MASARYKOVA UNIVERZITA • PŘÍRODOVĚDECKÁ FAKULTA

ODDĚLENÍ FUNKČNÍ GENOMIKY A PROTEOMIKY

KURZ ZÁKLADŮ PROTEOMIKY Bi8202c, jaro 2006

PROTOKOL: I. ANALÝZA PROTEOMU

Jméno	
obor, ročník	
e-mail	
datum	

A VÝSLEDKY DVOUROZMĚRNÉ ELEKTROFORÉZY:

- Přiložit obrázek gelu, popsat
- Vyznačit proteiny, které byly vyřezány, enzymaticky štěpeny a analyzovány MS

- Metoda identifikace proteinů: ……..

- Výsledek identifikace proteinů, porovnat teoretické parametry proteinu (Mr, pI) získané z databáze s polohou proteinu na gelu:

Číslo spotu	**Experiment. hodnoty**		**Teoretické hodnoty**		**Identifikace proteinu**	
	Mr (kDa)	pI	Mr (kDa)	pI	Název proteinu	Score
1						
2						
2						
4						
5						
6						

Závěr:

B VÝSLEDKY LC-MS/MS analýzy

Digesce in-solution

- Vypočtěte objem roztoku trypsinu, který je nutno smíchat s 1 μl směsi proteinů, abyste dosáhli předepsaného poměru enzym : substrát.

  směs neznámých proteinů o celkové koncentraci proteinu …….mg/ml
  trypsin (v 25 mmol/l uhličitanu amonného) ……..5 μg/ml
  poměr enzym: substrát ……1 :
  Digest: ……**μl** trypsinu
  μl směsi proteinů

- Metoda identifikace proteinů: ……..

- Výsledek identifikace směsi proteinů:

	Identifikace proteinu	
	Název proteinu	Score
1		
2		
2		
4		
5		
6		

Závěr:

PROTOKOL: II. TECHNOLOGIE REKOMBINANTNÍCH PROTEINŮ

Jméno	
Obor, ročník	
e-mail	
datum	
číslo skupiny, protein	

A, VÝSLEDKY SEKVENAČNÍ ANALÝZY DNA

B, VÝSLEDKY EXPRESE A PURIFIKACE REKOMBINANTNÍCH PROTEINŮ

C, STRUKTURNÍ A FUNKČNÍ ANALÝZA