

## Úkol z infozdrojů č. 5

1. Pomocí databáze CCDB zjistěte: (a) jaký nejčastější počet chromozomů ( $2n$ ) je udáván pro vám přidělený druh; (b) jaké ploidní stupně lze dedukovat pro vám přidělený rod.
2. Pomocí databáze Plant DNA c-values database v Kew zjistěte: (a) rozsah velikosti genomu ( $2C_{min}$ – $2C_{max}$ ) je udáván v této databázi pro „váš“ rod. (b) zjistěte zda „váš“ druh má v této databázi uvedenu velikosti genomu a zda ji má i v databázi PLADIAS.
3. Zjistěte, jaké nukleotidové sekvence jsou k dispozici v GenBank (NCBI) pro vám přidělený druh.