

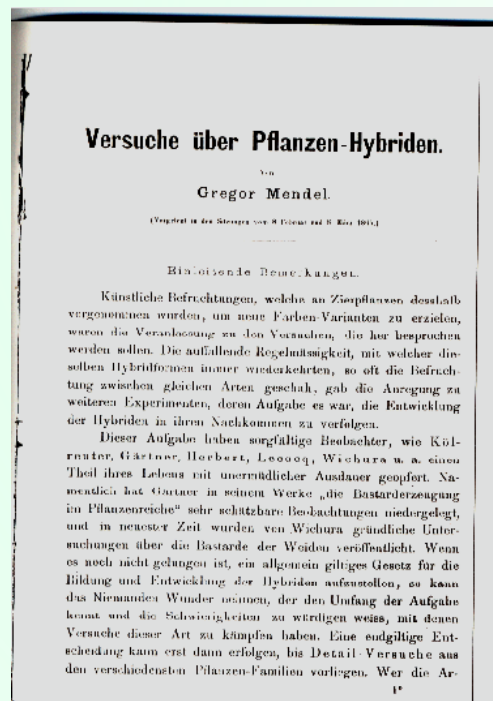
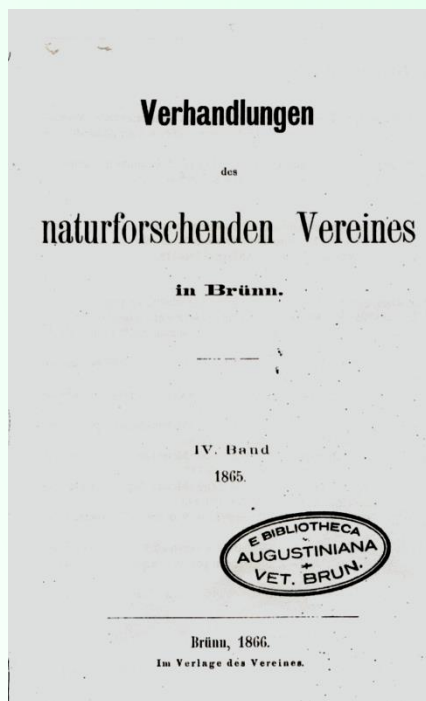
# Biologie

## 8. Základy genetiky

Doc. RNDr. Jan Hošek, Ph.D.  
hosek@mail.muni.cz

Ústav molekulární farmacie  
FaF MU

# Historie genetiky



10 000  
př.n.l.

- neolitická revoluce – vznik zemědělství
- selekce nejvhodnějších jedinců pro další chov/pěstování

460-370  
př.n.l.

- Hippokrates
- „Rodí li se z flegmatika flegmatik, z cholerika choleric, dozajista se rodí epileptik z rodičů epileptických...“

1820

- C.F. Nasse
- popsal dědičnost hemofilie - vazba na pohlaví

1822-  
1884

- Johann Gregor Mendel
- Položeny základy genetiky

1900

- **de Vries, Tschermak a Correns**
- znovuobjevení Mendelových zákonů

1906

- **William Bateson**
- použil termín **genetika**, heterozygot a homozygot, F1 a F2 aj.

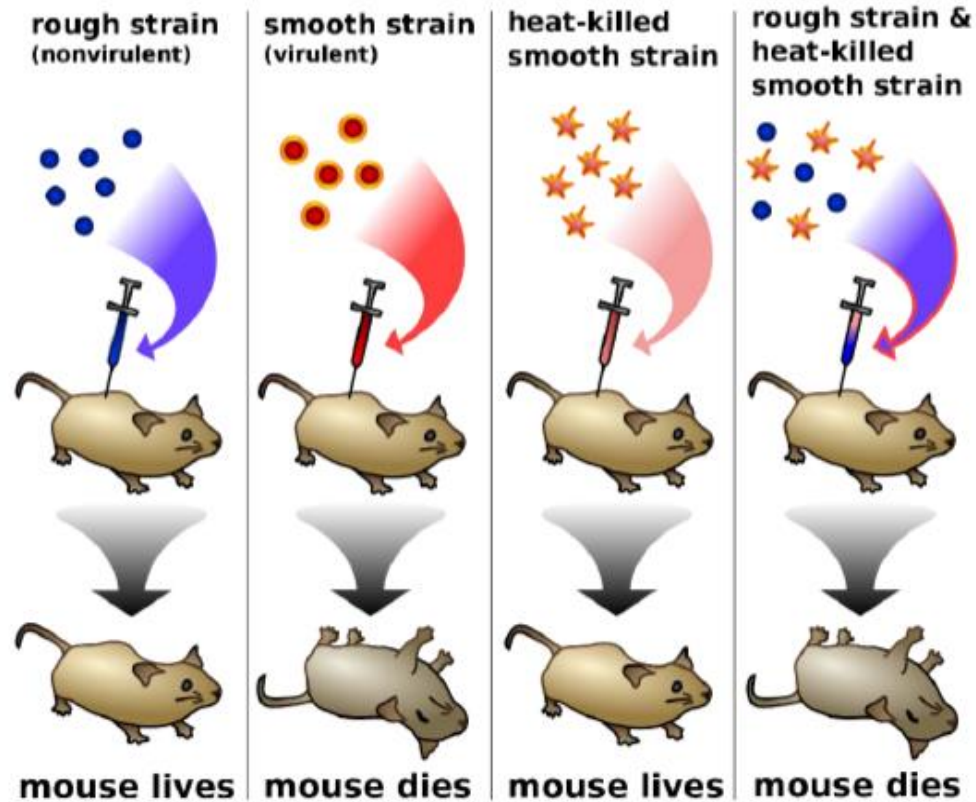
# Historie genetiky

- 1900 **de Vries, Tschermaka Correns** - znovuobjevili Mendelovy zákony
- 1906 **William Bateson** - použil termín genetika, heterozygot a homozygot
- **Wilhelm Johannsen** - zavádí pojmy gen, genotyp a fenotyp
  
- **Thomas Hunt Morgan** - práce o chromozomech (Chromosomes and heredity)
  - modelový organismus používal octomilku (*Drosophila melanogaster*)
  - nových poznatky o genech a genové vazbě
  - 1933 se stal prvním genetikem, který získal Nobelovu cenu
  - geny jsou vždy uloženy na chromosomu lineárně za sebou
  - geny jednoho chromosomu tvoří vazebnou skupinu
  - mezi geny homologického páru chromosomu může prostřednictvím *crossing-overu* probíhat genová výměna. Frekvence *crossing-overu* je úměrná vzdálenosti genů



# Historie genetiky

- ▶ 1869 - Miescher objev DNA (bílé krvinky)
- ▶ 1943 - Avery, MacLeod, McCartym

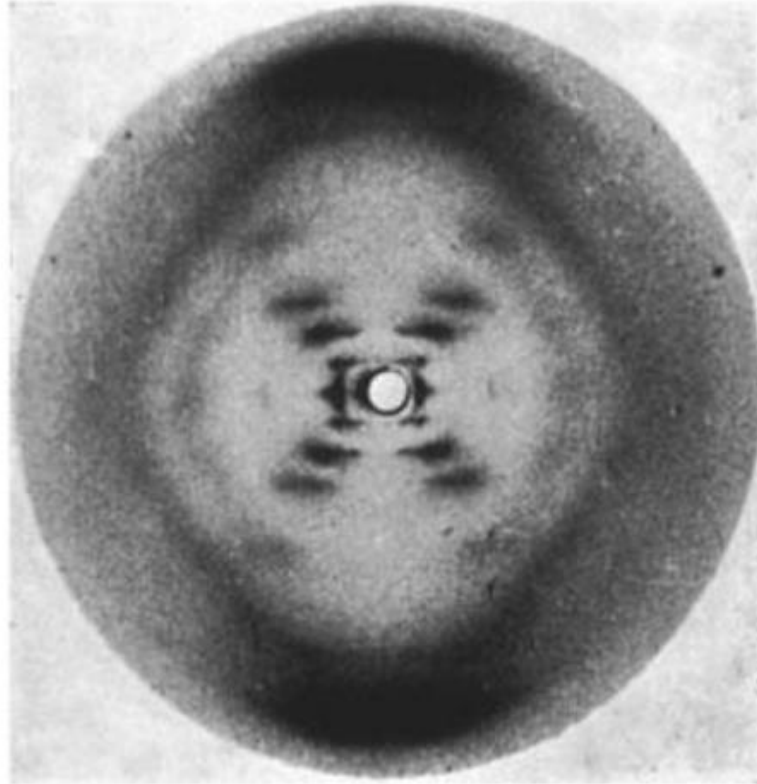


- ▶ role DNA přenos genetické informace



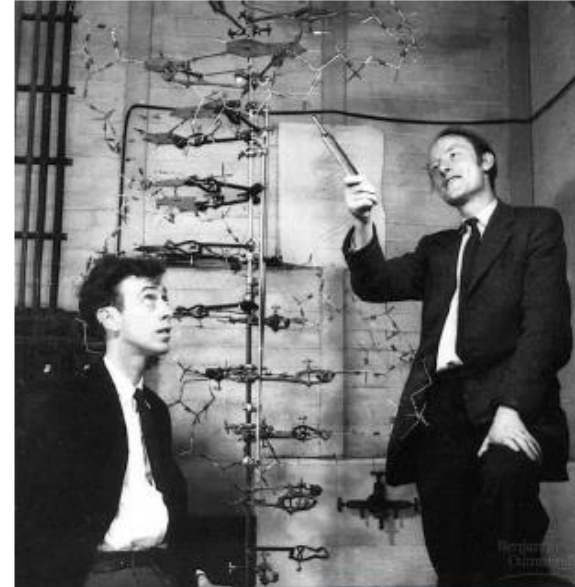
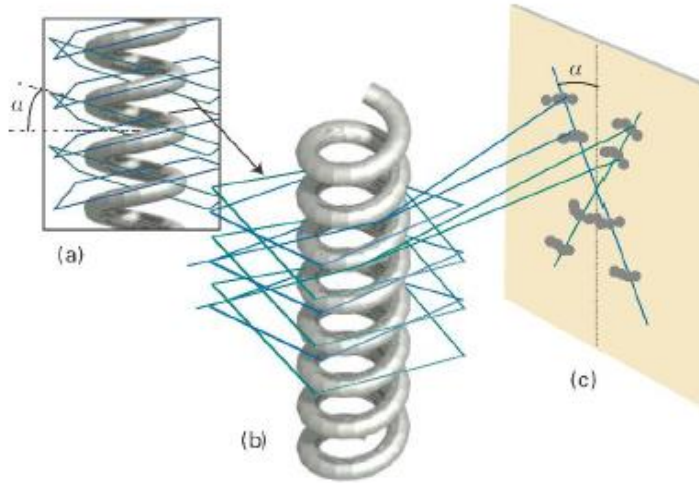
# Historie genetiky

- ▶ rentgenová strukturní analýza (difrakční obraz)
- ▶ nebylo možné izolovat čistou DNA, nekrytalizovala
- ▶ Rosalind Franklinová, Wilkins



# Historie genetiky

- ▶ **1953** James Watson a Francisi Crick objevili charakteristickou strukturu DNA (dvojité helix)



- ▶ 1962 obdrželi společně Crick, Watson a Wilkins Nobelovu cenu za fyziologii a lékařství



# Genetika

- je věda zabývající se dědičností a proměnlivostí živých soustav (a jejich příčinami)
- sleduje variabilitu, rozdílnost a přenos druhových a dědičných znaků mezi rodiči a potomky i mezi potomky navzájem

**GENETIKA**

**nauka o dědičnosti**

**podobnost**

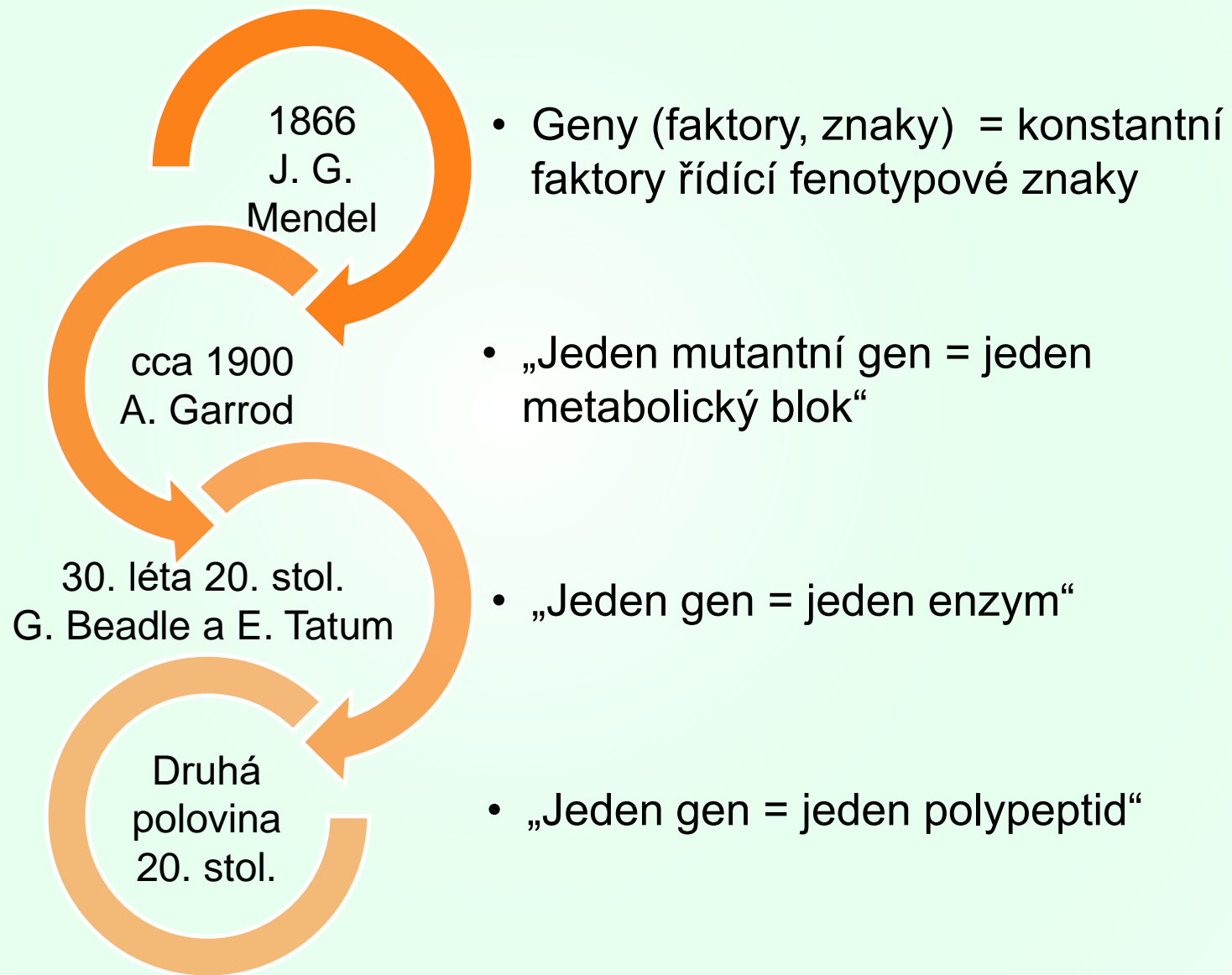
***replikace DNA***

**rozmanitost**

***segregace, kombinace  
rekombinace***

**MUNI  
PHARM**

# Co je to z funkčního hlediska „gen“?





# Trocha terminologie

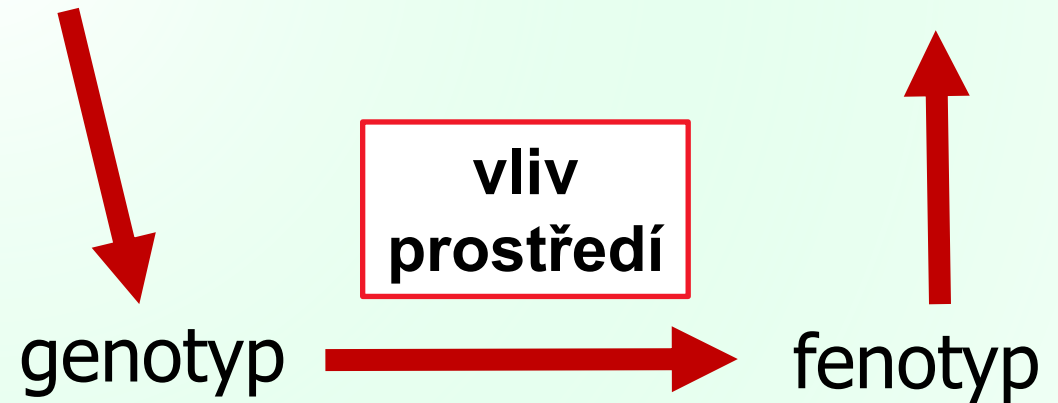
- **gen** – úsek DNA, který kóduje jeden funkční transkript (mRNA, rRNA, tRNA, siRNA, lncRNA,...)
- **alela** – konkrétní forma genu
- **genotyp** – soubor konkrétních genů (alel) organismu
- **fenotyp** – projev znaků



Geny, vlohy



znaky

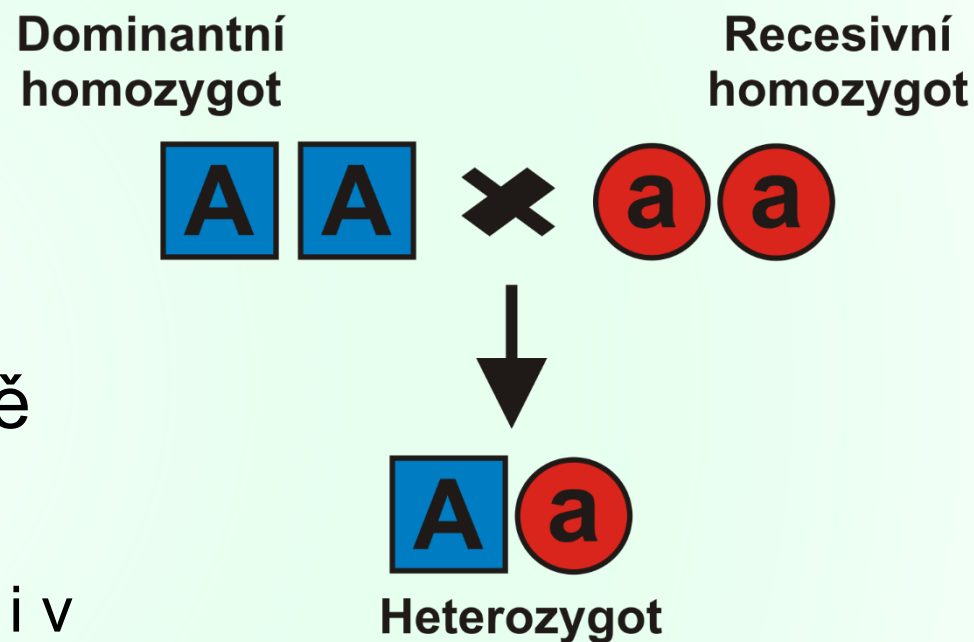


# „Klasická“ (mendelovská) dědičnost

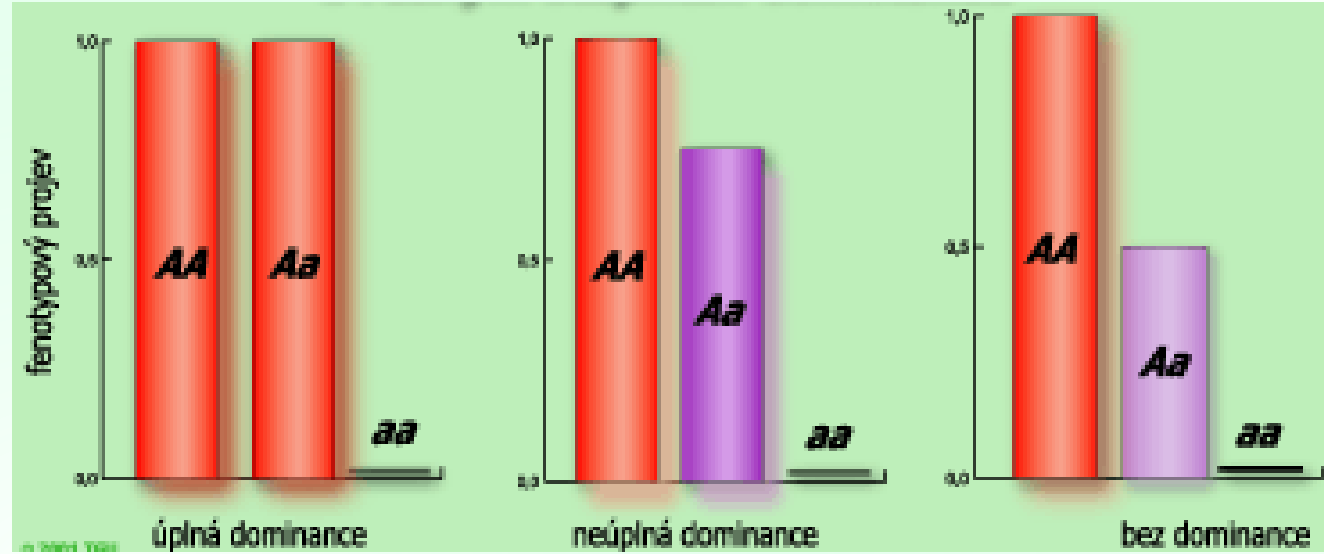
- Dědičnost kvalitativních znaků

## Mezialelické vztahy I.




- **úplná dominance** - dominantní alela úplně potlačí projev recesivní alely
  - dominantní alela je tedy taková, která se projeví i v heterozygotní kombinaci
- **neúplná dominance** - dominantní alela nepotlačuje recesivní alelu úplně, recesivní alela se také částečně projeví






# Mezialelické vztahy I.

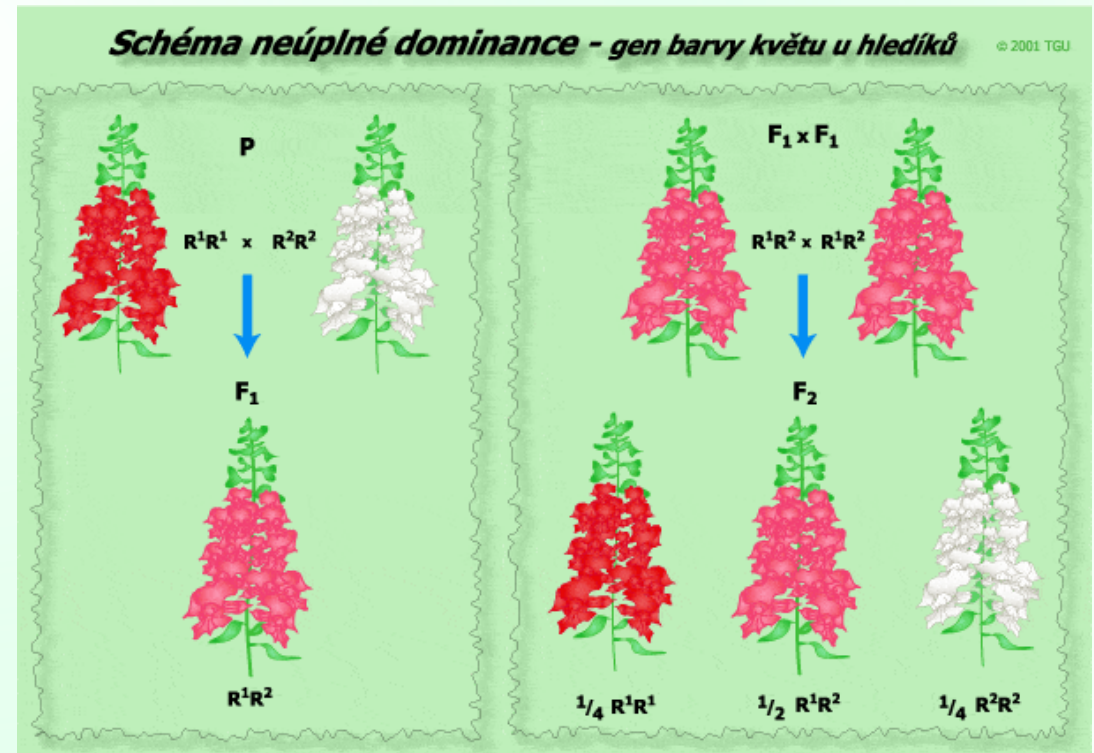


## Úplná dominance

Genotyp	Fenotyp
AA	
Aa	
aa	

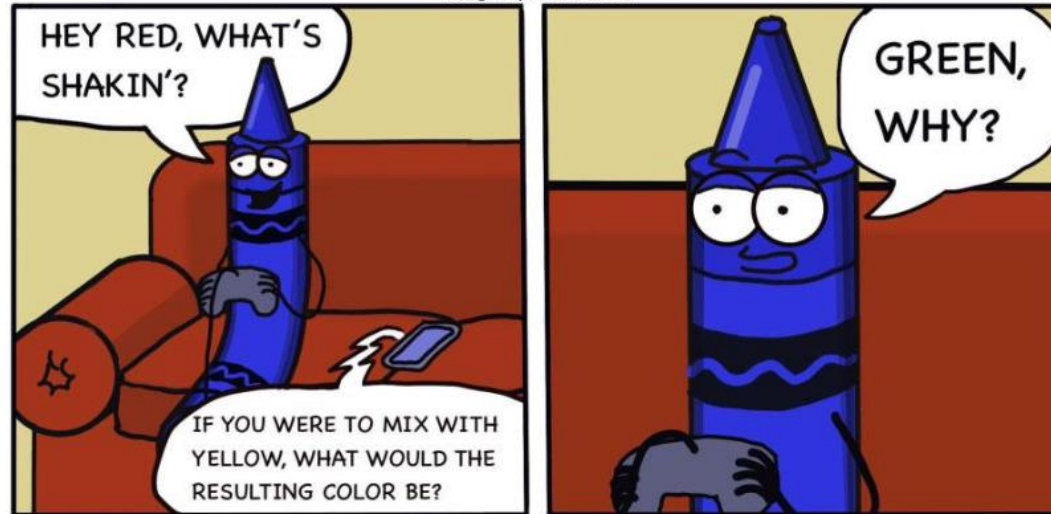
## Neúplná dominance

Genotyp	Fenotyp
AA	
Aa	
aa	



# This Meme Made Possible By Incomplete Dominance

TaughtByMemes.com

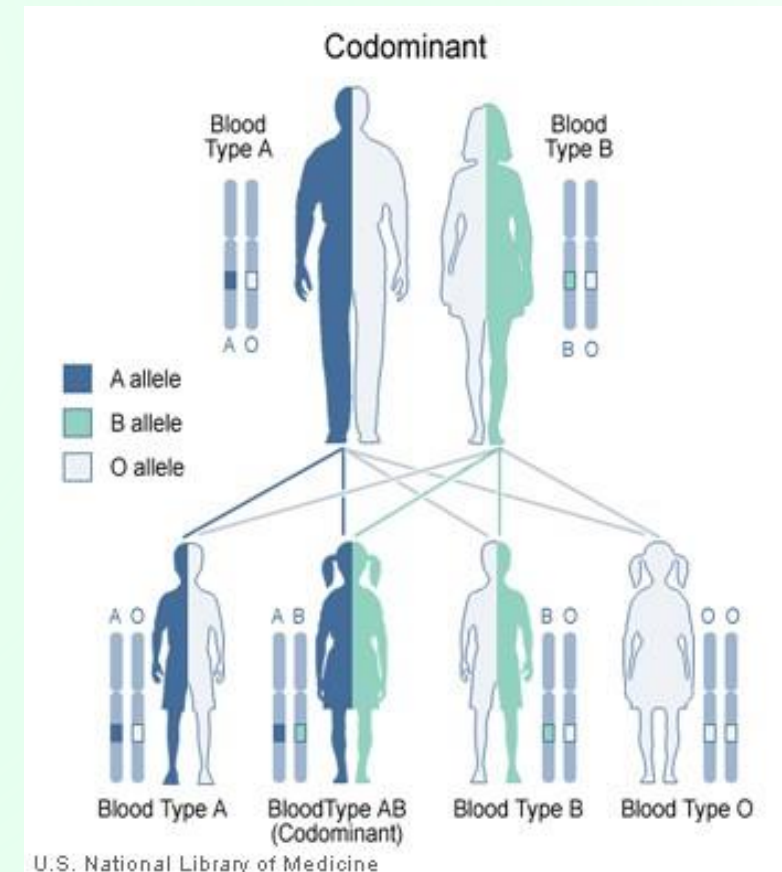
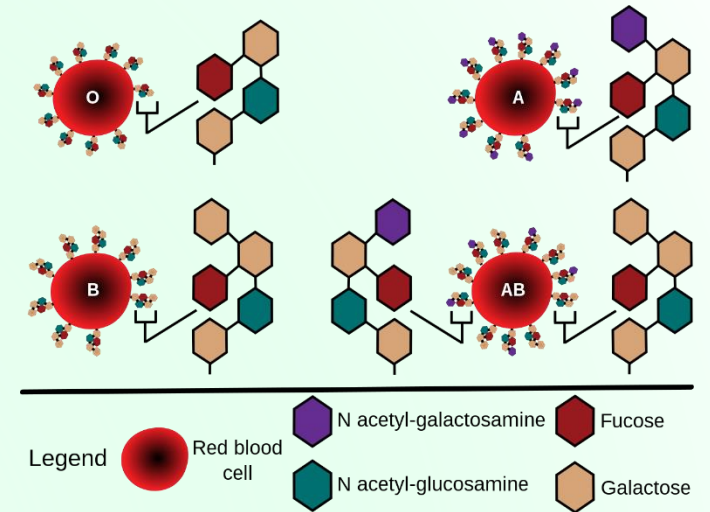


**Non-Mendelian Inheritance**



# Mezialelické vztahy II.















- **Kodominance** - obě přítomné alely se u heterozygota projeví v celé míře a navzájem se neovlivňují
- **Superdominance** - Heterozygot (Aa) vykazuje silnější formu znaku než oba typy homozygotů (aa, AA)
- **Heterózní efekt** – využití hlavně v zemědělství (např. F1 hybridy rajčat)
- Heterózní efekt je způsoben nahromaděním dominantních heterozygotních genů od obou rodičů u potomka (F1). Například jeden rodič má AABbCdd, druhý rodič má aabbCCDD, potomek s heterózním efektem má AaBbCcDd. Teorie dominance předpokládá, že dominantní alely jsou lepší než recesivní. Kdo má víc genů s dominantními alelami, má lepší výsledky.



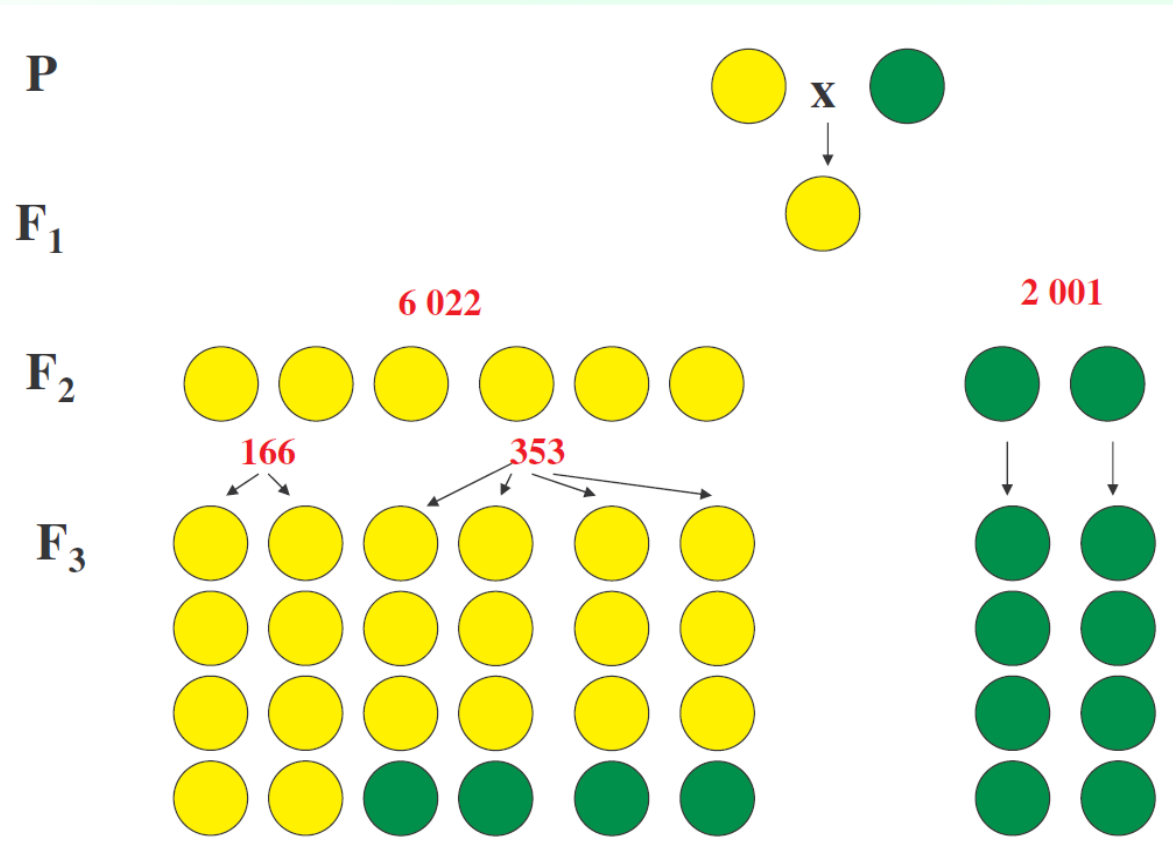


# Mendelovy zákony dědičnosti

- První experimenty na hrachu setém (*Pisum sativum*) = vhodný experimentální model
- pracoval s čistými rodičovskými liniemi (homozygoti)
- monohybridismus
- aplikace **matematiky a statistiky**

semeno		květ	lusk		stonek	
tvar	dělohy	barva	tvar	barva	umístění	velikost
						
šedý & kulatý	žluté	bílá	plný	žlutý	lusky a květy podél stonku	dlouhý
						
bílý & svrasklý	zelené	fialová	přiškrčený	zelený	koncové lusky, vrcholový květ	krátký
1	2	3	4	5	6	7

# Mendelovy experimenty



Znak	Celkem	Dominantní	Recesivní	Fenotypový poměr v F2
1. Tvar semen	7 324	5 474	1 850	2,96 : 1
2. Zbarvení semen	8 023	6 022	2 001	3,01 : 1
3. Zbarvení testy	929	705	224	3,15 : 1
4. Tvar lusků	1 181	882	299	2,95 : 1
5. Zbarvení lusků	580	428	152	2,82 : 1
6. Postavení květů	858	651	207	3,14 : 1
7. Délka stonku	1 064	787	277	2,84 : 1
				<b>Průměr=2,98:1</b>

# 1. zákon o uniformitě hybridů F1

- Křížíme-li **dva homozygoty**, jsou jejich potomci F1 generace v sledovaném znaku všichni stejní. Reciproká křížení u jakýchkoliv jedinců F1 generace dávají shodné výsledky

# 2. zákon o štěpení v potomstvu hybridů

- Při **křížení heterozygotů** lze genotypy a fenotypy vzniklých jedinců vyjádřit poměrem malých celých čísel. Vzniká genotypový a fenotypový štěpný poměr. U potomstva se projeví recesivní znak.

# Punnettův čtverec

P

**BB**

**bb**

100%

100%

gamety

**B**

**b**

*B* - dominantní alela  
pro žluté zbarvení  
*b* - recesivní alela  
pro zelené zbarvení

F1

**Bb**

**Bb**

gamety

50%  
**B**

50%  
**b**

50%  
**B**

50%  
**b**

F2

	<b>B</b>	<b>b</b>
<b>B</b>	<b>BB</b>	<b>Bb</b>
<b>b</b>	<b>Bb</b>	<b>bb</b>

♂/♀	A	A
A	AA	AA
A	AA	AA

♂/♀	a	a
a	aa	aa
a	aa	aa

♂/♀	A	A
a	Aa	Aa
a	Aa	Aa

### 3. Zákon o samostatnosti alel

- Genotyp je soubor samostatných genů určujících znaky. Každý znak je určen dvojicí samostatných alel

### 4. Zákon o segregaci alel

- Dvojice samostatných alel se při zrání rozcházejí a do každé gamety přechází jedna z obou alel



# 5. zákon nezávislého výběru

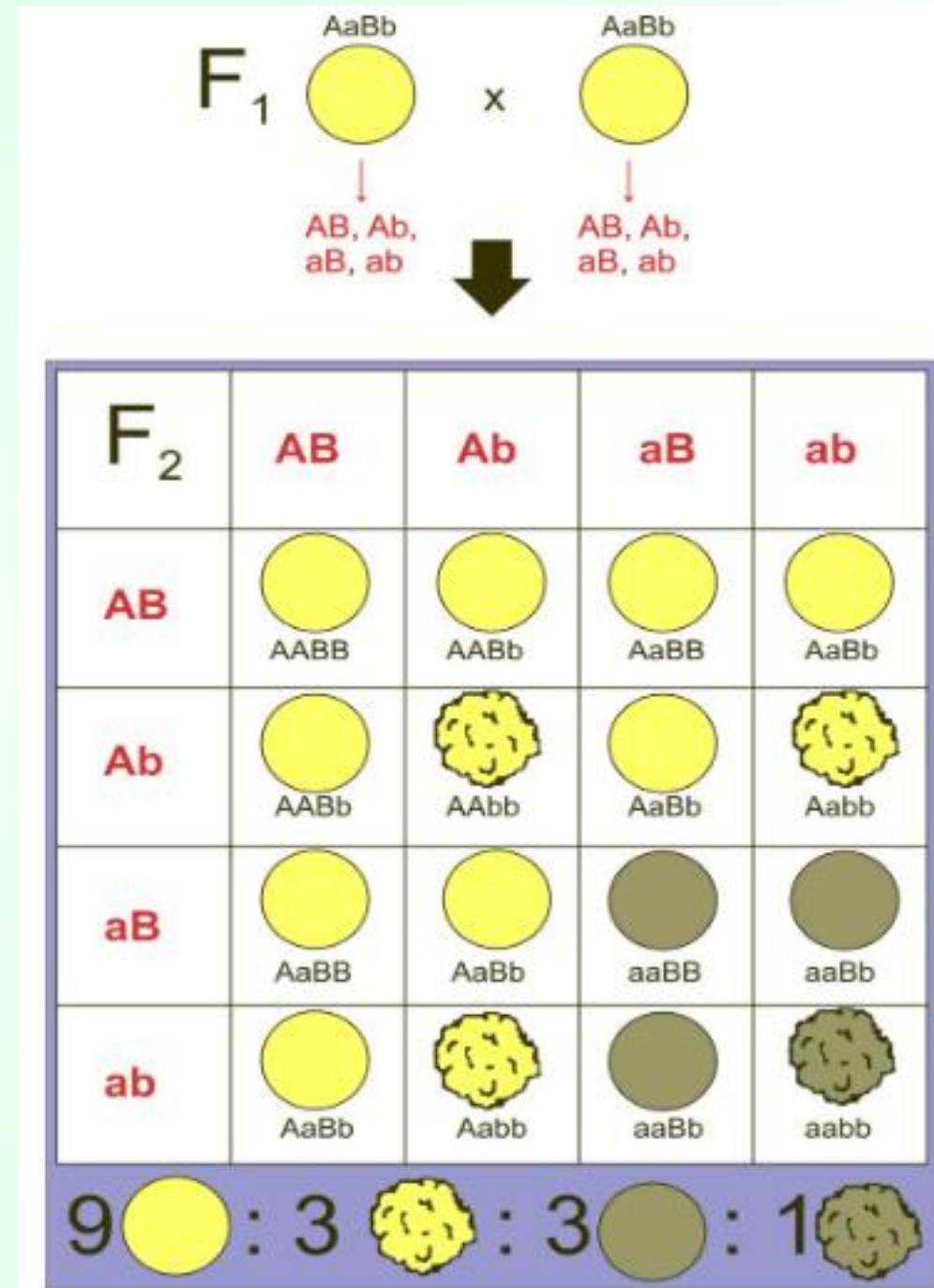
- zahrnuje více znaků → alely se navzájem neovlivňují, vzniká tedy spektrum různých kombinací

Zobecnění pro n- hybridismus

	n=1	n=2	obecně
Počet druhů gamet hybridu	$2 = 2^1$	$4 = 2^2$	$2^n$
Počet druhů zygot	$3 = 3^1$	$9 = 3^2$	$3^n$
Počet různých homozygotů*	$2 = 2^1$	$4 = 2^2$	$2^n$
Počet šlechtitel. novinek	$0 = 2^1 - 2$	$2 = 2^2 - 2$	$2^n - 2$
Genotypový poměr v F2	$(1:2:1)^1$	$(1:2:1)^2$	$(1:2:1)^n$
Fenotypový poměr v F2**	$(3:1)^1$	$(3:1)^2$	$(3:1)^n$

\* v obou alelových párech

\*\* při úplné dominanci ve všech alelových párech



# Shrnutí Mendelových poznatků

**1. Jednotky dědičnosti (geny) jsou materiální povahy a předávají se z generace na generaci**

**2. P homozygotní - F1 uniformní**

**3. Identita reciprokých křížení**

**4. Vlohy (alely) jsou párové**

**5. Alely jednotlivých genů se rozcházejí do gamet**

**PRINCIP SEGREGACE**

**6. Nezávislá kombinace alel různých genů v gametách**

**PRINCIP KOMBINACE**

**7. Dominance a recesivita - Aa, AA mají stejný fenotyp**

**8. Neúplná dominance - genotyp = fenotyp**

# Odchyly od mendelovských štěpných poměrů

- situace, kdy Mendelovy zákony úplně neplatí
- odchyly od mendelových pravidel (vztaženo na genetiku lidského jedince):
  - Snížená vitalita (letalita) gamet a zygot
  - Vazba genů
  - Interakce genů
  - Vazba na pohlaví
  - Mimosjaderná dědičnost
  - Polygenní dědičnost
  - Variabilní exprese

# Snížená vitalita (letalita) gamet a zygot

gamety - haplontická selekce

zygoty - diplontická selekce

*vitální > subvitální > semiletální > letální*

recesivní letalita

AA Aa ~~aa~~

recesivní letalita dominantní alely

~~AA~~ Aa aa

dominantní letalita

~~AA~~ ~~Aa~~ aa

# Recesivní letalita dominantní alely

- Manská kočka
- ~~MM~~ –letální
- Mm –bezocasé
- mm -normální



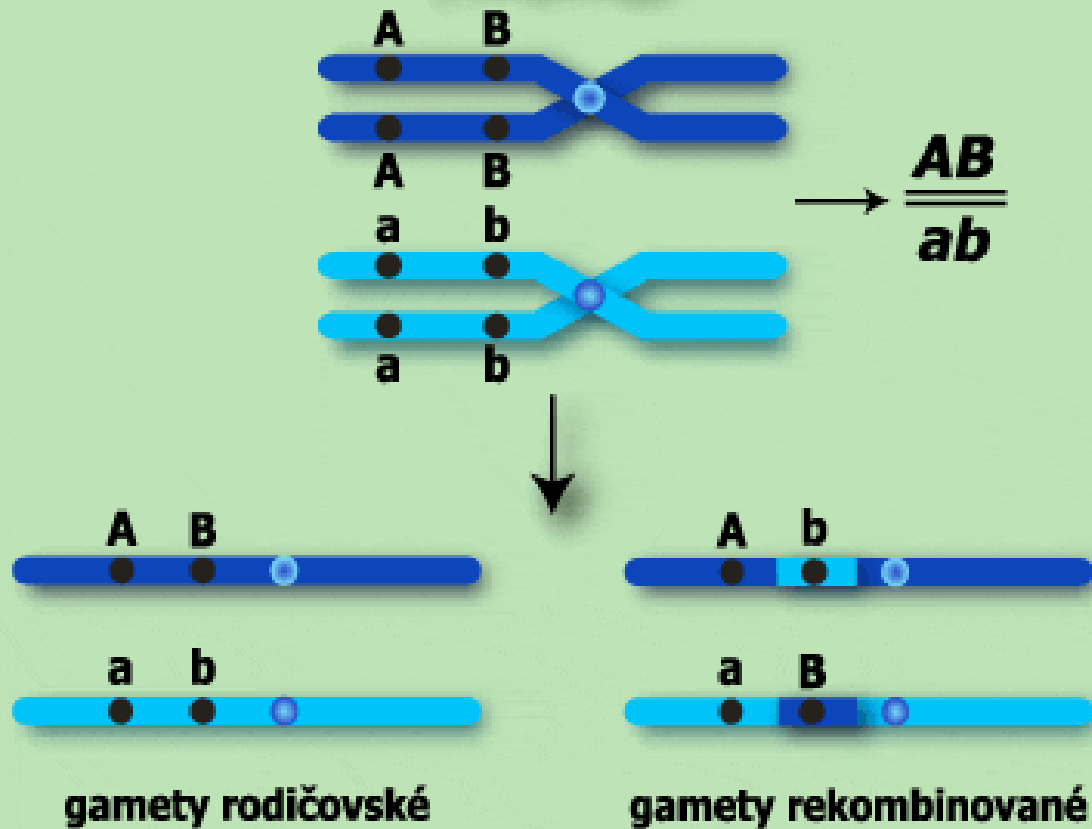


# Vazba genů

- **při vazbě dvou genů neplatí volná kombinovatelnost** = odchylky od fenotypového štěpného poměru 9:3:3:1 v F2 a 1:1:1:1 v B1 generaci
- geny na jednom chromozomu jsou vzájemně vázané
- **trans fáze** - dihybrid AaBb, který má geny A a B uloženy na **různých párech chromozomů**, tvoří gamety genotypů AB – Ab – aB – ab v poměru 1 : 1 : 1 : 1
- **cis fáze** - dihybrid AaBb, který má geny A i B uloženy **v jednom páru chromozomů**, tvoří gamety typu AB – Ab – aB – ab v odlišných poměrech
- příčinou je **crossing-over** mezi nesesterskými chromatidami
  - vznikají gamety s nerekombinovanými (AB, ab) a rekombinovanými (Ab, aB) genotypy
  - pravděpodobnost crossing-over klesá se vzdáleností obou sledovaných genů
- **síla vazby** (= vzdálenost mezi geny) se určuje **Morganovým číslem**, které vyjadřuje podíl rekombinant a udává se v centimorganech (1 cM = 1 % rekombinant), k rekombinačnímu procesu dochází s relativně nízkou pravděpodobností

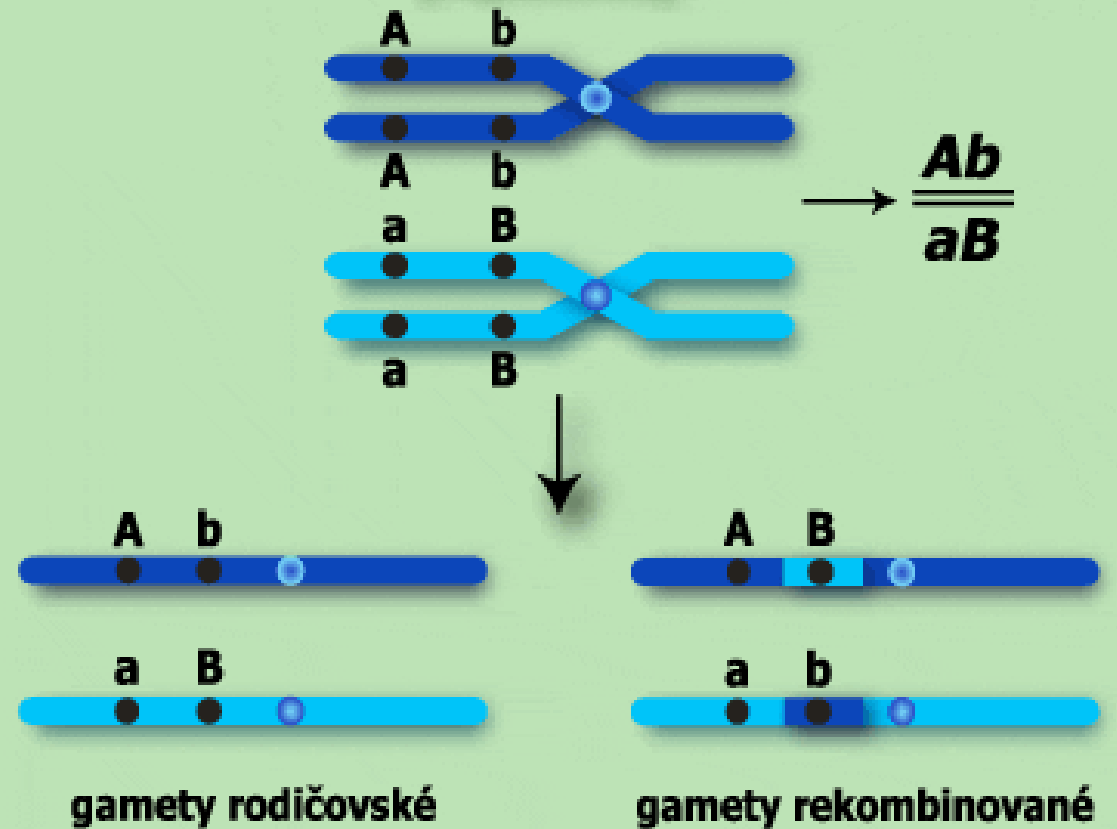
# Vazbová fáze cis/trans

## Vazbová fáze CIS (coupling)



© 2001 TGU

## Vazbová fáze TRANS (repulsion)

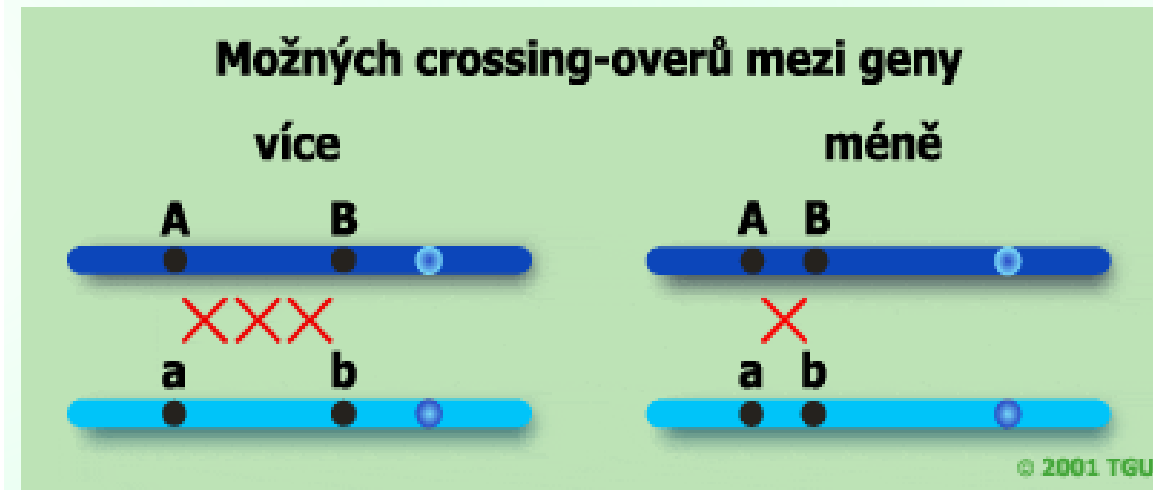
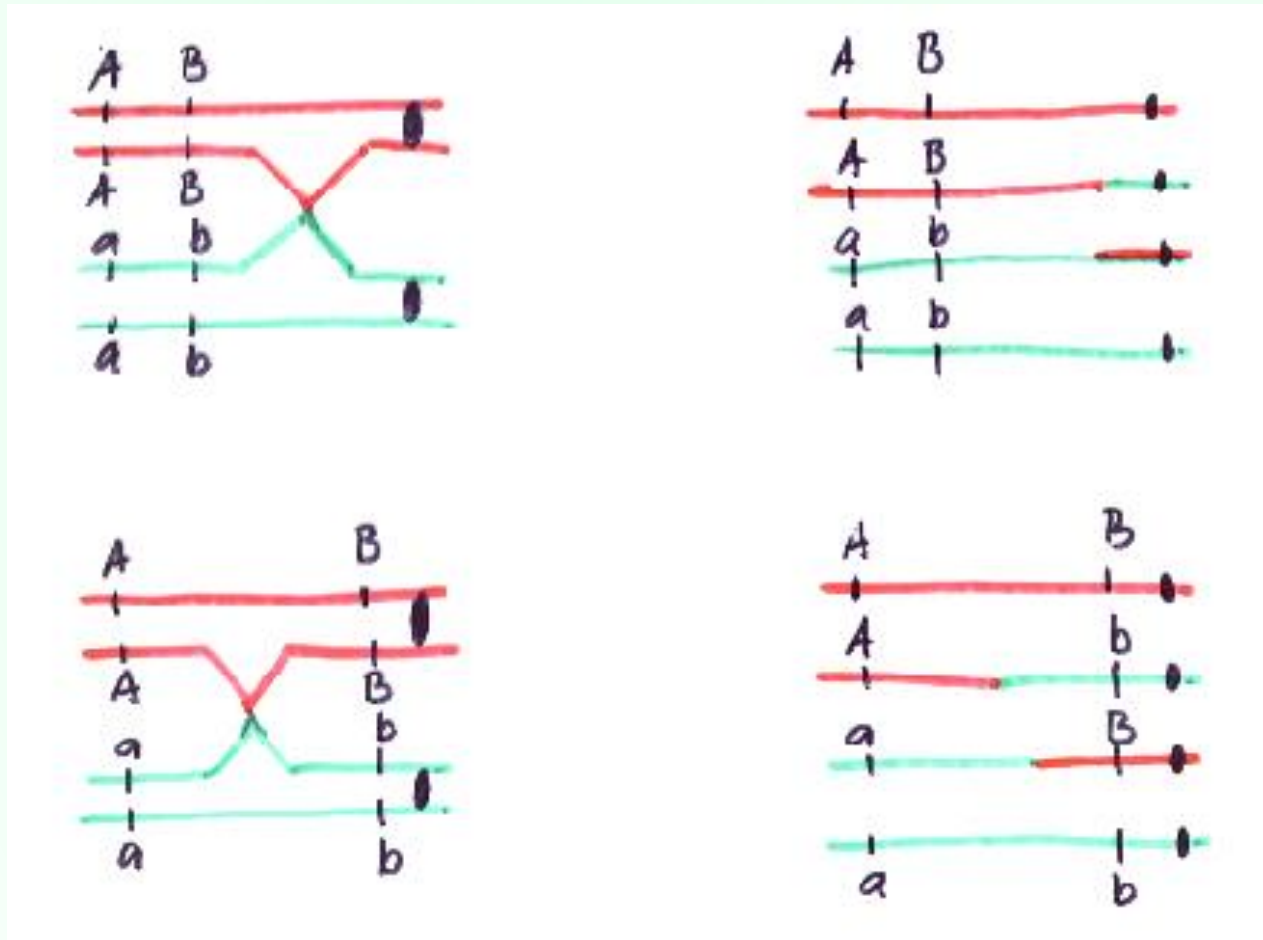


© 2001 TGU

# Dvě možnosti výměn mezi nesesesterskými chromatidami

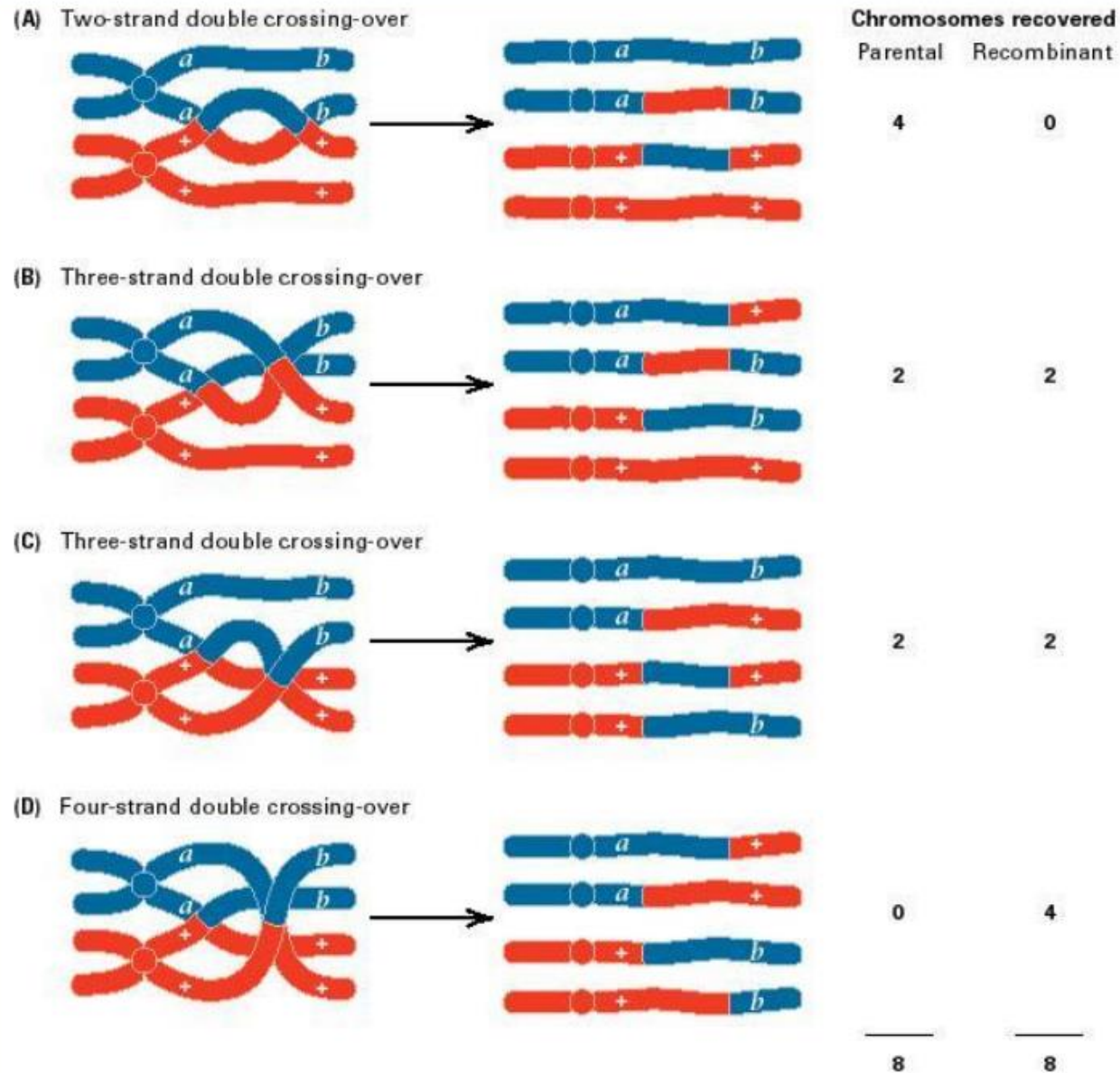
chromozomový pár

gamety



[https://user.mendelu.cz/urban/vsg1/mendel/klas\\_vazba1.html](https://user.mendelu.cz/urban/vsg1/mendel/klas_vazba1.html)

# Možnosti rekombinace chromatid



Inkorporace BrDU  
během S-fáze



# Interakce genů

- Reciproká interakce
  - interakce bez změny štěpného poměru, sledovaný znak se vyskytuje ve více formách, z nichž každá je determinována jednou z kombinací alel rodičovských genů
- Epistáze
- Inhibice
- Komplementarita



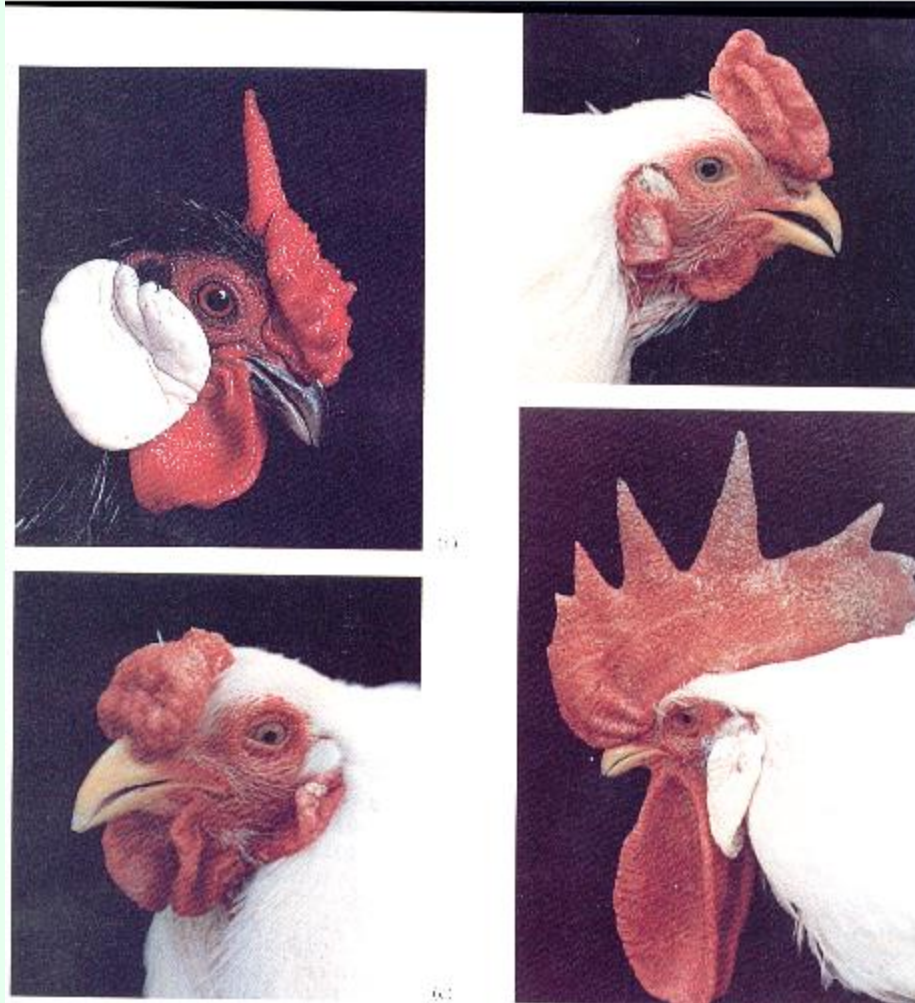
9 : 3 : 3 : 1  
 F-O- : F-oo : ffO- : ffoo

Příklad interakce s nezměnným číselným poměrem - obdílčnost zbarvení pěti andulky

<b>P</b> PARENTÁLNÍ GENERACE	 FFOO	 ffoo		
<b>F1</b>	 FfOo			
<b>F2</b>	 FFOO	 FFOo	 FfOO	 FfOo
	 FFOo	 FFoo	 FfOo	 Ffoo
	 FfOO	 FfOo	 ffOO	 ffOo
	 FfOo	 Ffoo	 ffOo	 ffoo

# Reciproká interakce

(a)  
Wyandotky  
*R- pp*



(b)  
Brahmanky  
*rr P-*

Hybrid  
(a) x (b)  
*R- P-*

Leghornky  
*rr pp*

# Interakce genů

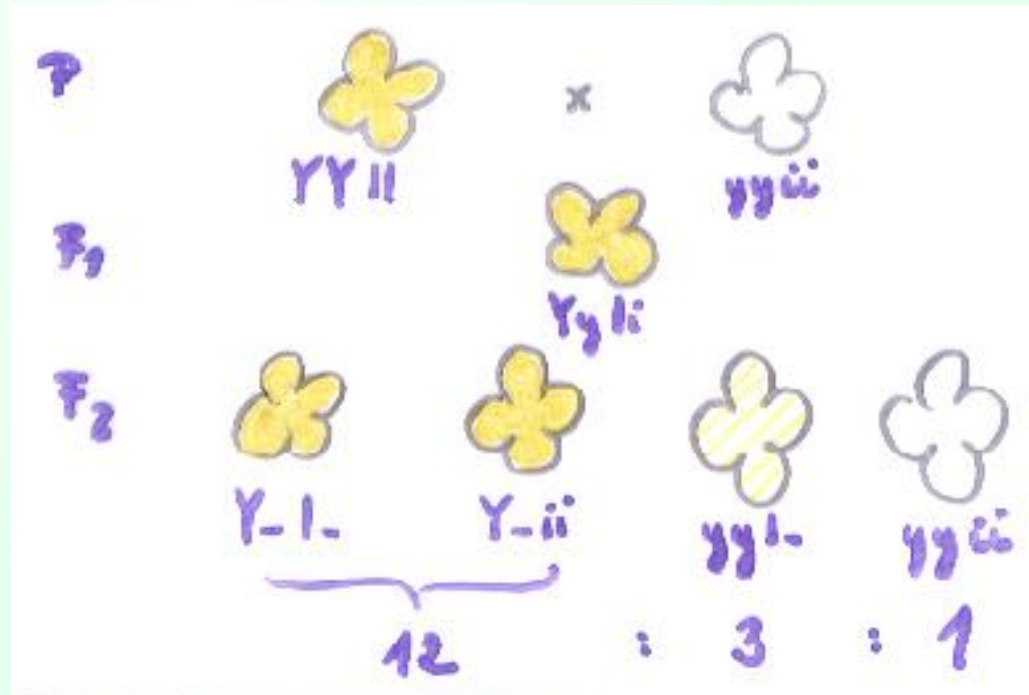
- Reciproká interakce
- Epistáze
  - gen, kódující příslušný znak, nemá šanci se projevit, protože jemu nadřazený gen to nedovolí
  - Štěpný poměr je pozměněn
- Inhibice
- Komplementarita

# Epistáze dominantní

- U dominantní epistáze stačí, aby byla v epistatickém vlohovém páru přítomna aspoň jedna dominantní alela k potlačení účinku podřízeného alelického páru. Dominantní homozygoti i heterozygoti v epistatickém páru mají tedy shodný fenotyp bez ohledu na to, jaké vlohy nesou na páru hypostatickém.

**epistatický gen (alela)  $Y$**   
**hypostatický gen  $I, i$**

**$Y$ ...intenzivně žlutý flavon**  
 **$I$ ... krémově žlutý flavon**



***Dahlia  
variabilis***



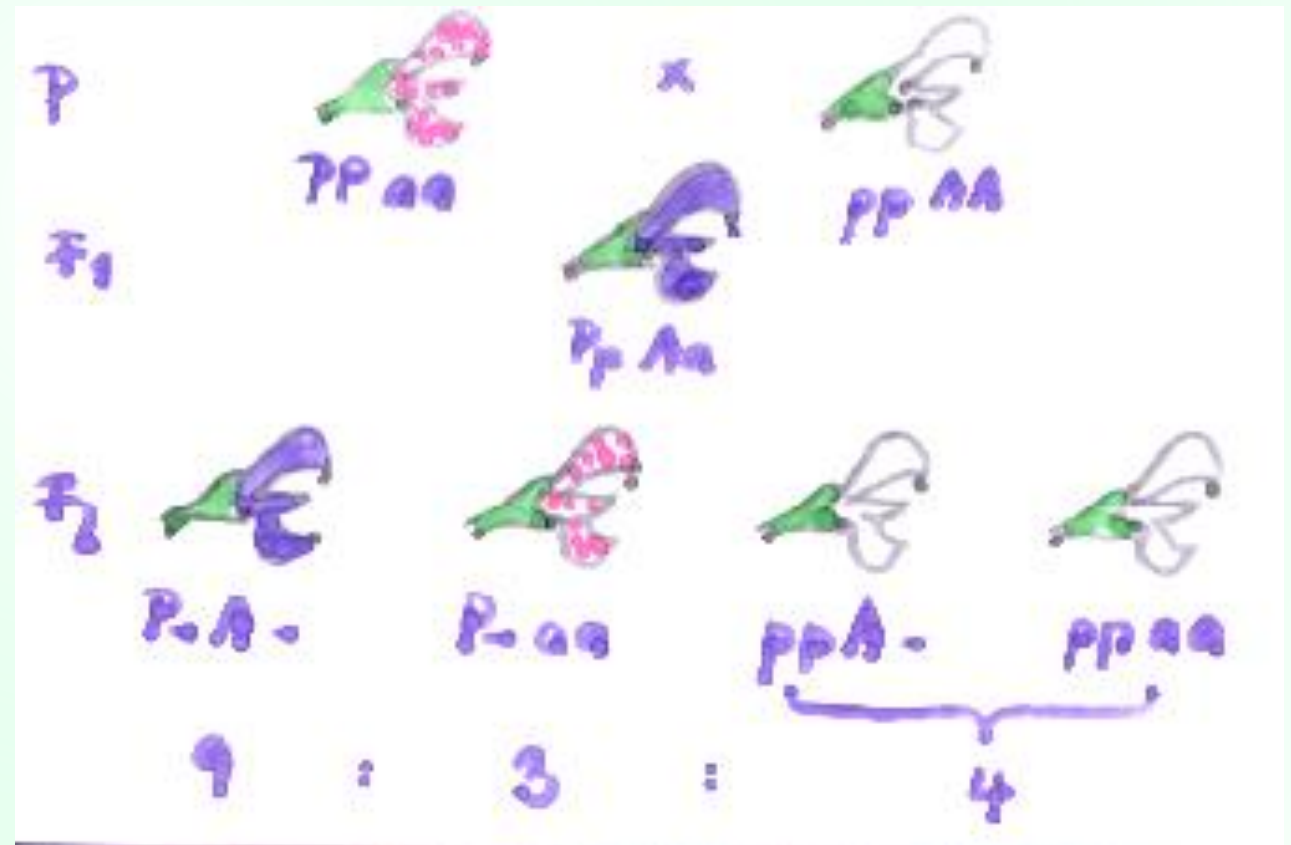
# Epistáze recesivní

- U recesivní epistáze se tlumící účinek epistatického vlohového páru projeví jen tehdy, je-li v tomto znaku jedinec recesivní homozygot.

*Salvia viridis*  
*var. horminum*

**P...** růžový antokyan  
**A...** růžový → fialový

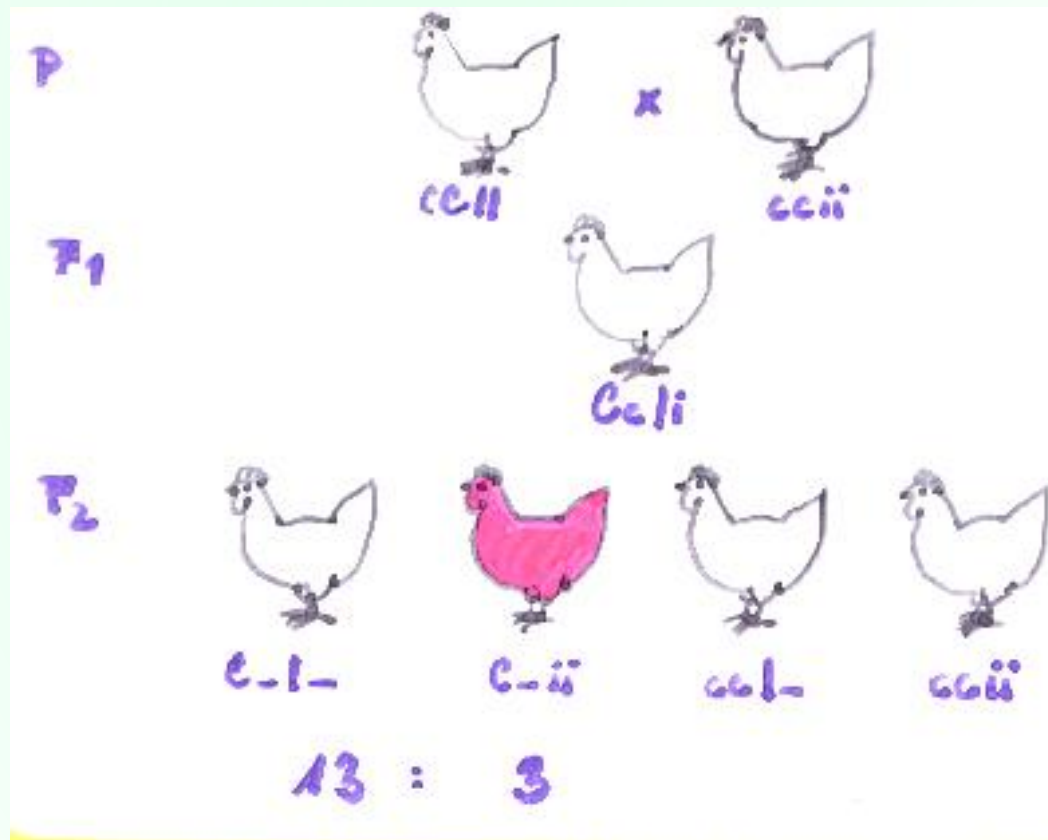
**pp > A-**





# Inhibice

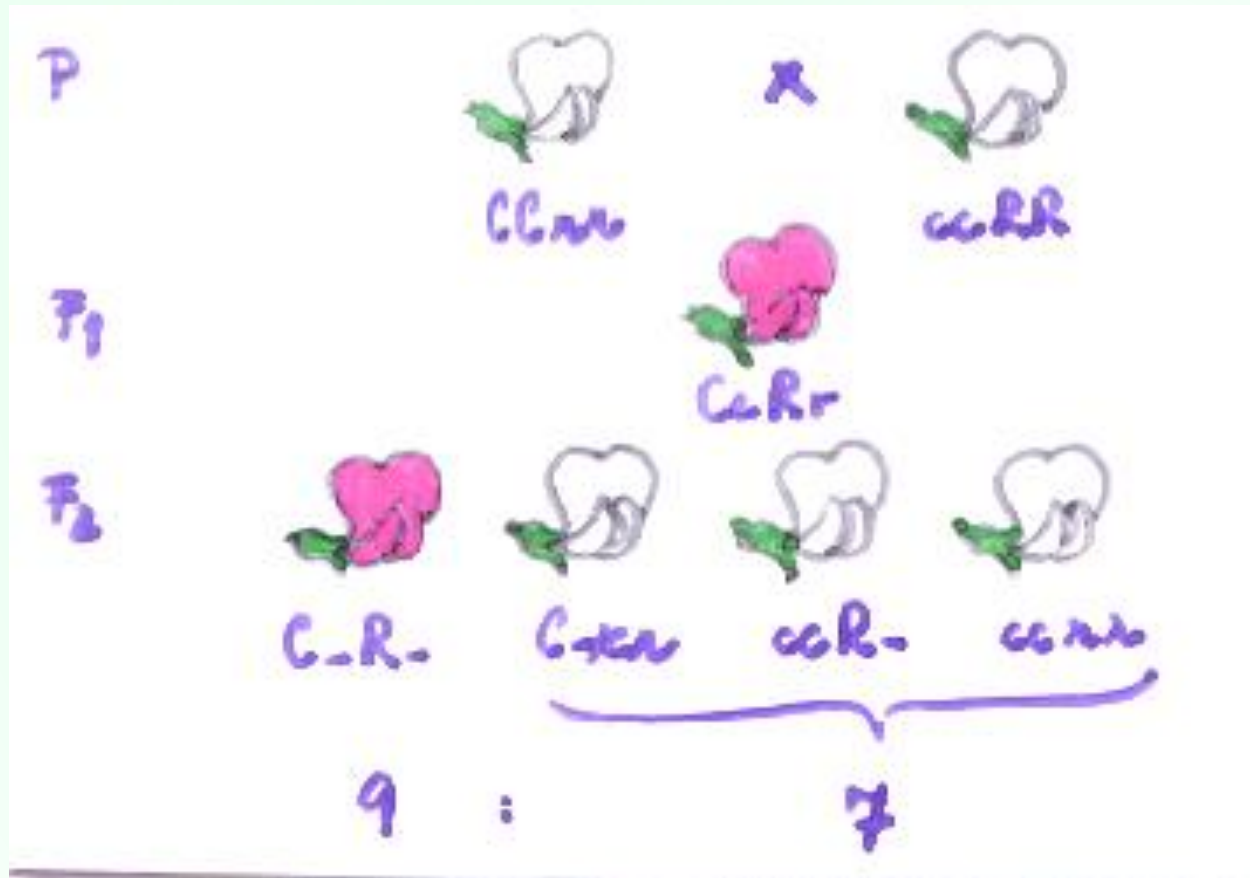
- Inhibice se v mnohém podobá dominantní epistázi. Nadřazený vlohový pár ale nemá žádný samostatný fenotypový projev, jeho dominantní alela pouze blokuje účinek jiných vloh. Ty se proto mohou projevit pouze je-li inhibiční alelický pár v recesivně homozygotním stavu.



**C ... červené zbarvení**  
**I ... inhibitor zbarvení**

# Komplementarita

- Je-li pro určitý fenotypový projev potřeba spolupůsobení dominantních alel ze dvou či několika vlohových párů, jedná se o tzv. komplementaritu, nebo též dvojitou či duplicitní recesivní epistázi.

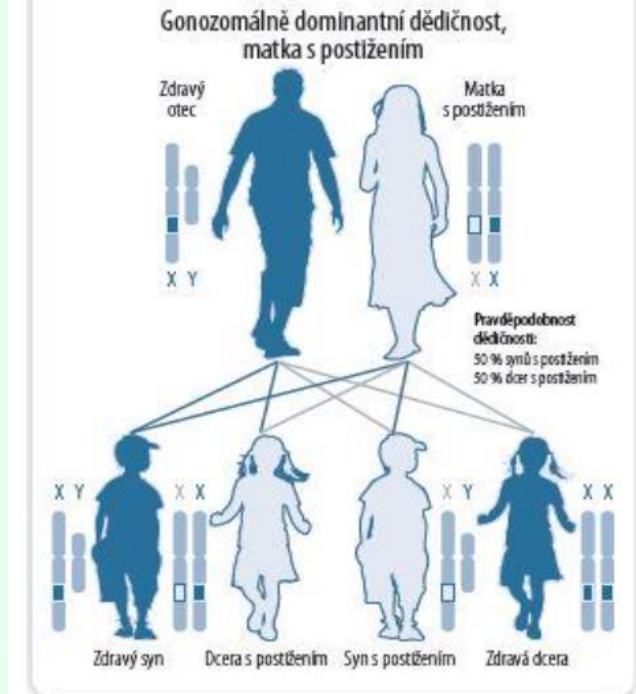
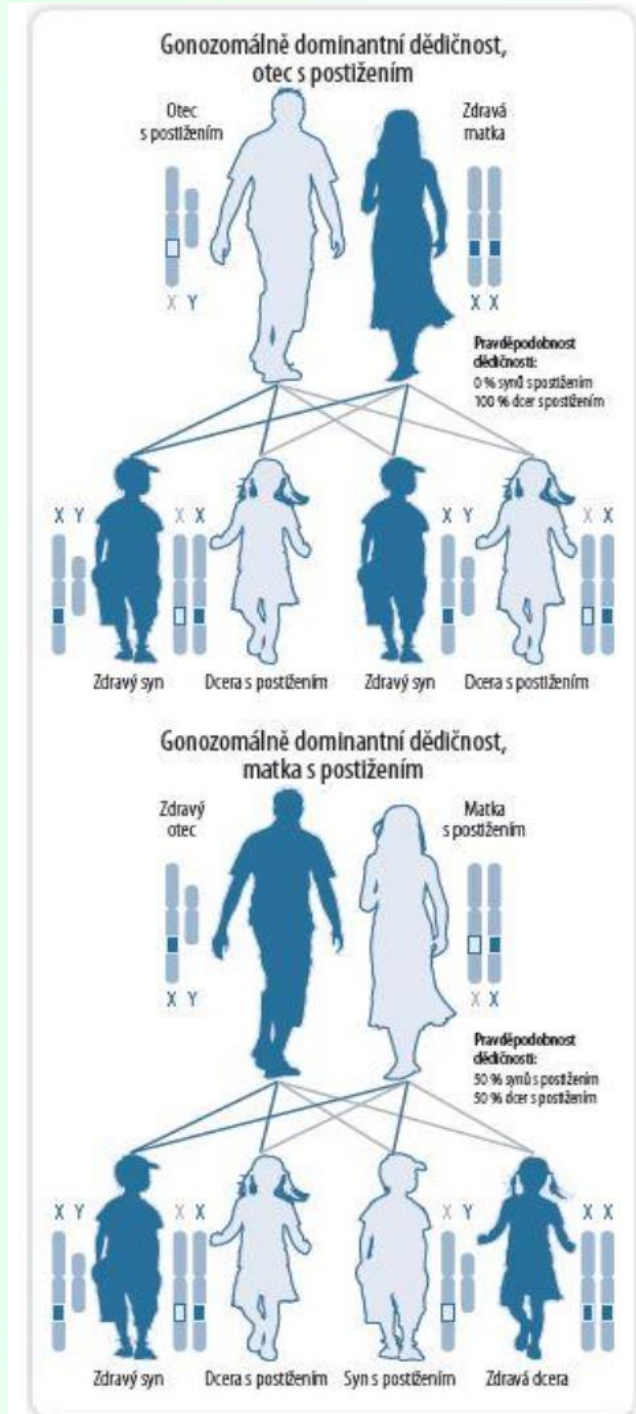
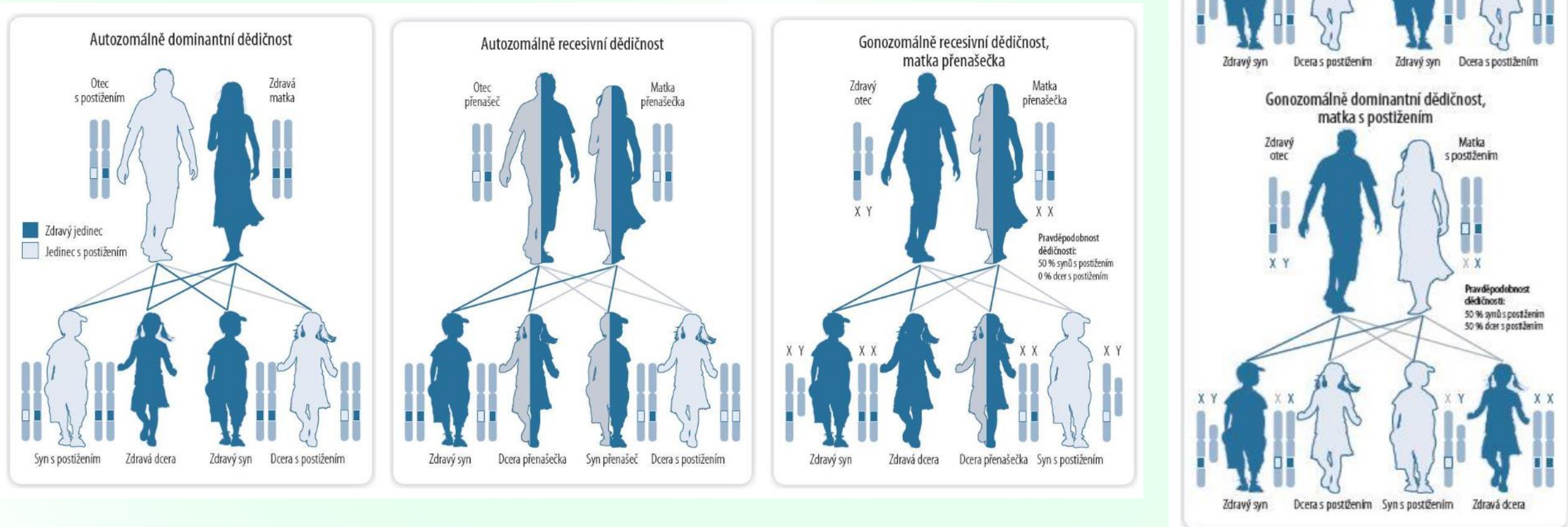


*Lathyrus odoratus*

C... prekursor barviva  
R... enzym

# Vazba na pohlaví

- Gen se nalézá na gonozómech → fenotypový projev v závislosti na pohlaví

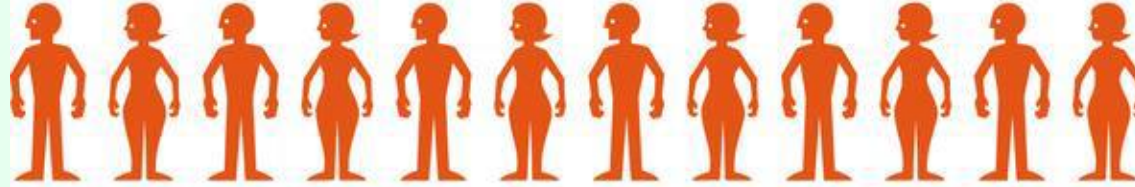


# Další odchylky od Mendelových štěpných poměrů

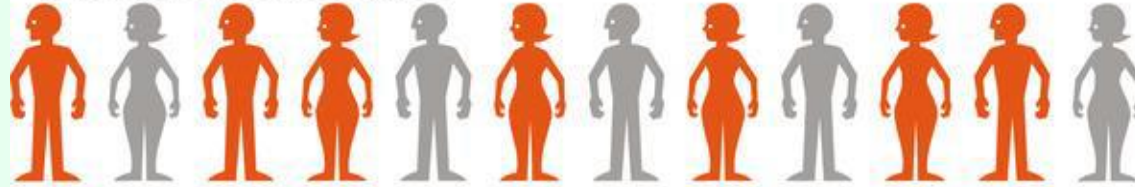
- **Mimojaderná dědičnost** – mitochondriální DNA pouze od matky
  - u rostlin chloroplastová DNA pouze od samičí rostliny
- **Polygenní dědičnost** – znak je kódován více geny → platí zde současně pravidla pro n-hybridy a crossing-over
- znak má **neúplnou penetranci** - nemusí se projevit u 100% jedinců, ale u některých osob k projevu nedojde, nebo je znak zastřený a nesnadno pozorovatelný
- znak má **variabilní expresi** - u lidí se stejným genotypem pozorujeme různě intenzivní projevy téhož znaku



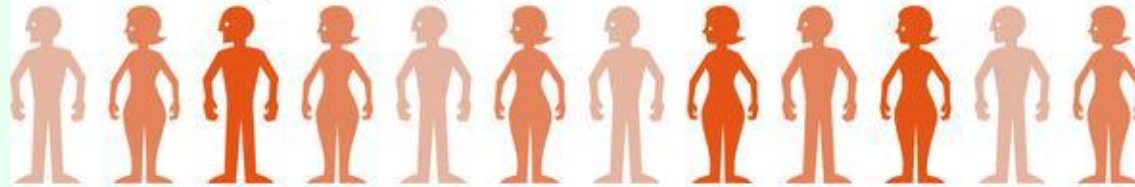
Complete penetrance and expressivity



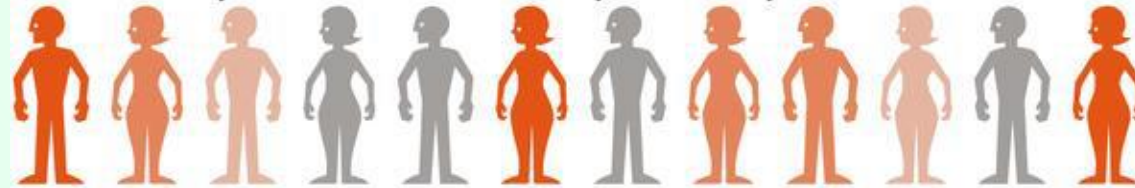
Variable penetrance



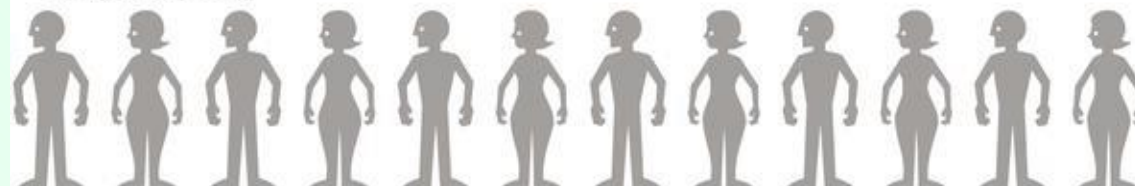
Variable expressivity



Variable penetrance and expressivity



Unaffected



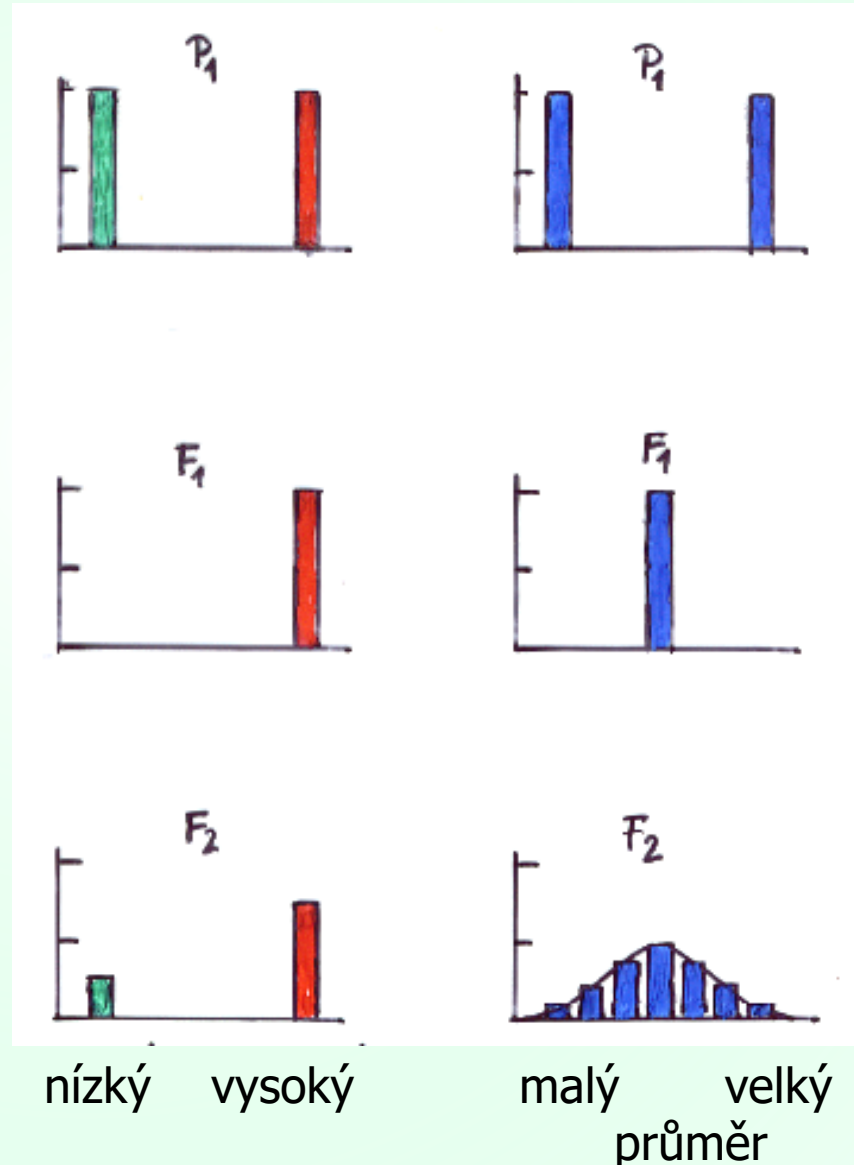


# Dědičnost kvantitativních znaků

Kvalitativní znak vs. kvantitativní znak

- Projev znaku nabývá různých hodnot → plynulá variabilita

Mendelův pokus s výškou rostlin



Galtonův pokus s průměrem semen

# Dědičnost kvantitativních znaků

- pro výzkum polygenní a multifaktoriální dědičnosti lidských dědičných znaků je obzvláště užitečné **sledování dvojčat**
  - **dizygotní dvojčata**, vyrůstající ve stejném prostředí, nám podávají obrázek o tom, jak působí stejné vnější faktory na dva jedince s odlišným (byť mírně) genotypem
  - **monozygotní dvojčata** nám poskytují unikátní možnost hodnotit dva jedince se stejným genotypem
  - pokud tato monozygotní dvojčata navíc vyrůstají každé v jiném prostředí, můžeme hodnotit vliv různého prostředí na jedince se stejným genotypem
- hodnotíme:
  - **konkordanci** pro určitý znak (shoda - oba jedinci mají sledovaný znak)
  - **diskordanci** pro určitý znak (neshoda - jedno z dvojčat daný znak nemá)
  - **heritabilita** (dědivost) je hodnota, udávající, do jaké míry je hodnota znaků závislá na genotypu jedince a nakolik je konečná hodnota znaku výsledkem působení vnějších faktorů

# Odhady heritability pro různé znaky (%)

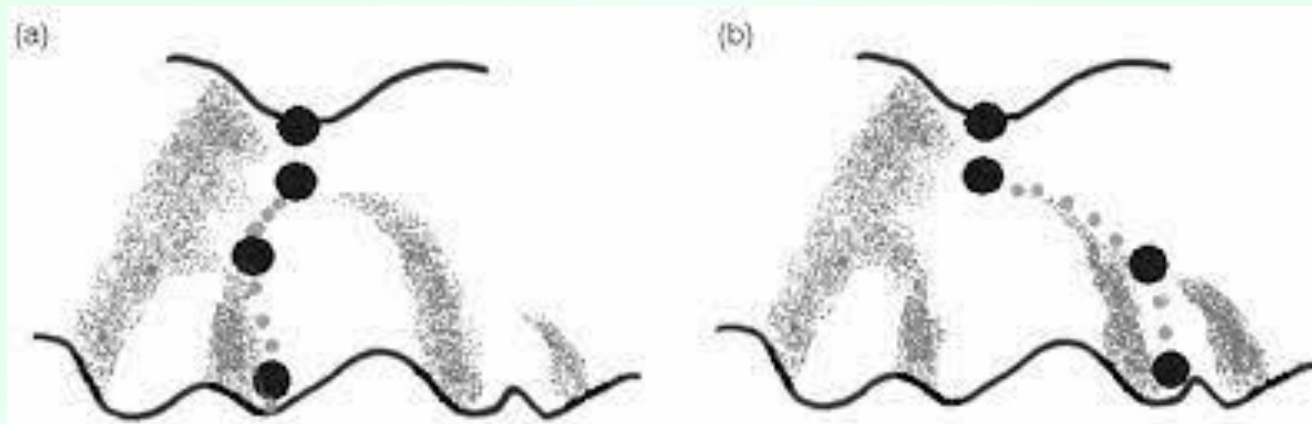
	Znak	heritabilita $H_B$ (%)
myš	délka ocasu	60
	velikost vrhu	15
drozofila	počet abdominálních chloupků	52
	délka křídla	45
člověk	astma	80
	diabetes	70

# Konkordance některých znaků u jednovaječných (MZ) a dojvaječných (DZ) dvojčat

Znak	Konkordance (%)	
	MZ	DZ
Krevní skupiny	100	66
Barva očí	99	28
Mentální retardace	97	37
Spalnice	95	87
Idiopatická epilepsie	72	15
Schizofrenie	69	10
Krevní tlak	63	36
Diabetes	65	18
Identická alergie	59	5
Tuberkulóza	57	23
Rozštěp rtu	42	5
Křivé nohy	32	3
Rakovina prsu	6	3

# Epigenetika

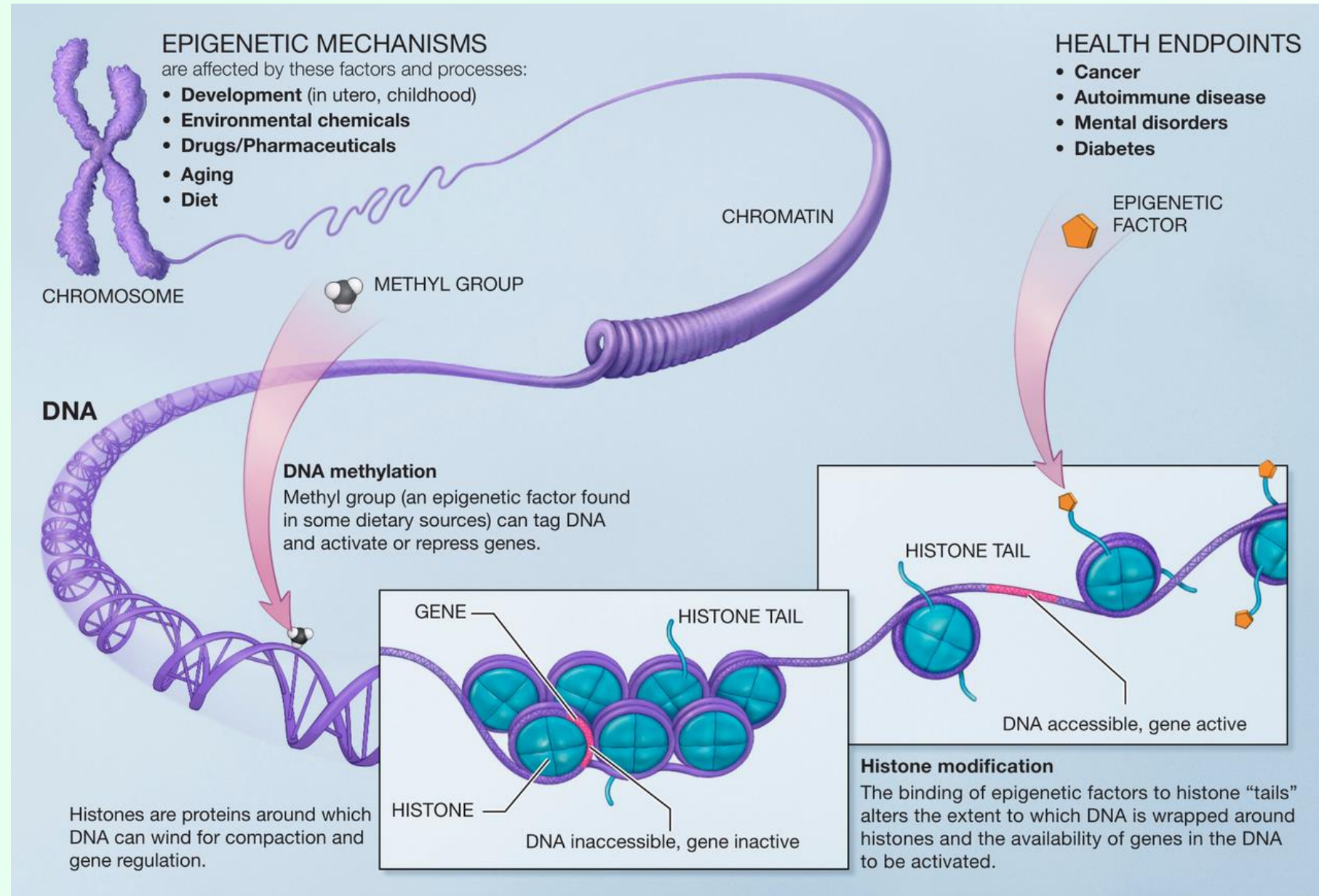
- **Epigeneze** - vysvětluje princip individuálního vývoje : výsledný organismus není preformován, nýbrž vzniká kreativně na základě zděděné informace a vnitřních i vnějších vlivů.
- **Epigenetika** - studuje dědičné změny genové exprese, ke kterým dochází beze změny sekvencí DNA. Epigenetické procesy jsou obvykle způsobeny represí transkripce řízenou modulací chromatinu
- **Genomový imprinting** - reverzibilní proces, kdy pohlavně specifická modifikace genů v parentální generaci vede k funkčním rozdílům mezi paternálními a maternálními genomy (alelami) v potomstvu

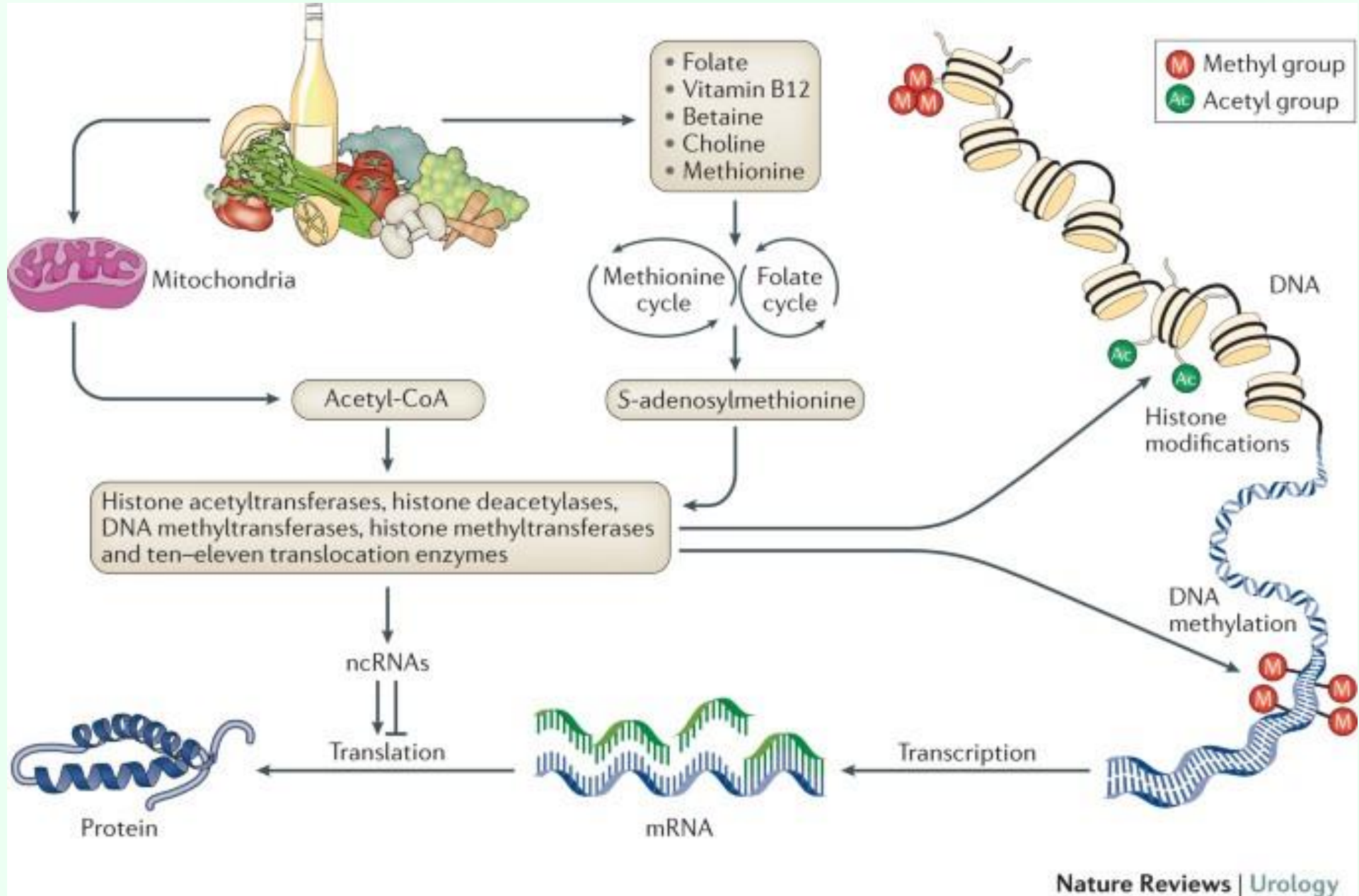




# Mechanismy imprintingu

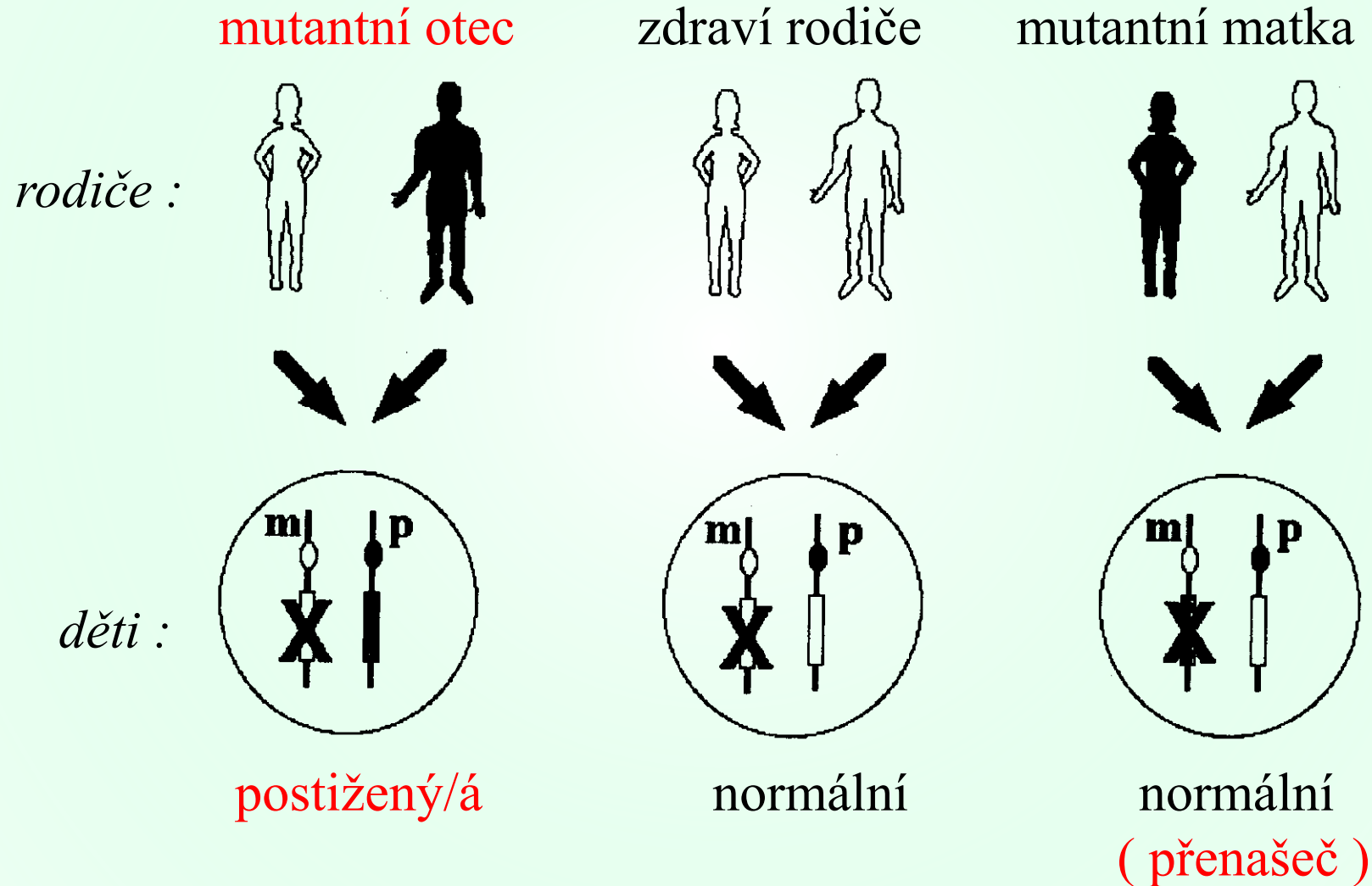
- Metylase DNA
- Acetylase histonů





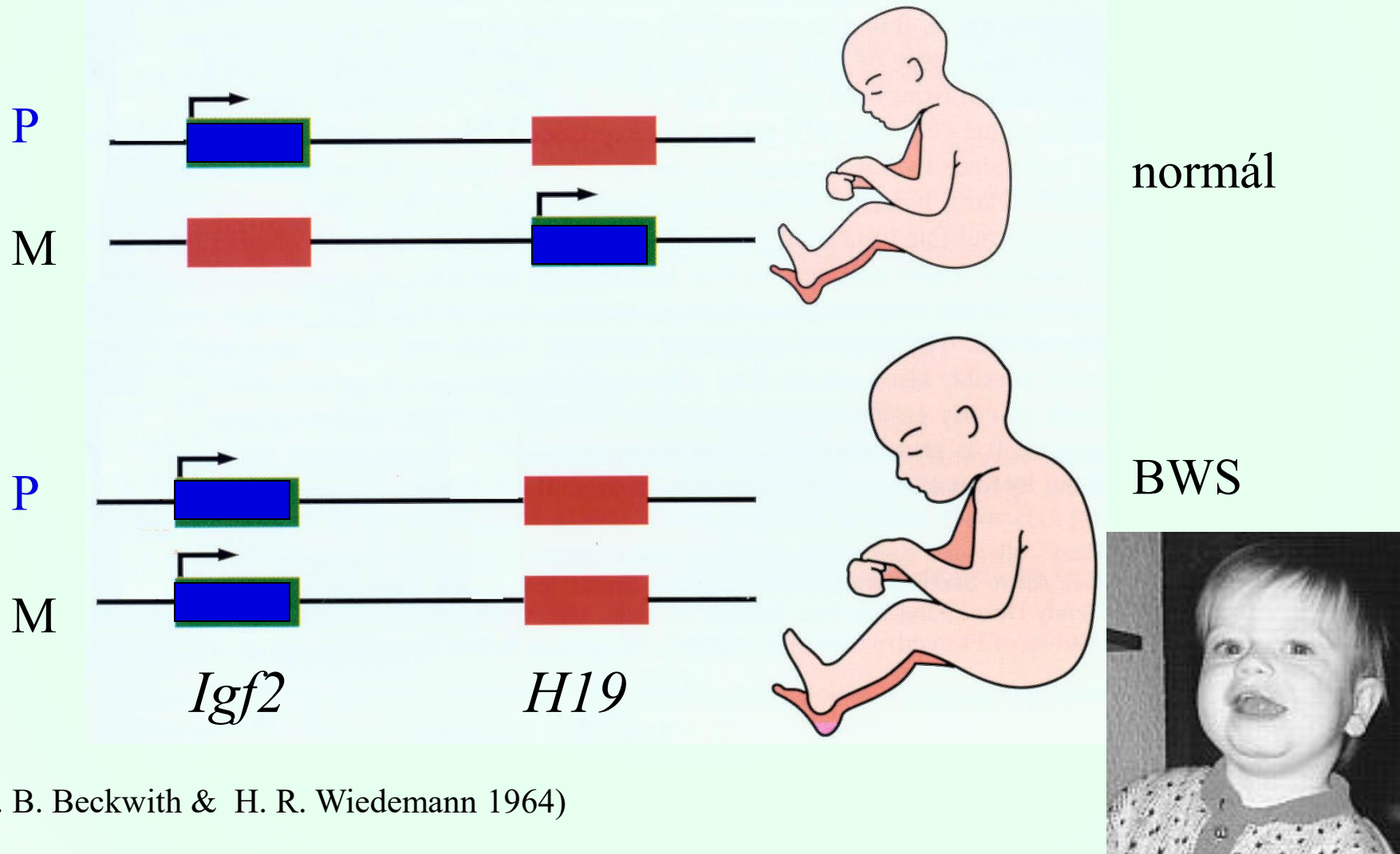
Nature Reviews | Urology

# Maternální imprint mutovaného lokusu vede k odlišnému fenotypu potomstva

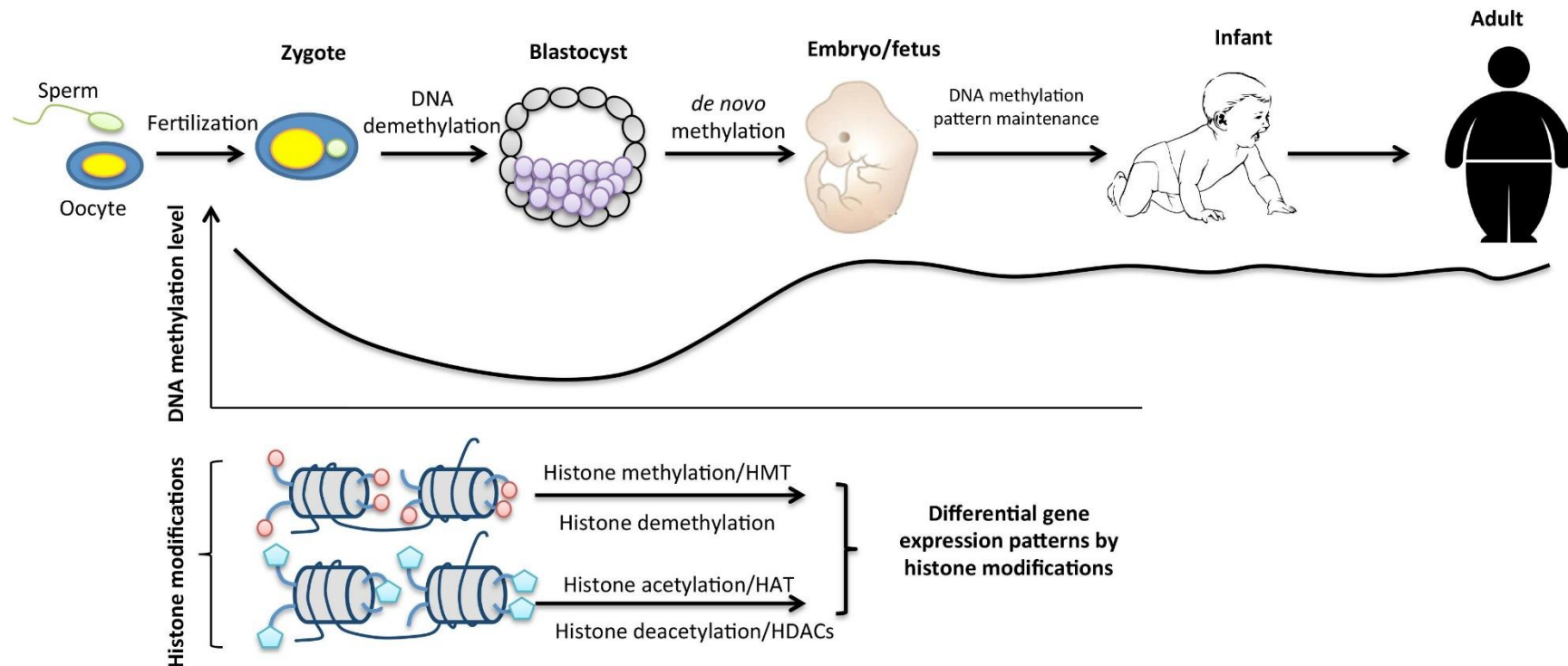
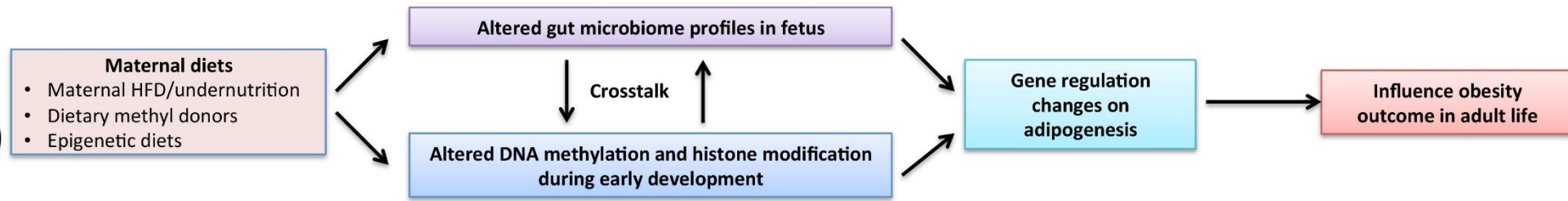




# Chybný imprint P-alely (insulinový růstový faktor) či M-alely (růst suprimující H19-RNA) vede k Beckwith-Wiedemannově syndromu (**aneb příběh Otesánka**)



(J. B. Beckwith & H. R. Wiedemann 1964)



Front. Genet., 27 August 2018  
Sec. Epigenomics and Epigenetics  
Volume 9 - 2018 | <https://doi.org/10.3389/fgene.2018.00342>



Maternal diets or supplementation	Epigenetic mechanisms	Microbiota	Specific gene changes	Clinical effects in offspring
Over nutrition (e.g., high fat diet [HFD])	Induce altered DNA methylation, histone acetylation and histone methylation patterns in offspring epigenome (Aagaard-Tillery et al., 2008; Dudley et al., 2011; Suter et al., 2012; Lee, 2015; Masuyama et al., 2015; Indrio et al., 2017)	Altered gut microbiome profiles in the offspring (Chu et al., 2016b; Zhou and Xiao, 2018)	Adipogenesis-related genes such as <i>adiponectin</i> , <i>leptin</i> , and <i>PPAR-γ</i> (Aagaard-Tillery et al., 2008; Dudley et al., 2011; Suter et al., 2012; Masuyama et al., 2015)	Increased birth body weight and high risk of development of metabolic disorders and obesity in later life (Parlee and MacDougald, 2014)
Under nutrition	Induce DNA methylation and histone modification changes as well as microRNA profile changes (Fu et al., 2004; Tosh et al., 2010; Slater-Jefferies et al., 2011; Zheng et al., 2017)	Maternal protein-deficient diets modulate gut microbiome profiles in the offspring (Chu et al., 2016b)	Adipogenesis- and metabolism-related <i>IGF-1</i> , <i>PPAR-α</i> , <i>CPT1 C/EBPβ</i> genes (Fu et al., 2004; Tosh et al., 2010; Slater-Jefferies et al., 2011; Zheng et al., 2017)	Maternal food restriction resulted in fetal intrauterine growth restriction (IUGR) and increased susceptibility to insulin resistance and diabetes in the offspring (Li et al., 2010; Parlee and MacDougald, 2014)
Methyl donor (e.g., folate acid)	Restriction of maternal folate resulted in widespread epigenetic alterations in DNA methylation (Sinclair et al., 2007)	Folate is produced by gut <i>Bifidobacteria</i> (Pompei et al., 2007)	Maternal folate deficiency induced hyperacetylation of <i>PPAR-γ</i> coactivator, <i>PGC-1α</i> (Gueant et al., 2014)	Maternal folate deficiency resulted in increased risk of insulin resistance, elevated blood pressure and obesity-related metabolic disorders in adult offspring (Gueant et al., 2013; Wang et al., 2016)
Soybean (e.g., genistein)	Maternal soybean genistein led to global modification in the fetal epigenome (Dolinoy et al., 2006)	Soybean genistein is bio-converted by gut microbiome and it can also modulate the microbiome profiles (Paul et al., 2015, 2017)	Maternal soybean genistein resulted in hypermethylation of the ectopic <i>agouti</i> gene expression (Dolinoy et al., 2006)	Maternal soybean genistein led to reduction of prevalence of obesity in the mouse offspring (Dolinoy et al., 2006)
Cruciferous vegetables (e.g., sulforaphane)	Sulforaphane is a potent histone deacetylase inhibitor and maternal broccoli sprouts lead to global epigenetic changes in mouse offspring (Myzak et al., 2004; Li et al., 2014; Li et al., 2018)	Sulforaphane is bio-converted by gut microbiome and it also modulates the microbiome profiles (Paul et al., 2015)	Tumor-related genes such as <i>p53</i> , <i>p16</i> , <i>c-Myc</i> , and <i>hTERT</i> (Li and Tollefsbol, 2010; Hardy and Tollefsbol, 2011; Li et al., 2014)	Sulforaphane counteracts HFD-induced body weight and metabolic disorders (Nagata et al., 2017)
Green tea polyphenols (e.g., EGCG)	EGCG is a DNA methyltransferase inhibitor and can induce reactivation of DNA methylation-silenced gene expression (Fang et al., 2003). Green tea polyphenol EGCG inhibits maternal HFD-induced neural tube defects by inhibiting DNA hypermethylation (Zhong et al., 2016).	Green tea polyphenols reversed HFD-induced gut microbial diversity changes by decreasing <i>Firmicutes</i> to <i>Bacteroidetes</i> ratio (F/B ratio) in C57BL/6J mice (Wang et al., 2018).	Tumor suppressor genes such as <i>p16</i> , <i>RNRβ</i> , <i>MGMT</i> , and <i>hMLH1</i> (Fang et al., 2003); Neural tube closure essential genes, including <i>Grhl3</i> , <i>Pax3</i> , and <i>Tulp3</i> (Zhong et al., 2016)	Small amount green tea during pregnancy may provide transplacental protection against carcinogenesis and obesity in the offspring (Castro et al., 2008)
Probiotics	Various metabolites of gut microbiota such as short-chain fatty acid (SCFAs) and butyrate can influence epigenetic pathways (Pompei et al., 2007; Hamer et al., 2008; Berni Canani et al., 2012; Paul et al., 2015; Cortese et al., 2016).	<i>Lactobacillus</i> and <i>Bifidobacterium</i> (Chu et al., 2016b; Indrio et al., 2017; Zhou and Xiao, 2018)	Probiotic supplementation during pregnancy affects DNA methylation status of certain promoters of obesity and weight gain-related genes both in mothers and their children (Luoto et al., 2010; Wickens et al., 2017; Vähämäki et al., 2018)	Probiotic intake during pregnancy and lactation attenuates maternal HFD-induced detrimental nutritional programming of offspring obesity (Paul et al., 2016)

Front. Genet., 27 August 2018  
 Sec. Epigenomics and Epigenetics  
 Volume 9 - 2018

| <https://doi.org/10.3389/fgene.2018.00342>