

PROTOKOL I. ANALÝZA PROTEOMU

Jméno	
obor, ročník	
e-mail	
datum	

A VÝSLEDKY DVOUROZMĚRNÉ ELEKTROFORÉZY:

- Přiložit obrázek naskenovaného gelu, popsat škálu pI a žebříček proteinového standardu, vyplnit hlavičku gelu
- Vyznačit na skenu protein, který byl vyřezán, enzymaticky naštěpen a analyzován MS
- Specifikovat použitou metodu identifikace proteinů: .....
- Výsledek identifikace proteinů, porovnat teoretické parametry proteinu (Mr, pI) získané z databáze s polohou proteinu na gelu:

Číslo spotu	odhad z gelu		z databáze		Identifikace proteinu	
	Mr (kDa)	pI	Mr (kDa)	pI	Název proteinu	Score

Závěr:

<b>Projekt</b>	Základy proteomiky Bi8202c
<b>Datum analýzy</b>	
<b>Vzorek</b>	Arabidopsis thaliana amp1 wt
<b>Množství proteinu na strip (µg)</b>	
<b>2-DE</b>	strip cm pH SDS-PAGE 12%T
<b>Barvení</b>	Coomassie Blue G-250 stříbro

## B VÝSLEDKY LC-MS/MS analýzy

### Digeste in-solution

- Vypočtete objem roztoku trypsinu, který je nutno smíchat s 2  $\mu$ l směsí proteinů, abyste dosáhli předepsaného poměru enzym : substrát.

směs neznámých proteinů o celkové koncentraci proteinu 1.2 mg/ml  
trypsin (v 25 mmol/l uhličitanu amonného) .....5  $\mu$ g/ml  
poměr enzym : substrát .....1 : 60

**Digest:** ..... $\mu$ l trypsinu  
2  $\mu$ l směsí proteinů

- Metoda identifikace proteinů: .....
- Výsledek identifikace směsí proteinů:

	Identifikace proteinu	
	Název proteinu	Score
1		
2		
3		
4		
5		
6		

Závěr: