>EF136587.1 Putative holin TACTGTTATATTATTGTTAGAAATAAATATAATAGAAAGGTCGGTTTTTTAATGGCTAATGAAACTAAACAACCTAAAGTTGTTGGAGGAATAAACCTTAGCACAAGAACTAAGAGCAAAACATTTTGGGTAGCAATTATATCAGCAGTAGCATTATTTGCTAACCAAATTATAGGTGCTTTCGGTTTAGACTACTCAGCTCAAATTGAGCAAGGTGTAAATATTGTAGGTTCTATACTAACACTATTAGCAGGTTTAGGTATTATTGTTGATAATAATACTAAAGGTCTTAAAGATAGTGATATTGTTCAAACAGACTATCTTAAACCTCGTGATAGTAAAGACCCTAATGAATTCGTTCAATGGCAAGCAAATGCAAATAACACTAGTACTTTTGAGATAGACAGCTACGAAAACAATGCAGAACCTGACACAGATGATAGTGATGAAGTACCTGCTATTGAAGATGAAATTGATGGTGGTTCAGCACCTTCTCAAGATGAAGAAGATACCGAGGAACATGGTAAAGTATTTGCAGAAGTTAAGTAATGGCTAcagatga

ATG – iniciačný kodón

TAA – stop kodón



*In silico* restrikčná analýza génu pre predpokladaný holín s okolitými sekvenciami

pET28a: T7 polymeráza začína transkripciu na pozícii 369 → 0, terminátor je na pozícii 26-72



Detail sekvencie multiple cloning site s vyznačenými štiepnými miestami, a funkčnými oblasťami.

**Úloha:** Navrhnite primery vhodné na klonovanie predpokladaného holínu do zadaného expresného vektoru pET28a, tak aby sa na jednom **alebo** druhom konci proteínu nachádzal His-tag uľahčujúci purifikáciu a aby bolo možné ho v tomto vektore exprimovať.

Sekvencie primerov vhodných na klonovanie:

Hol\_RE1 \_FW: 5’- -3’

Hol\_RE2 \_RV: 5’- -3’