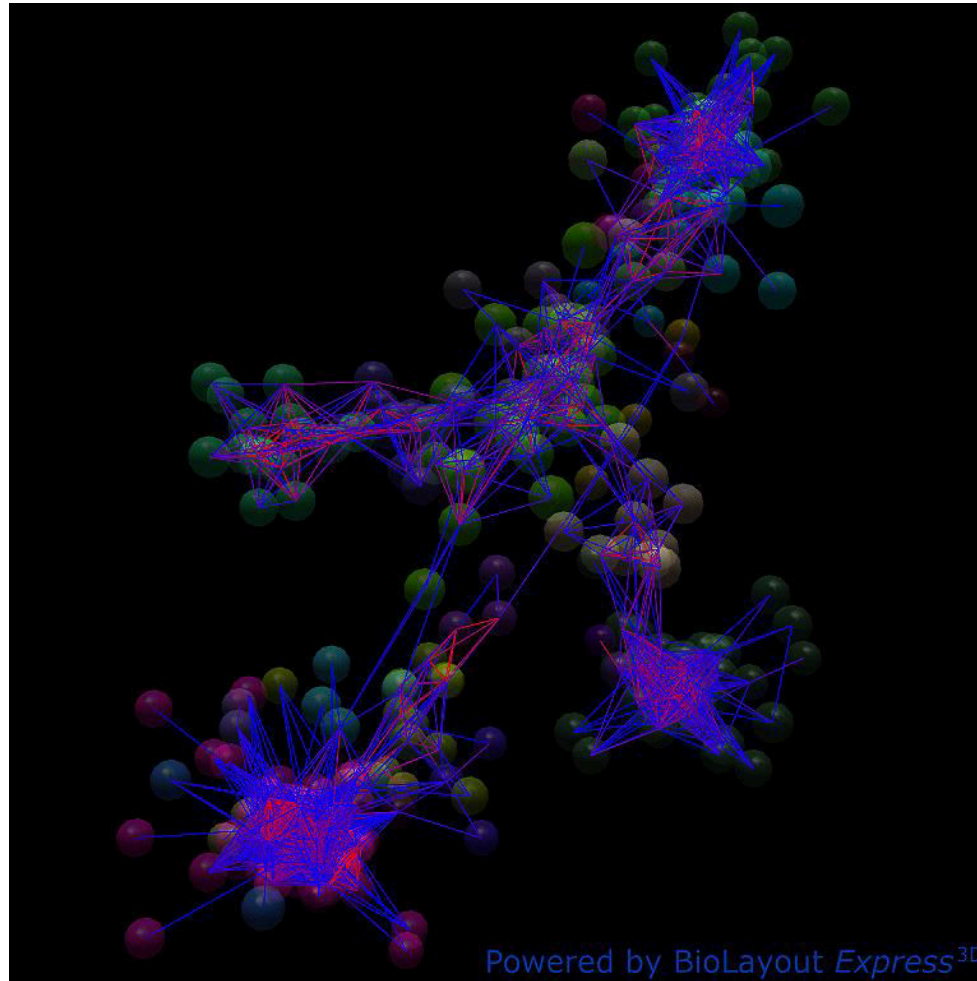




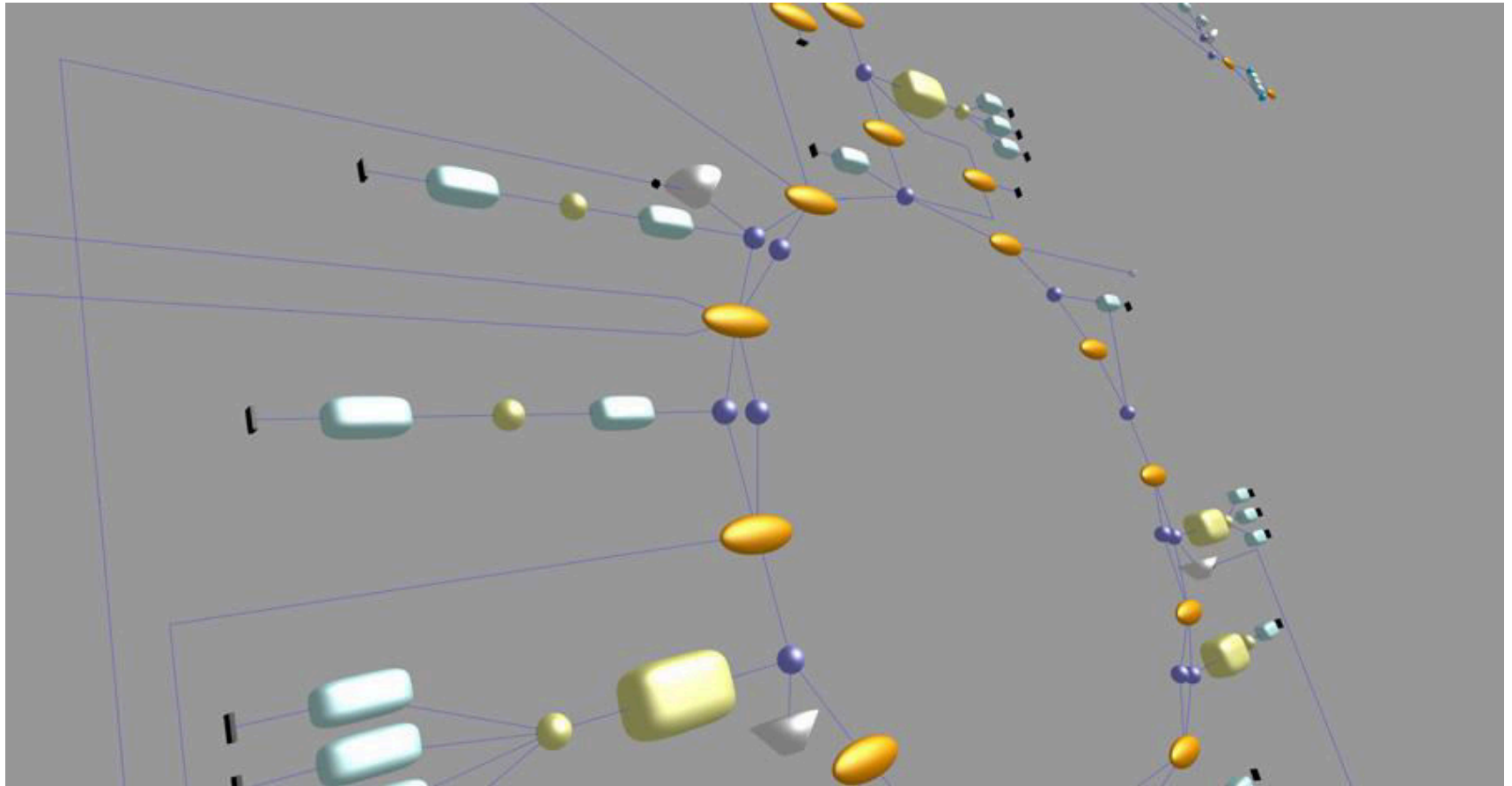
Síť zobrazující aktivaci makrofágů v kostní dřeni



Clustering s průhlednými uzly



mEPN-3D notation schéma



3D modely reálných objektů

