

Cvičení 9

1. Pomocí Twinspanu zanalyzujte data druhového složení vinohradů
 - a. Zobrazte klasifikační dendrogram – pro snímky i pro druhy
 - b. Zobrazte twinspan tabulku
 - c. Zkuste zopakovat analýzu pro jiný počet úrovní
 - d. Zanalyzujte výsledky obou analýz pomocí šířky siluety
 - e. Zobrazte některý z výsledků v DCA ordinaci
2. Analyzujte tytéž data pomocí metody Isopam
 - a. Zobrazte klasifikační dendrogram
 - b. Zobrazte Isopam tabulku s indikátorovými druhy
 - c. Zkuste zopakovat analýzu s jiným nastavením parametrů
 - d. Zobrazte některý z výsledků v PCoA

R funkce

twinspan v package twinspan dostupný pomocí:

```
devtools::install_github("jarioksa/twinspan")
```

Nejprve bude třeba instalovat package devtools a další software (nejspíš bude třeba restartovat R)

Podrobný manuál najdete zde: <https://github.com/jarioksa/twinspan>

`twinspan` provede twinspan analýzu

`plot(twinspan.object)` – nakreslí dendrogram pro rozdělení kvadrantů

`plot(twinspan.object, what="species")` – nakreslí dendrogram pro rozdělení druhů

`cut(twinspan.object)` – vrátí příslušnost do shluků (možno volit úroveň)

`cuth(twinspan.object, ngroups=k)` – redukuje twinspan výsledek na k skupin (= modifikovaný Twinspan)

`summary(twinspan.object)` – zobrazí klasifikační pravidla

Isopam

dostupný v package Isopam

`isopam` – spustí Isopam analýzu

`plot(isopam.object)` – nakreslí dendrogram

`isotab(isopam.object)` – popis výsledků analýzy včetně diagnostických druhů