

1.

MHHHHHENLYFQSSLAEIIRTDNFNILYSMMKKHEEFWMLRLRIRRMADAWIQAIKSLAEKQNL
EKRRKRKKVLVHLGLLTKESGFKIAETA FSGGPLGELVQWSDLITSLYLLGHDIRISASLAEK
EIMKKVVGNRSGCPTVGDRIVELIYIDIVGLAQFKKTLGPSWVHYQCMLRVLDSFGTEPEFNH
ANYAQSKGHKTPWGKWNLNPOQFYTMFPHTPDNSFLGFVVEQHLNSSDIHHINEIKRQNQSLV
YGKVDSEFWKNKKIYLDIIHTYMEVHATVYGSSTKNIPSYVKNHGILSGRDLQFLLRETKLFVG
LGFPEYEGPAPLEAIANGCAFLNPKFNPPKSSKNTDFFIGKPTLRELTSQHPYAEVFIGRPHVW
TVDLNNQEEVEDAVKAILNQKIEPYMPYEFTCEGMLQRINAFIEKQDFCHGQVMWPPLSALQV
KLAEPGQSCKQVCQESQLICEPSFFQHLNKDKDMLKYKVTCSSELAKDILVPSFDPKNKHCV
FQGDLLLLFSCAGAHPRHQVPCPCRFIKGQVALCKDCLMKIEEGKLVIIWINGDKGYNGLAEVG
KKFEKDTGIKVTVEHPDKLEEKFPQVAATGDGPDIIFWAHDRFGGYAQSGLLAEITPAAAFQD
KLYPFTWDAVRYNGKLIAYPIAVEALSIIYNKDLLPNPPKTWEEIPALDKELKAKGKSALMFN
LQEPYFTWPLIAADGGYAFKYAAGKYDIKDVGVNAGAKAGLTFVLVDLIKNKHMNADTDYSIA
EAAFNKGETAMTINGPWAWSNIDTSAVNIGVTVLPTFKGQPSKPFVGVLSAGINAASPNKELA
KEFLENYLLTDEGLEAVNKDKPLGAVALKSYEEELAKDPRIAATMENAQKEIMPNI PQMSAF
WYAVRTAVINAASGRQTVDAALAAAQTNAAGGGSDVDIEAGQTLVQVVNISNGETWVAIQLP
AQYRSFDLVFENVSPSTSGSVLVAQMAPQSGGVYGSNYSGSGWGNLGGGGFYGYSEAKWMCL
WPANRSGPNSKTGIYGTCKLMNLNQSNAVPSVTSNLFAPTAYKNEPGYANVGGCCQKIRGLAS
SIQFAFALHGGNVPQNTDTFSGGTIKVYGWNHHHHHHH

Predikujte strukturu proteinu (Phyre, SwissProt, PSI Před, I-Tasser), zkuste jeho co nejlepší charakterizaci - jaké budou vlastnosti proteinu, lze vysledovat konzervované aminokyseliny. Je na tomto proteinu něco zvláštního?

Nezapomeňte, že se jedná o docela dlouhý protein, může se skládat z několika domén. A taky nezapomeňte, že spousta predikčních programů pracuje pouze na základě homology search, takže dokáže odhalit pouze to, co už existuje v databázi.