

# CG020 Genomika

## Bi7201 Základy genomiky

### Přednáška 6

Proteinové interakce v genových regulacích

Jan Hejátko

**Funkční genomika a proteomika rostlin,**  
Mendelovo centrum genomiky a proteomiky rostlin,  
Středoevropský technologický institut (CEITEC), Masarykova univerzita, Brno  
[hejatko@sci.muni.cz](mailto:hejatko@sci.muni.cz), [www.ceitec.muni.cz](http://www.ceitec.muni.cz)



INVESTICE DO ROZVOJE VZDĚLÁVÁNÍ

Tato prezentace je spolufinancována  
Evropským sociálním fondem  
a státním rozpočtem České republiky

# Genomika 06

## ■ Zdrojová literatura

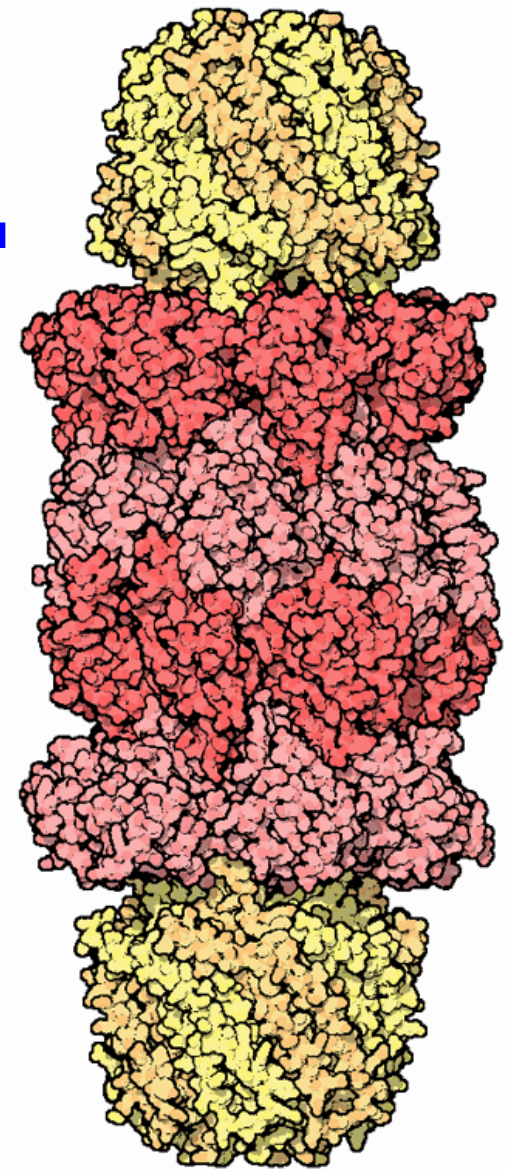
- Wilt, F.H., and Hake, S. (2004). **Principles of Developmental Biology**. (New York ; London: W. W. Norton).
- Ainger, K., Avossa, D., Morgan, F., Hill, S.J., Barry, C., Barbarese, E., and Carson, J.H. (1993). Transport and localization of exogenous myelin basic protein mRNA microinjected into oligodendrocytes. *J Cell Biol* 123, 431-441.
- Alberts, B. (1998). The cell as a collection of protein machines: preparing the next generation of molecular biologists. *Cell* 92, 291-294.
- Grefen, C., Stadele, K., Ruzicka, K., Obrdlik, P., Harter, K., and Horak, J. (2008). Subcellular localization and in vivo interactions of the Arabidopsis thaliana ethylene receptor family members. *Molecular Plant* 1, 308-320.
- Hu, C.D., and Kerppola, T.K. (2003). Simultaneous visualization of multiple protein interactions in living cells using multicolor fluorescence complementation analysis. *Nat. Biotechnol.* 21, 539-545.
- Shahbadian, K., and Chartrand, P. (2012). Control of cytoplasmic mRNA localization. *Cellular and molecular life sciences : CMLS* 69, 535-552.
- Van Leene, J., Witters, E., Inze, D., and De Jaeger, G. (2008). Boosting tandem affinity purification of plant protein complexes. *Trends Plant Sci* 13, 517-520.
- Walter, M., Chaban, C., Schutze, K., Batistic, O., Weckermann, K., Nake, C., Blazevic, D., Grefen, C., Schumacher, K., Oecking, C., Harter, K., and Kudla, J. (2004). Visualization of protein interactions in living plant cells using bimolecular fluorescence complementation. *Plant J* 40, 428-438.

# Osnova

- Funkční význam specifických interakcí proteinů v regulaci genové exprese
  - Struktura chromatinu
  - Regulace transkripce
  - Lokalizace mRNA
  - Stabilita proteinů
  - Přenos signálu
- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace
  - Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)
  - Kvasinkový dvouhybridní test (Y2H)
  - Bimolekulární fluorescenční komplementace (BiFC)
  - Analýza zprostředkované membránové vazby (MeRA)
- Praktické využití metod pro studium PI *in vivo*

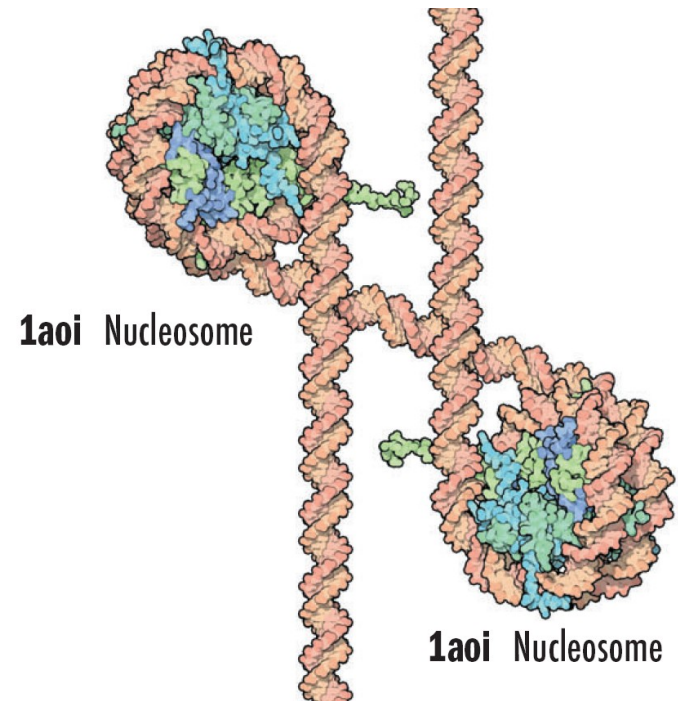
# Význam interakcí proteinů

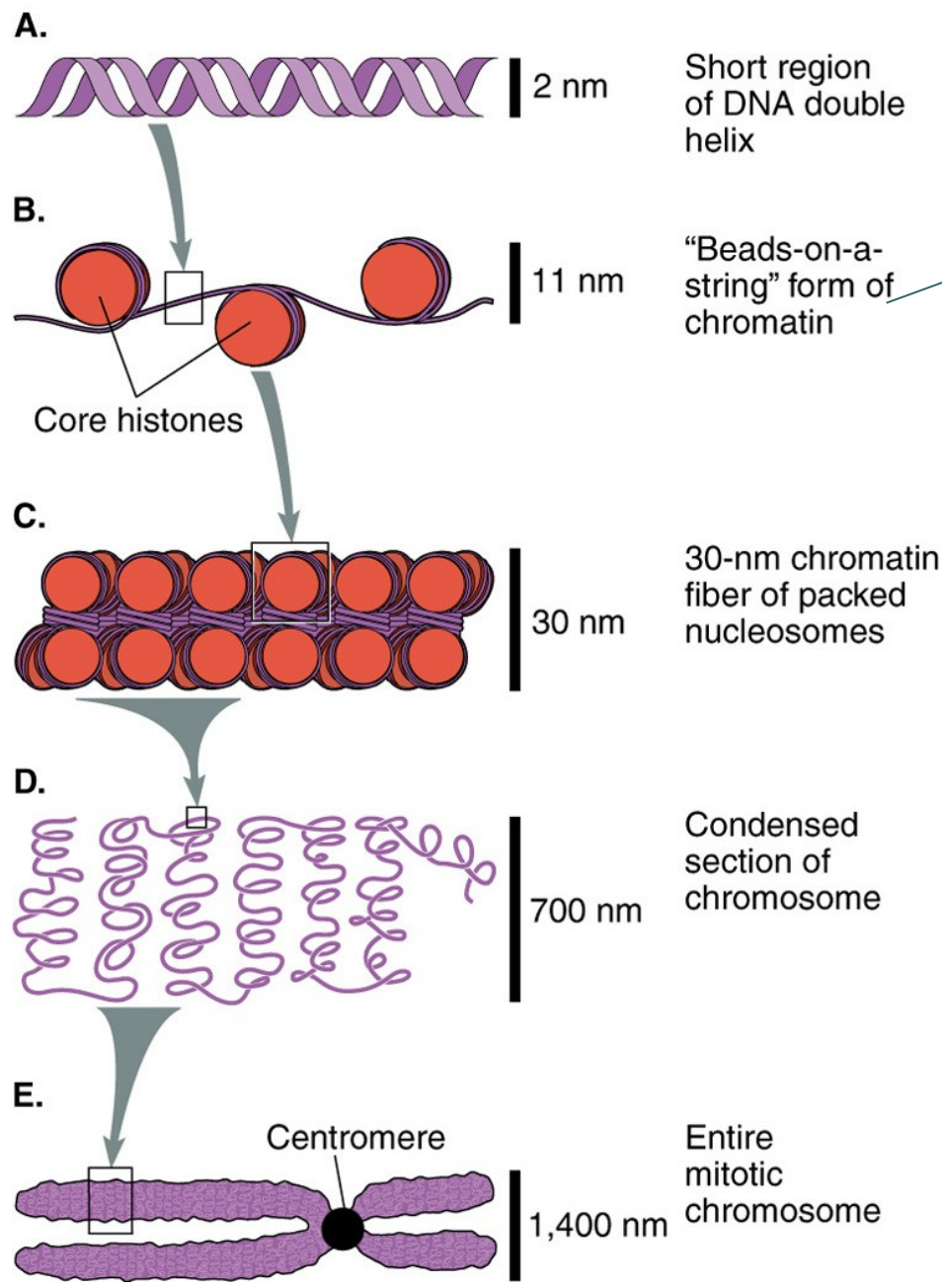
- **Funkční význam specifických interakcí proteinů**
  - Většina proteinů v buňce existuje ve formě komplexů, které mohou dále navzájem interagovat
    - **Proteazom**
      - proteinový komplex zodpovědný za degradaci nepotřebných proteinů v buňce



# Význam PI

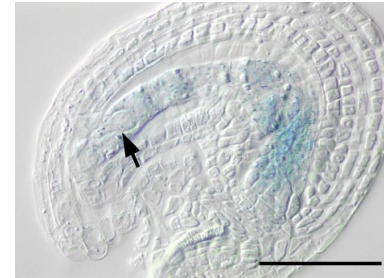
- Funkční význam specifických interakcí proteinů
  - Struktura chromatinu





Regulation by histone acetyl transferases or histone deacteylases

# DNA methylation in animals vs. in plants



methylation status

**CpG**

Cell-specific methylation allows maintain of tissue-specific gene expression profiles



Imprinting and “cell memory”



Mechanism of transcriptional regulation by DNA methylation mostly unknown



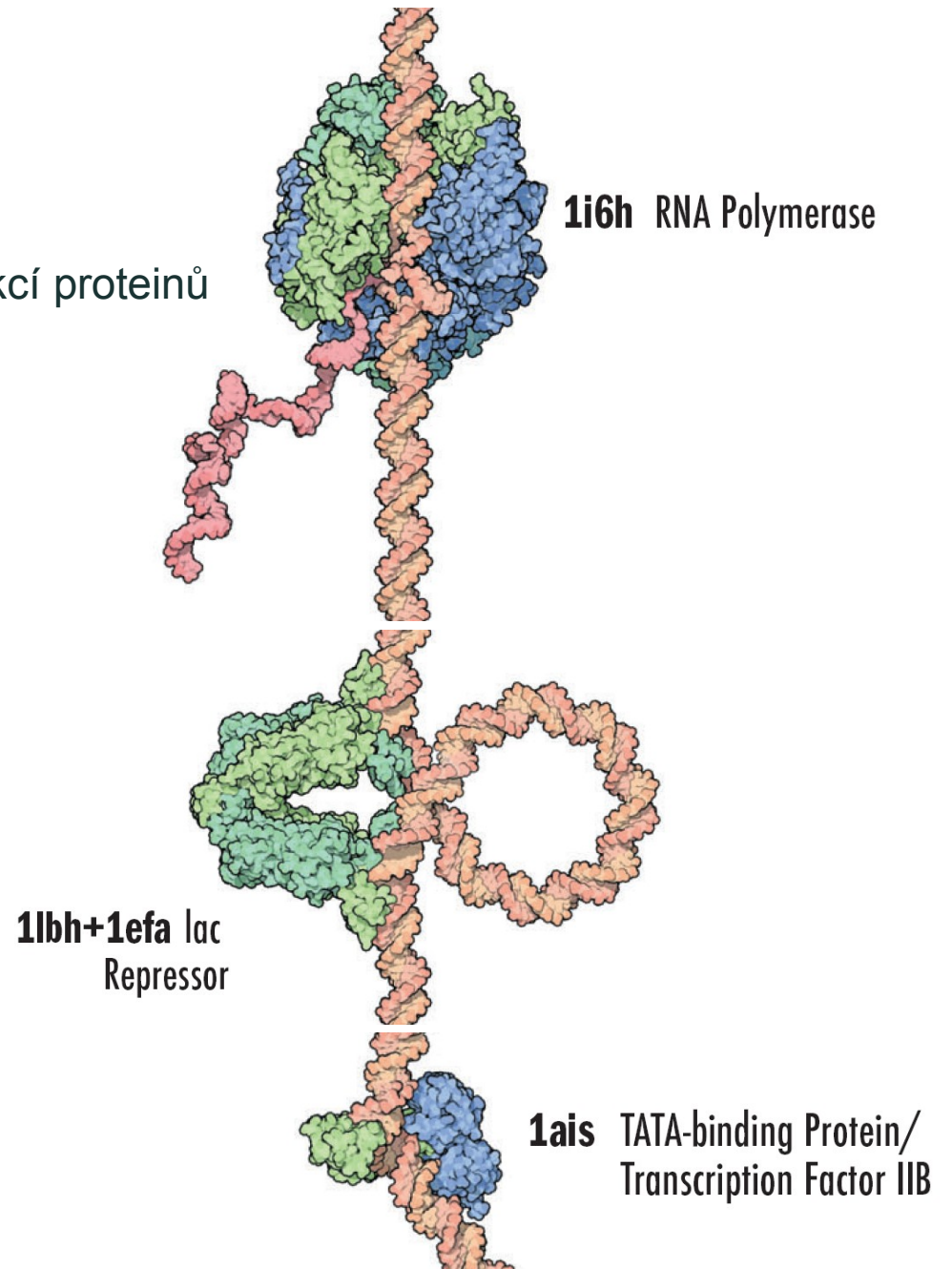
methylation status

**CpG or CpNpG**

**CpNpNp**

# Význam PI

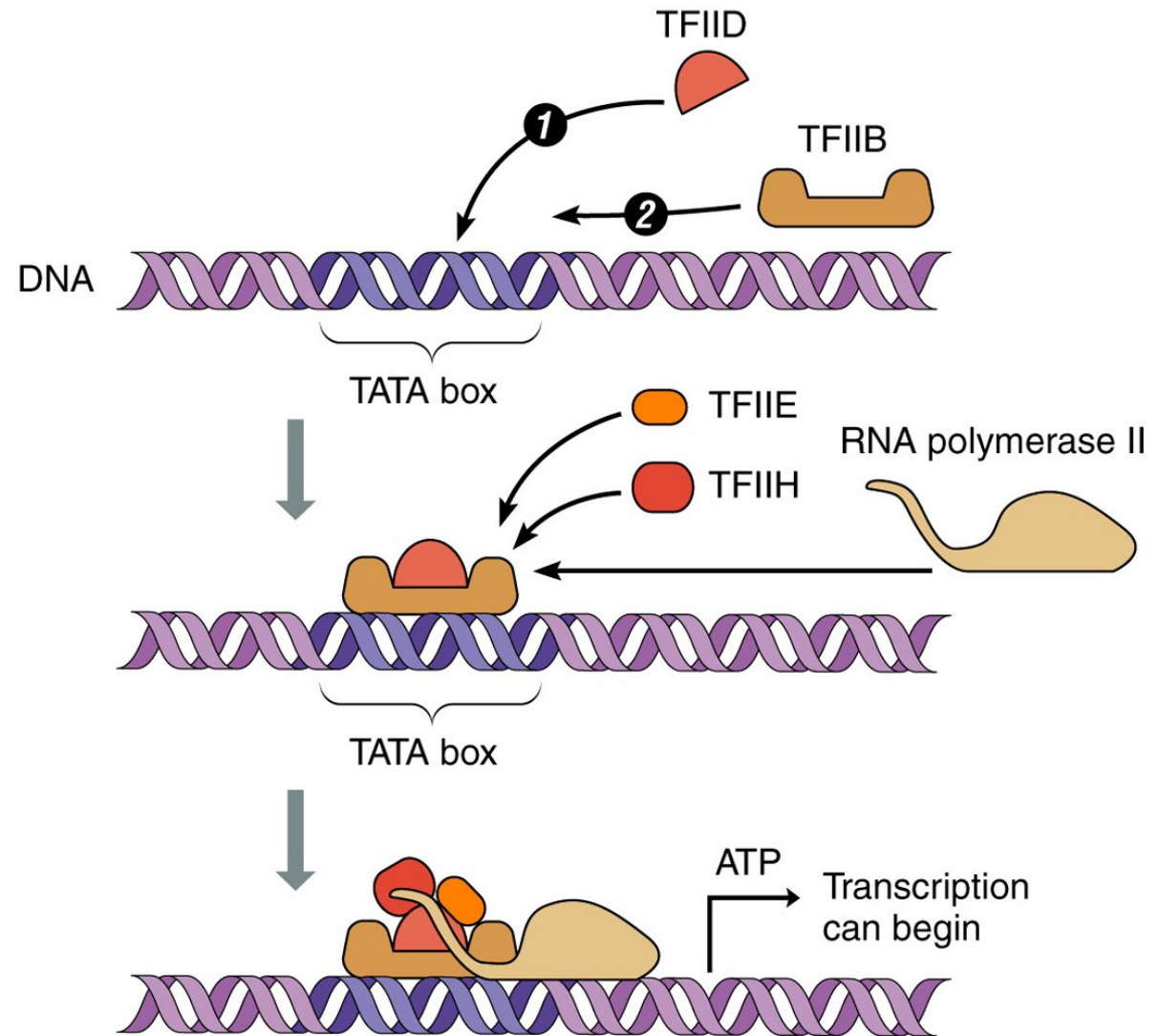
- Funkční význam specifických interakcí proteinů
- Regulace transkripce



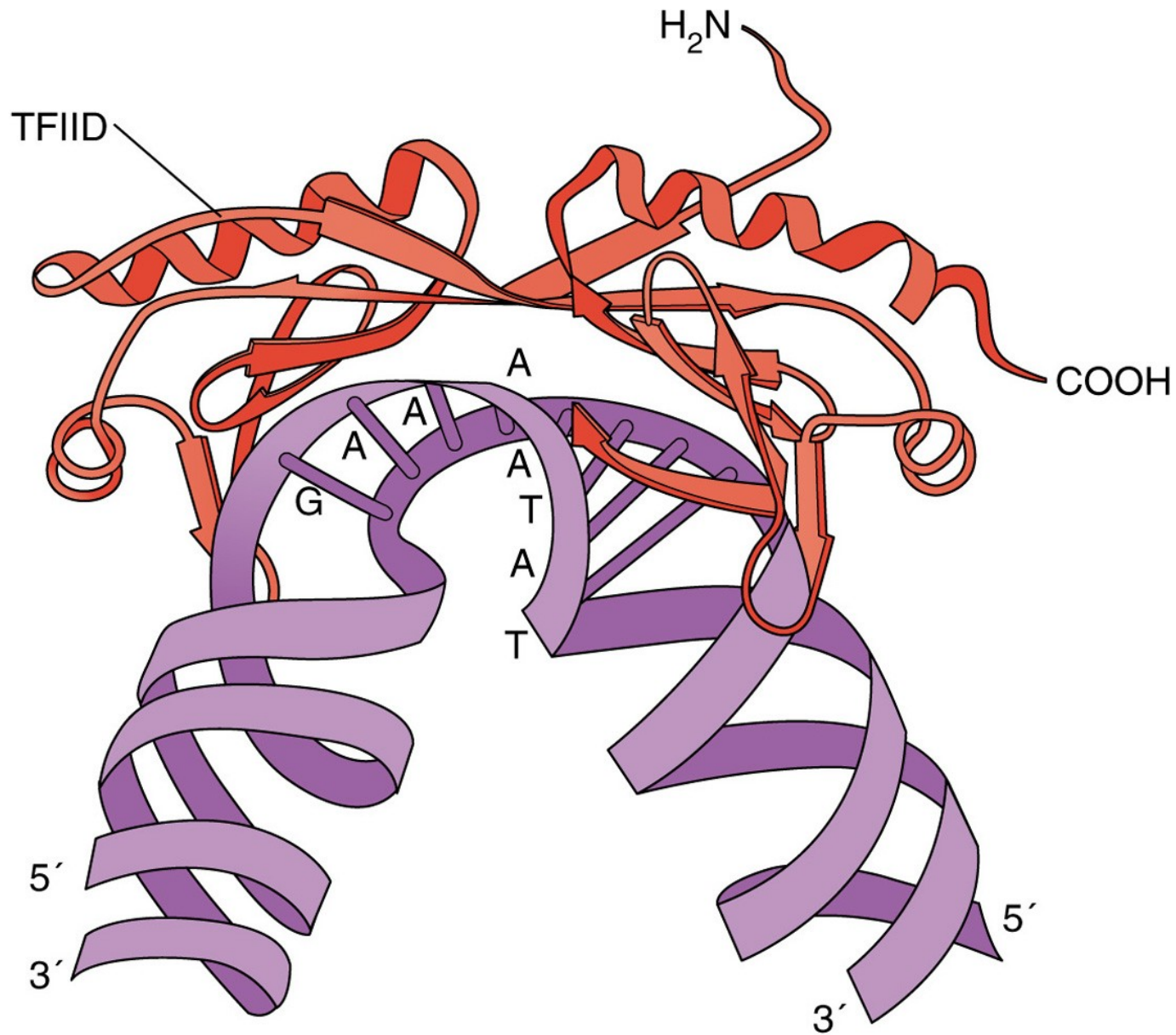


# Formation of transcription initiation complex

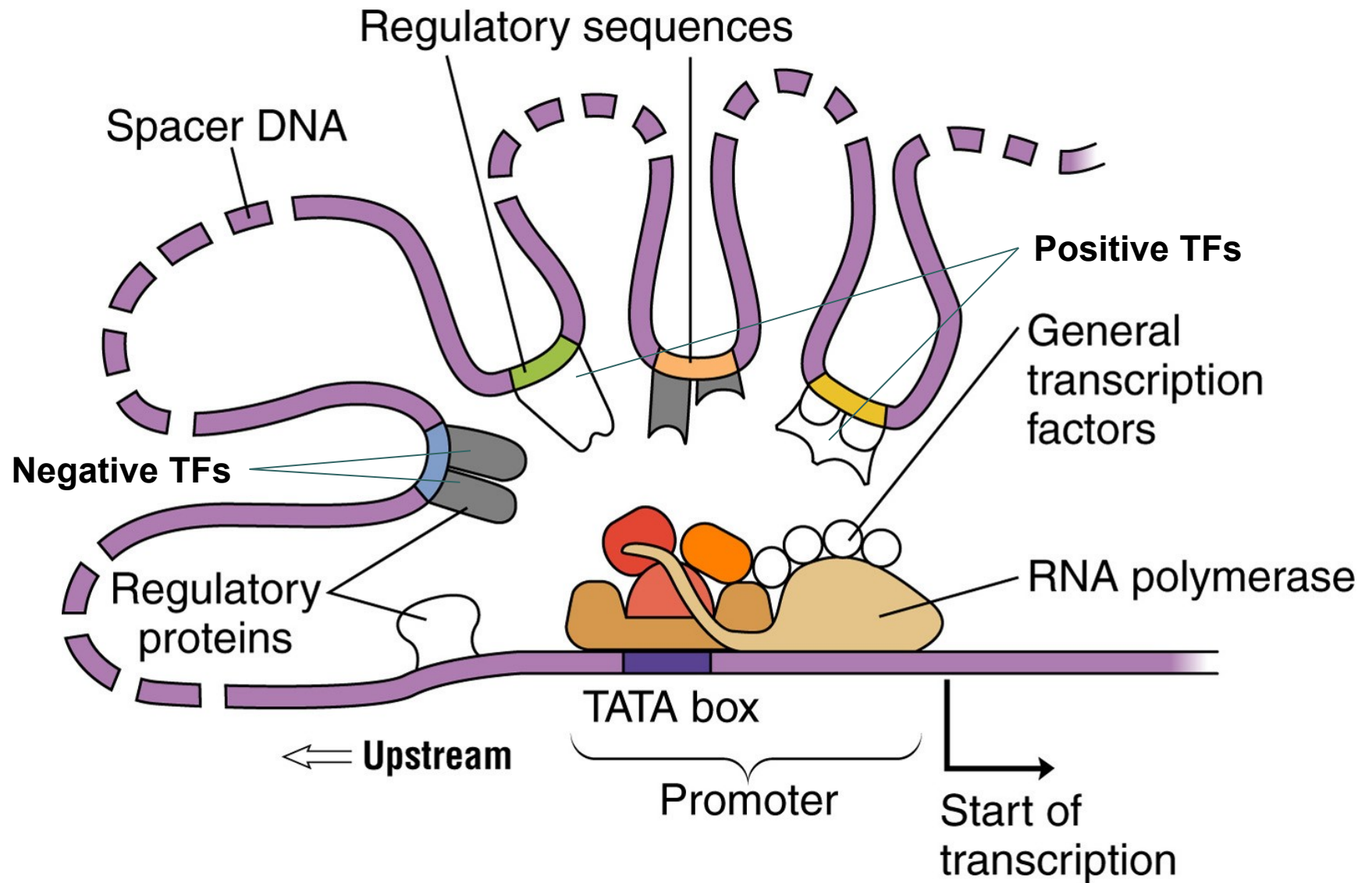
A.



B.



# Formation of transcription initiation complex



# Mechanism of transcriptional regulation by TAFs

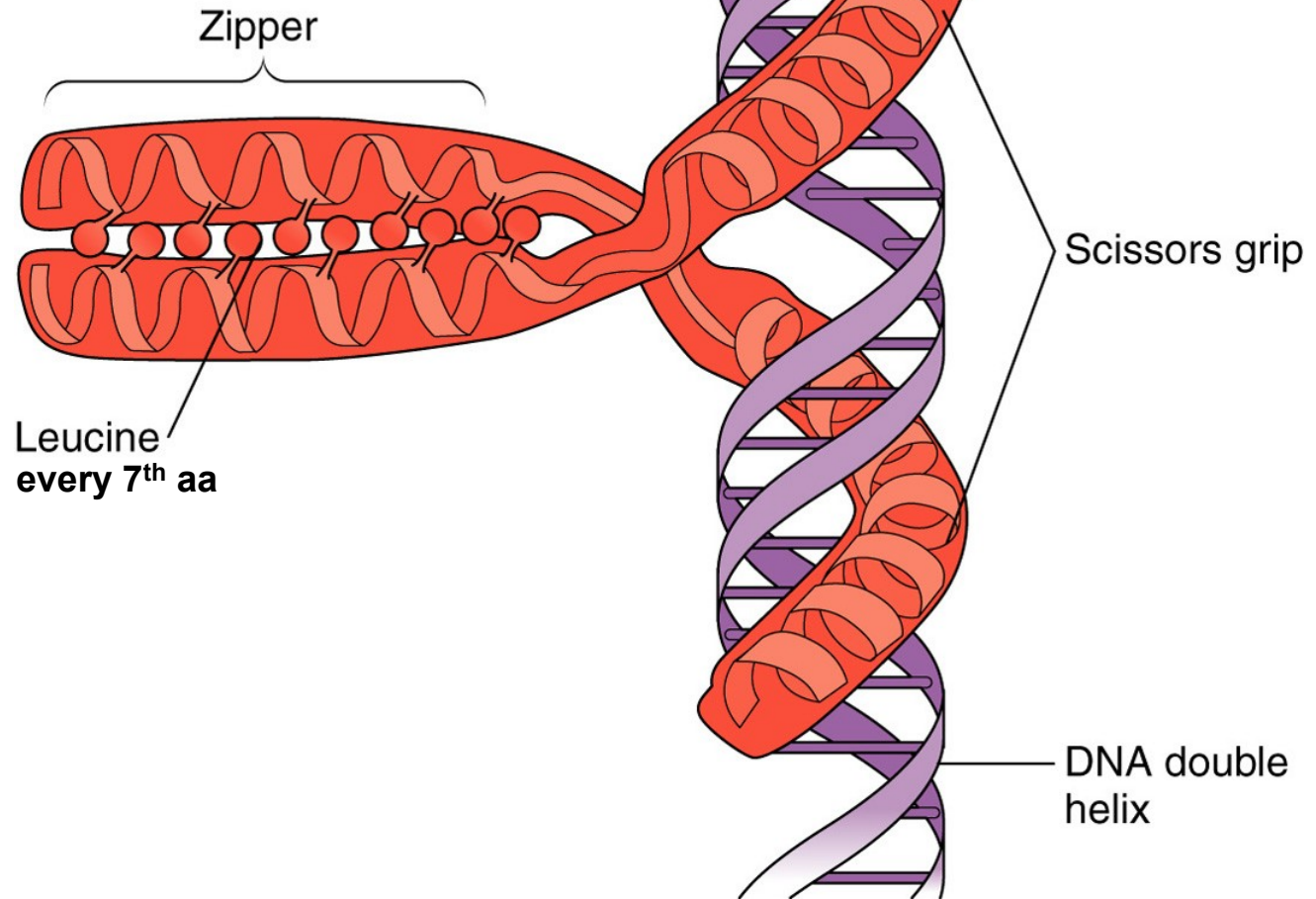
Signal recognition



Dimerization

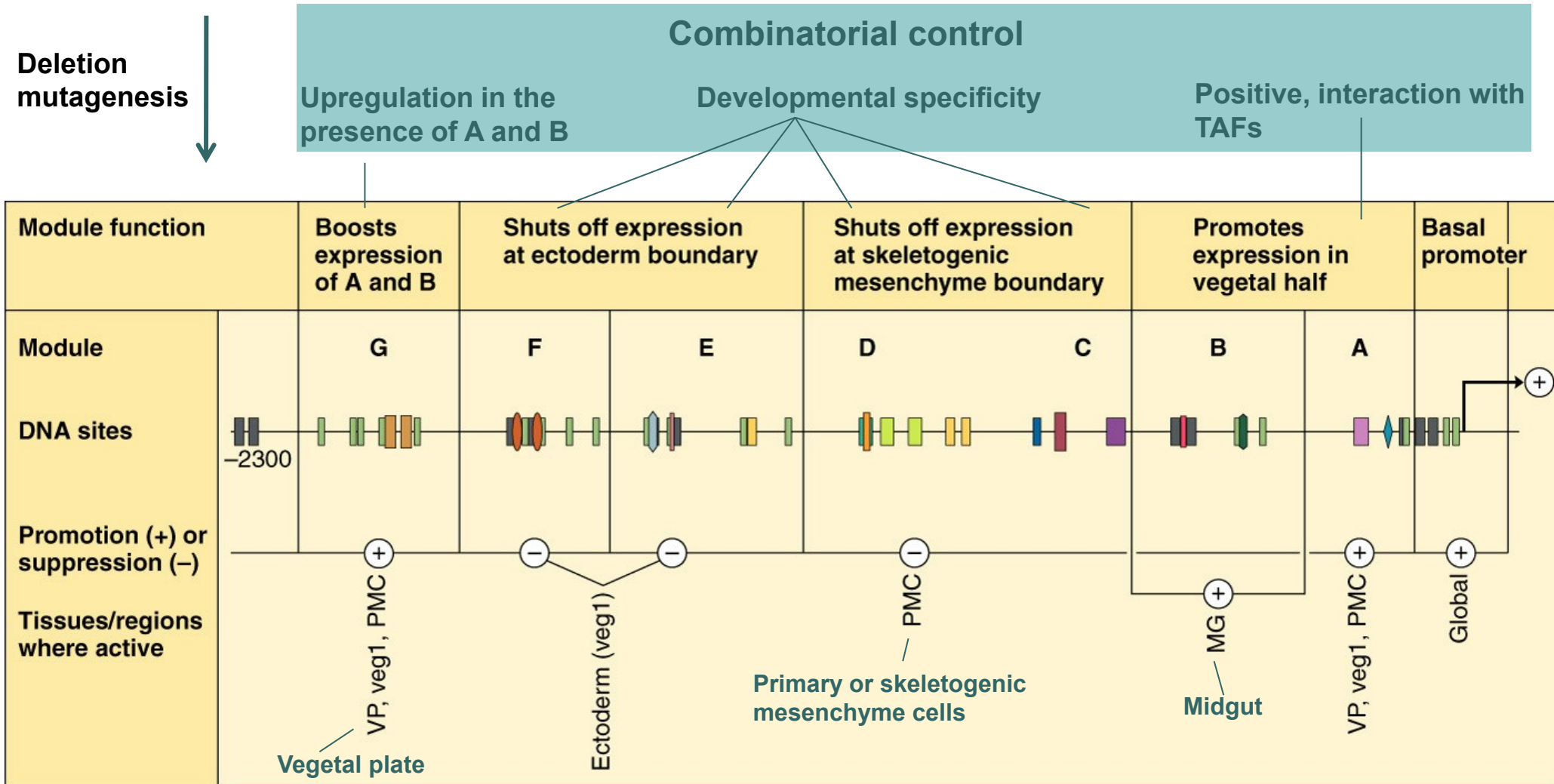


DNA binding and transcription activation



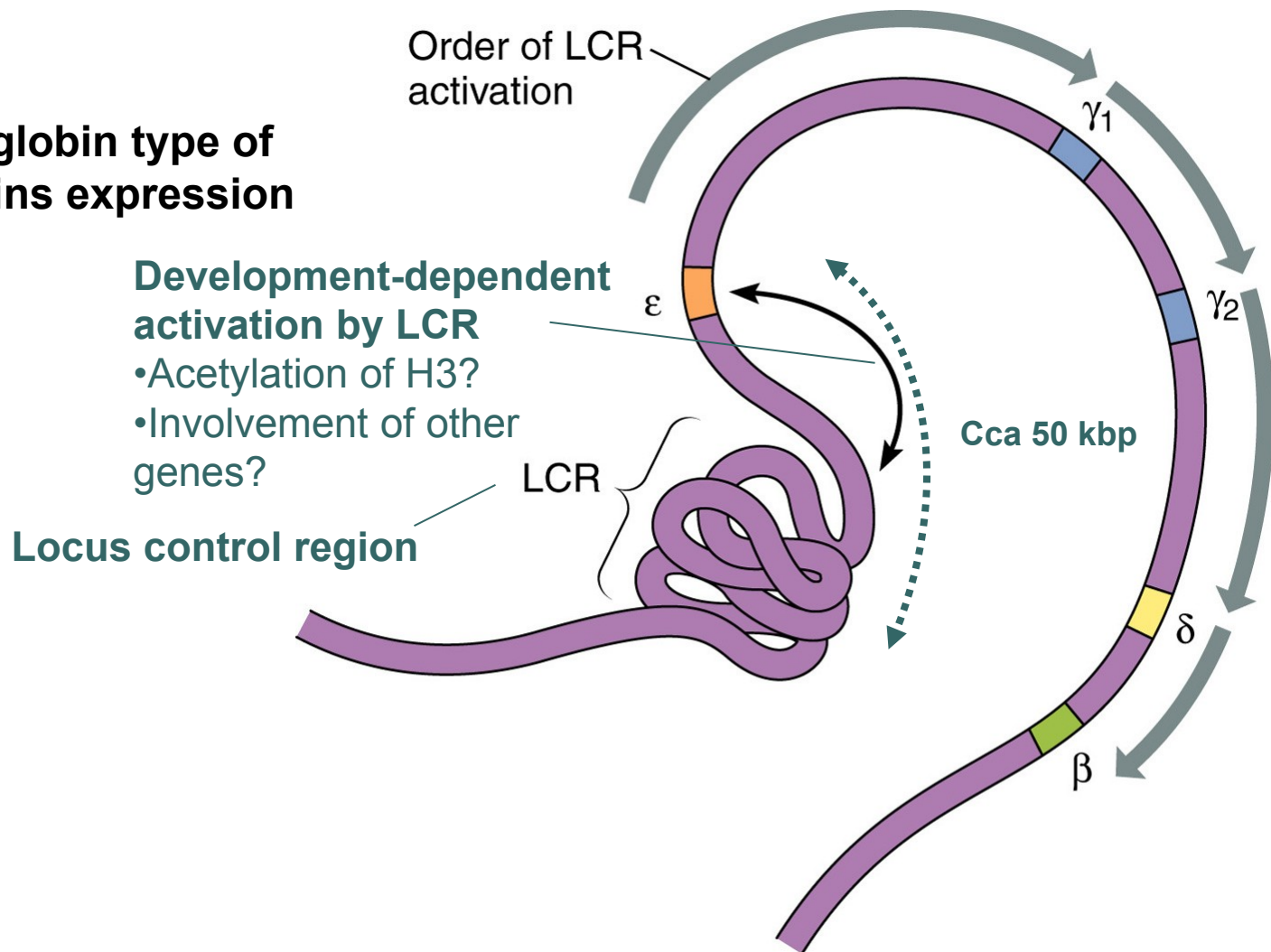
# “Microprocessor-like” acting promoters

*ProENDO16:REPORTER* (sea urchin)



# “Microprocessor-like” acting promoters

## Regulation of $\beta$ -globin type of hemoglobin chains expression

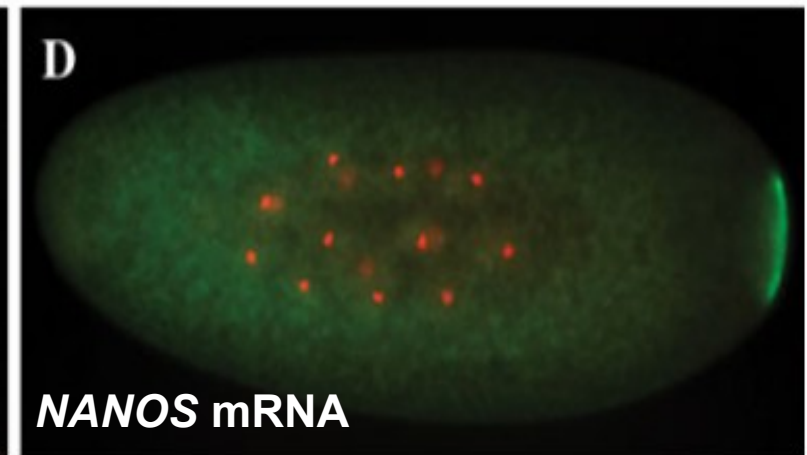
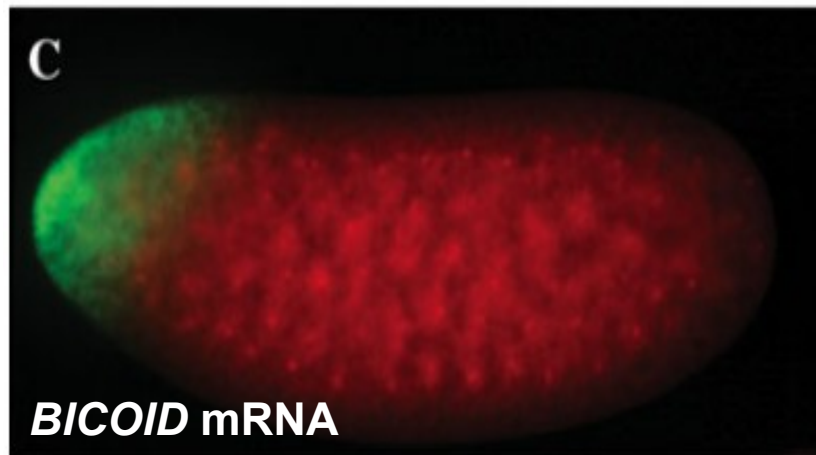
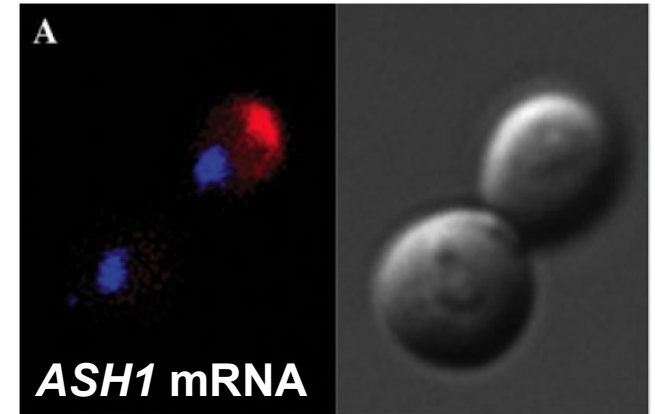


# Význam PI

- Funkční význam specifických interakcí proteinů
- Lokalizace mRNA

# Lokalizace mRNA

- Význam lokalizace mRNA
  - Lokalizace proteinového produktu genu v čase a místě
    - asymetrické dělení během vývoje
    - polarizace embrya

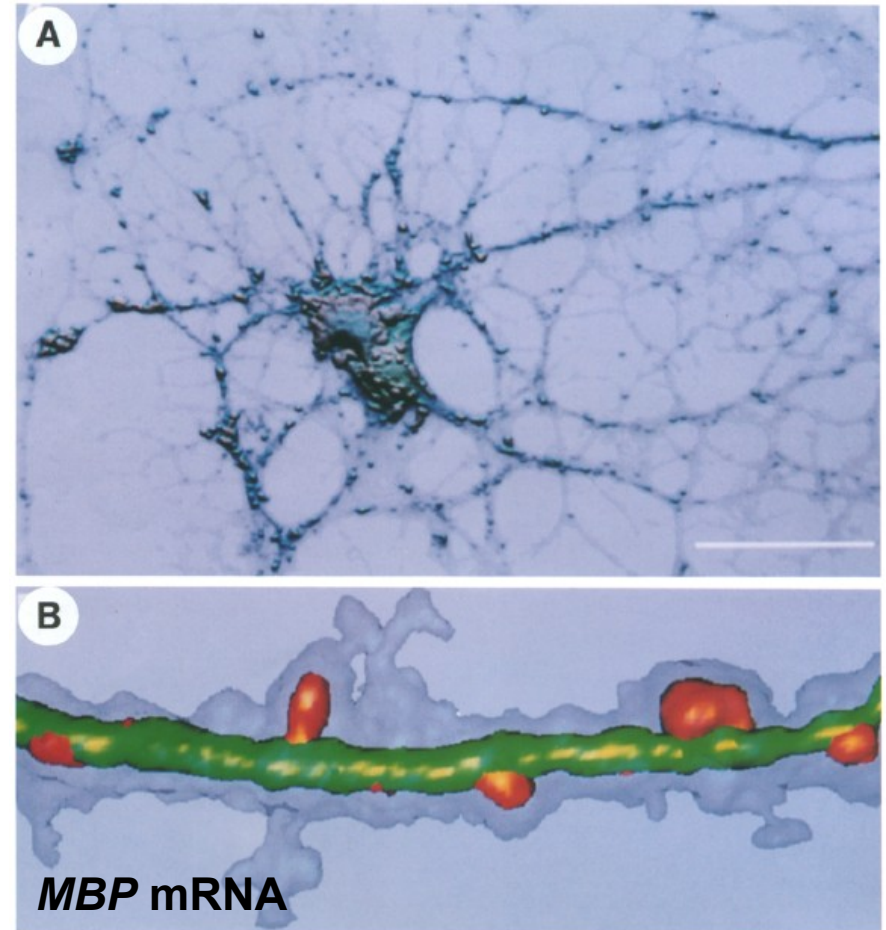


Shahbadian and Chartrand, 2012



# Lokalizace mRNA

- **Role lokalizace mRNA**
  - Omezení exprese potenciálně toxických proteinů
    - lokalizace exprese MBP do oblasti myelinizace nervových buněk

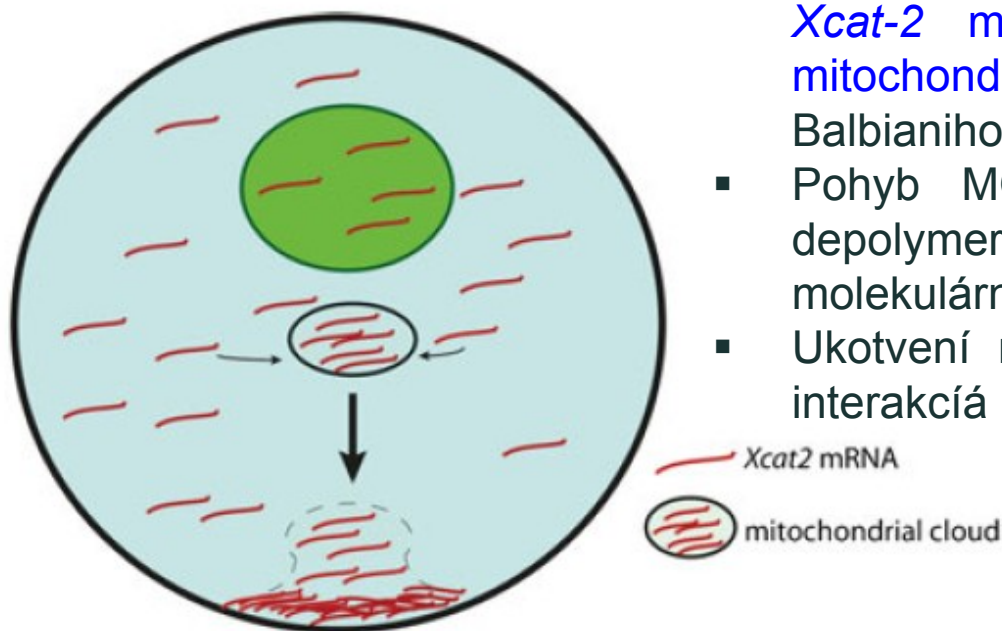


Ainger et al., 1993

# Lokalizace mRNA

## Mechanismy

- Difúze a ukotvení mRNA



- Během ranné oogeneze u drápatky je *Xcat-2* mRNA lokalizována do tzv. mitochondriálního oblaku (MO, Balbianiho tělíska)
- Pohyb MO je částečně závislý na depolymerizaci mikrotubulů (tzv. molekulární motor)
- Ukotvení na vegetálním pólu je dáno interakcí MO s ER

Shahbadian and Chartrand, 2012

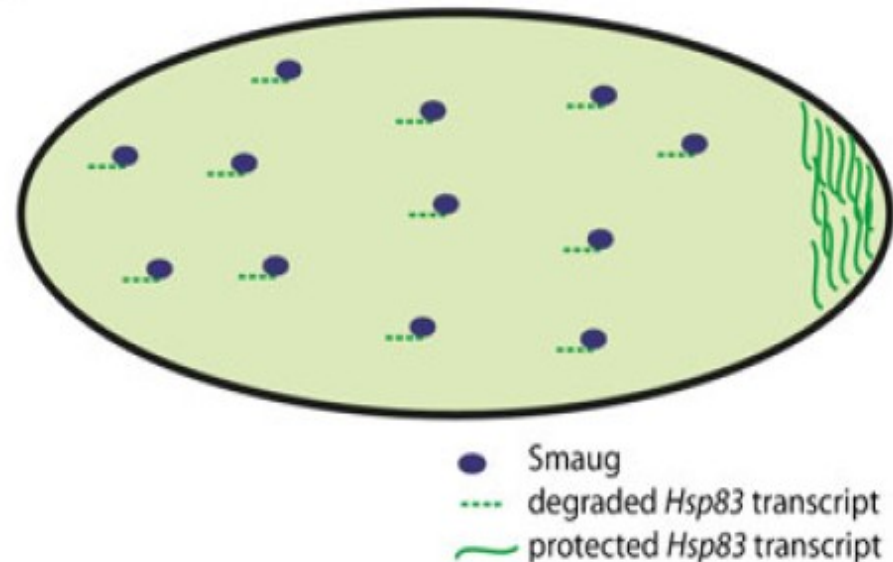
# Lokalizace mRNA

## Mechanismy

Shahbadian and Chartrand, 2012

### ▪ Lokalizovaná degradace mRNA

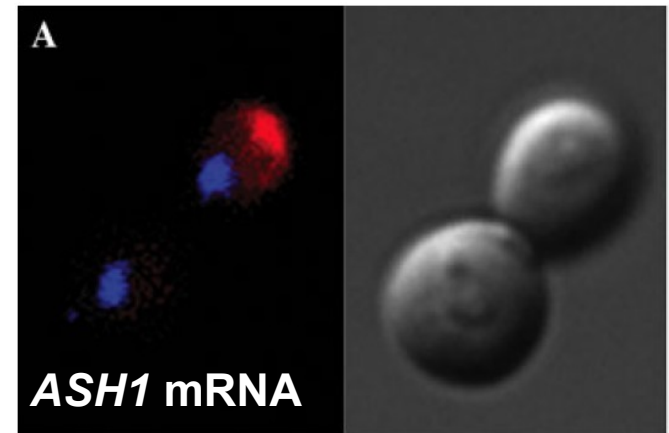
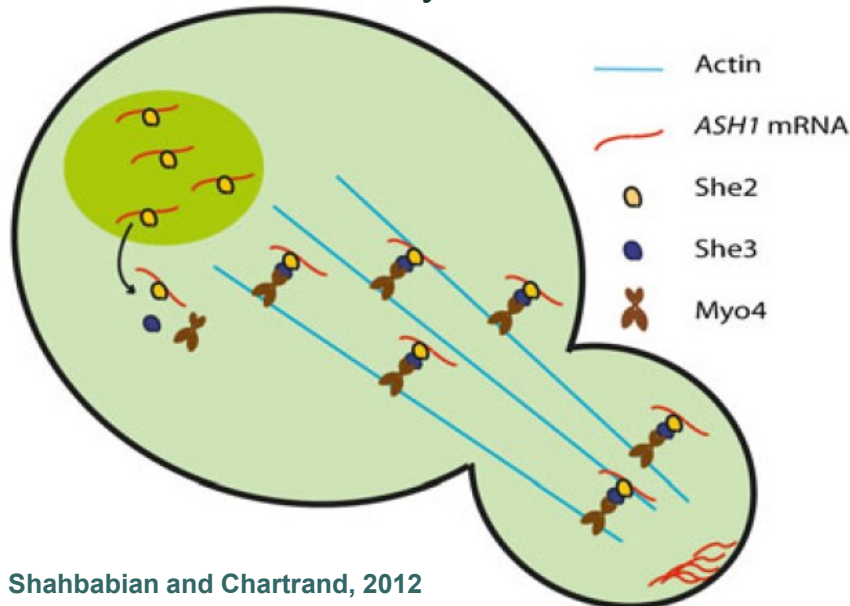
- V embryogenezi u *Drosophila m.* dochází **polární lokalizaci *Hsp83* mRNA**, podobně jako *NANOS* mRNA
- *Hsp83* mRNA je lokalizována **v celém embryu**, zde je však **destabilizována prostřednictvím cis elementů** jak v 3'UTR (HDE), tak v kódující oblasti (HIE)
- **HIE elementy jsou rozpoznávány proteinem SMAUG**, který zprostředkovává **vazbu degradačního komplexu CCR4/POP2/NOT**
- V oblasti **posteriočního pólu** je *Hsp83* mRNA chráněna před účinkem SMAUG tzv. **HPE elementem v 3'UTR**; mechanismus této ochrany je dosud neznámý



# Lokalizace mRNA

## Mechanismy

- **Aktivní transport mRNA**
  - *ASH1* je represor *HO* u *S. cerevisiae*; inhibice *HO* v dceřinných buňkách **zabraňuje změně párovacího typu**
  - *ASH1* mRNA je **aktivně transportována** prostřednictvím „molekulárních motorů“ asociovaných s aktinem



- *ASH1* mRNA obsahuje **4 cis elementy** (3 v CDS a 1 ve 3'UTR), které jsou **rozpoznávány** RNA vazebným proteinem **SHE2**
- **SHE2** umožňuje prostřednictvím **SHE3** vazbu na „molekulární motor“, **MYO4**, který se váže na aktin a umožňuje transport *ASH1* mRNA do dceřinné buňky

# Význam PI

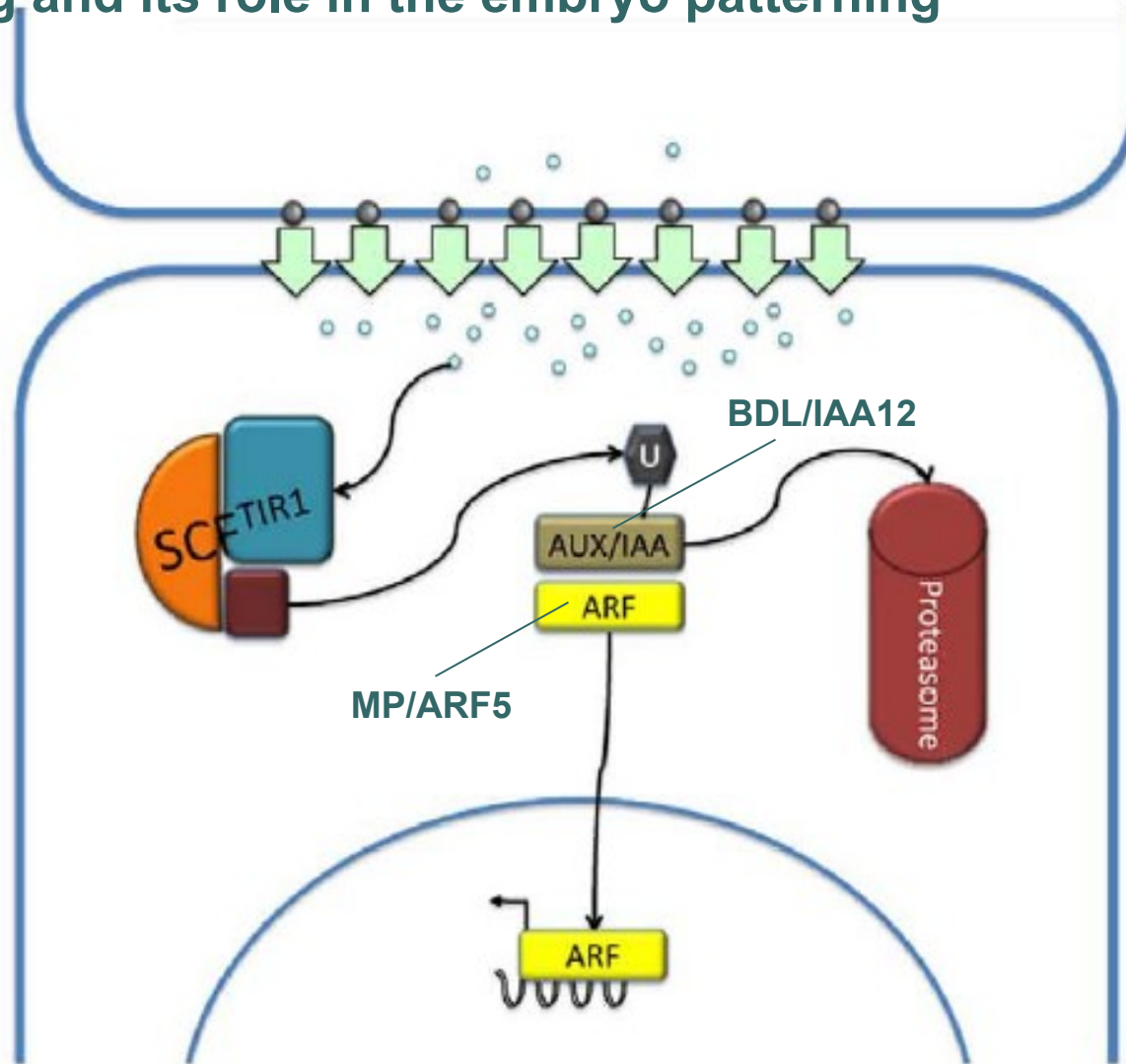
- Funkční význam specifických interakcí proteinů

- Sestřih hnRNA

# Význam PI

- Funkční význam specifických interakcí proteinů
- Stabilita proteinů

# Auxin signalling and its role in the embryo patterning



Capron et al., *Arabidopsis Book* (2009)

# Význam PI

- Funkční význam specifických interakcí proteinů

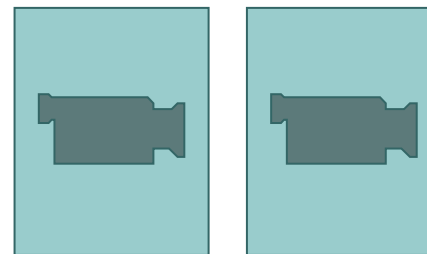
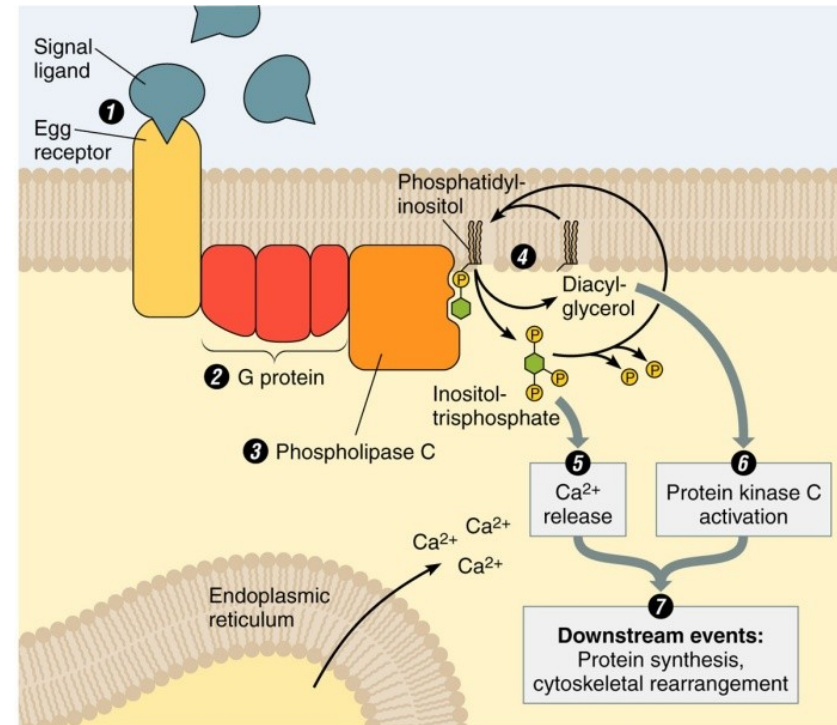
- Přenos signálu



# PI a přenos signálu

## PI a přenos signálu

- prostřednictvím G proteinu a fosfolipasy C
- Signální kaskády využívající cAMP



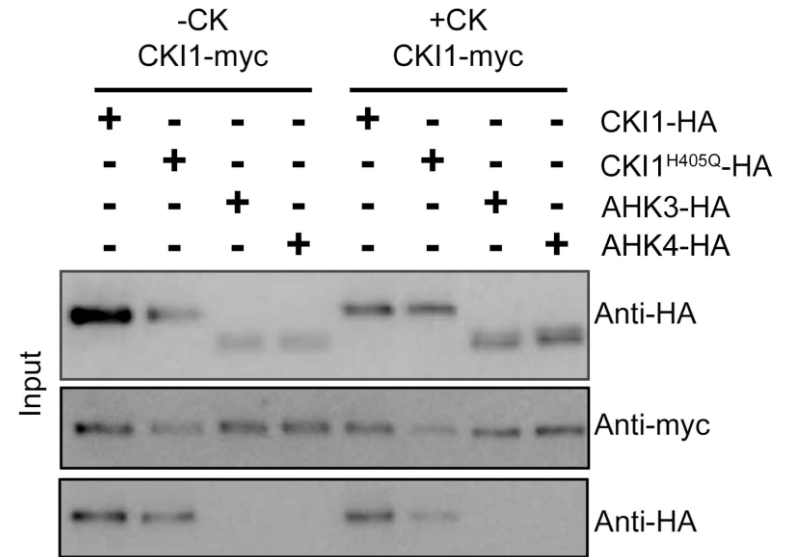
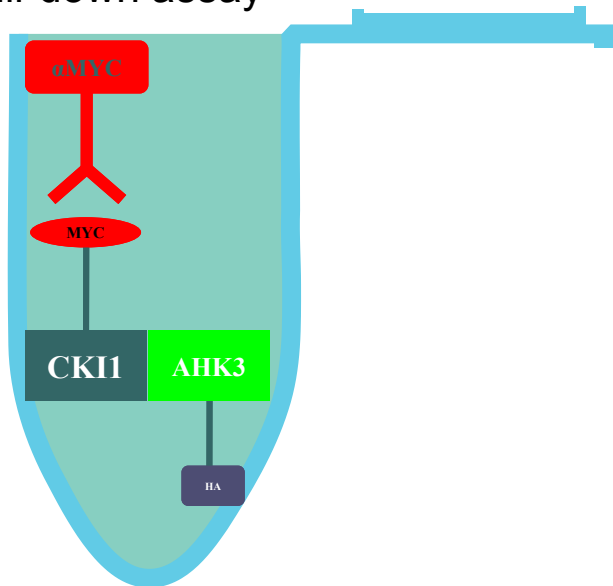
# Osnova

- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace

# PI *in vivo*

## Koimunoprecipitace

- založena na izolaci proteinových komplexů pomocí protilátek rozpoznávajících jeden z interagujících proteinů
- princip koimunoprecipitace využívá metoda pro potvrzení interakcí u proteinů, kde již tuto interakci předpokládáme pomocí tzv. pull-down assay



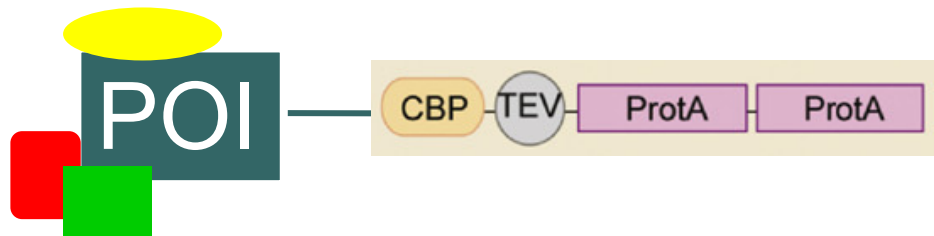
# Osnova

- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace
  - Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)

# PI *in vivo*

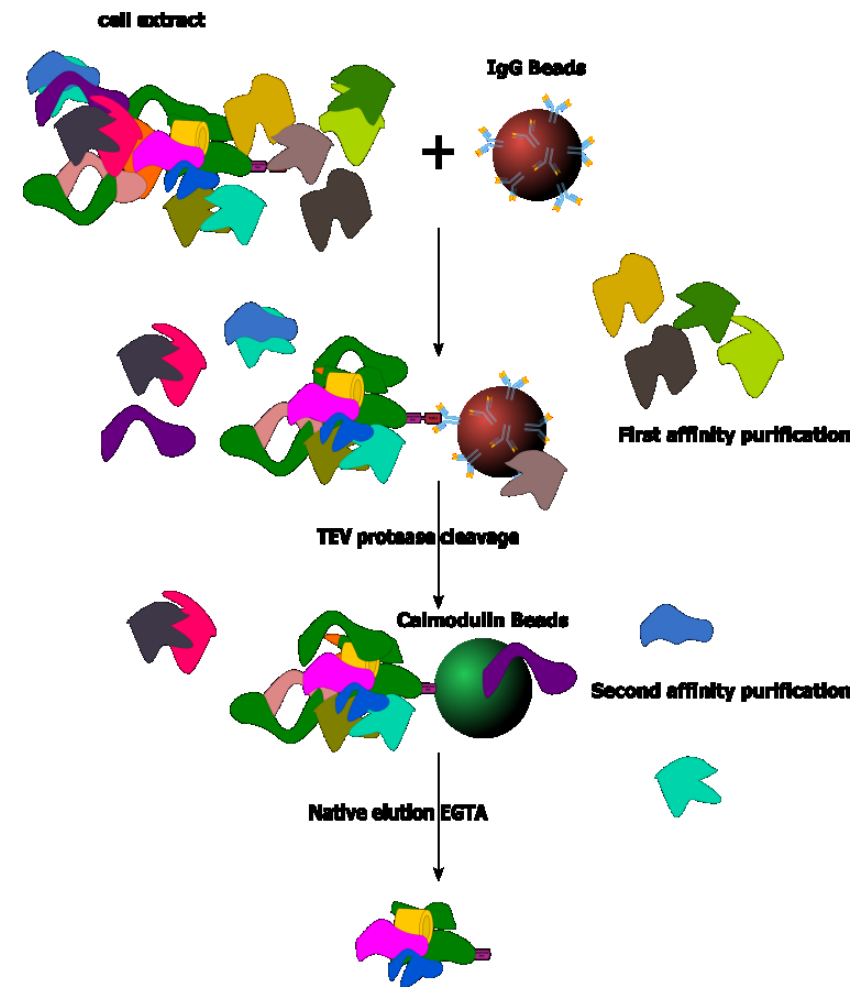
## Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)

- izolace proteinových komplexů pomocí rekombinantních proteinů, fúzovaných s dvěma různými vazebnými doménami



- calmodulin-binding protein (CBP)
- IgG vázající domény proteinu A (ProtA)
- místo rozpoznávané specifickou proteázou z TEV viru (tobacco etch virus)

- proteiny izolovaných komplexů jsou po rozdělení na 1D ELFO identifikovány pomocí MS
- výhodou je použití dvou nezávislých proteinových domén pro afinitní purifikaci a tedy velká specifita



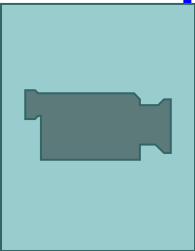
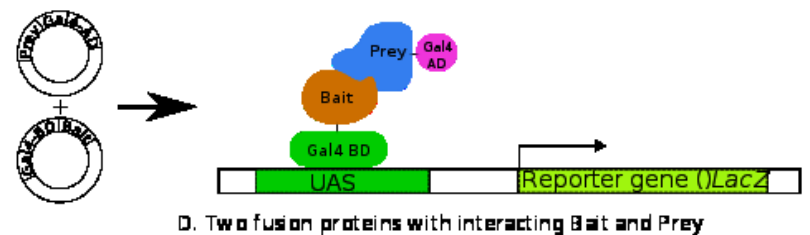
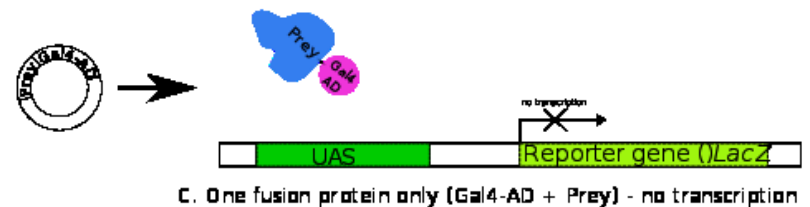
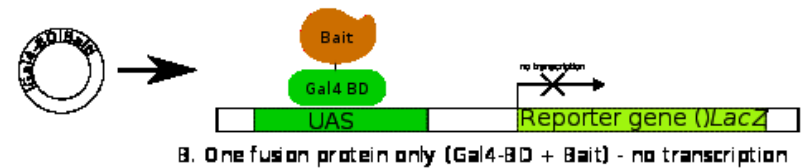
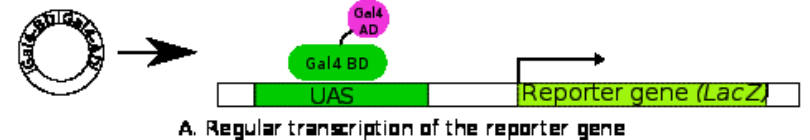
# Osnova

- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace
  - Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)
  - Kvasinkový dvouhybridní test (Y2H)

# PI *in vivo*

## Dvouhybridní kvasinkový test (Y2H)

- izolace proteinových komplexů pomocí rekombinantních proteinů, každý z nich fúzovaný s částí transkripčního faktoru Gal4
  - jeden z proteinů (návnada, bait) fúzovaný s DNA vazebnou doménou Gal4 (Gal4-BD)
  - druhý z proteinů (kořist, prey) fúzovaný s aktivační doménou Gal4 (Gal4-AD)
- Interakce proteinů umožní rekonstituci vazebné domény s aktivační doménou a spuštění reportérového genu
  - vizuální detekce (modré zbarvení, LacZ)
  - auxotrofní selekce (růst na médiu bez histidinu, His)
- umožňuje vyhledávání interakčních partnerů v expresních knihovnách jednotlivých organismů



# Osnova

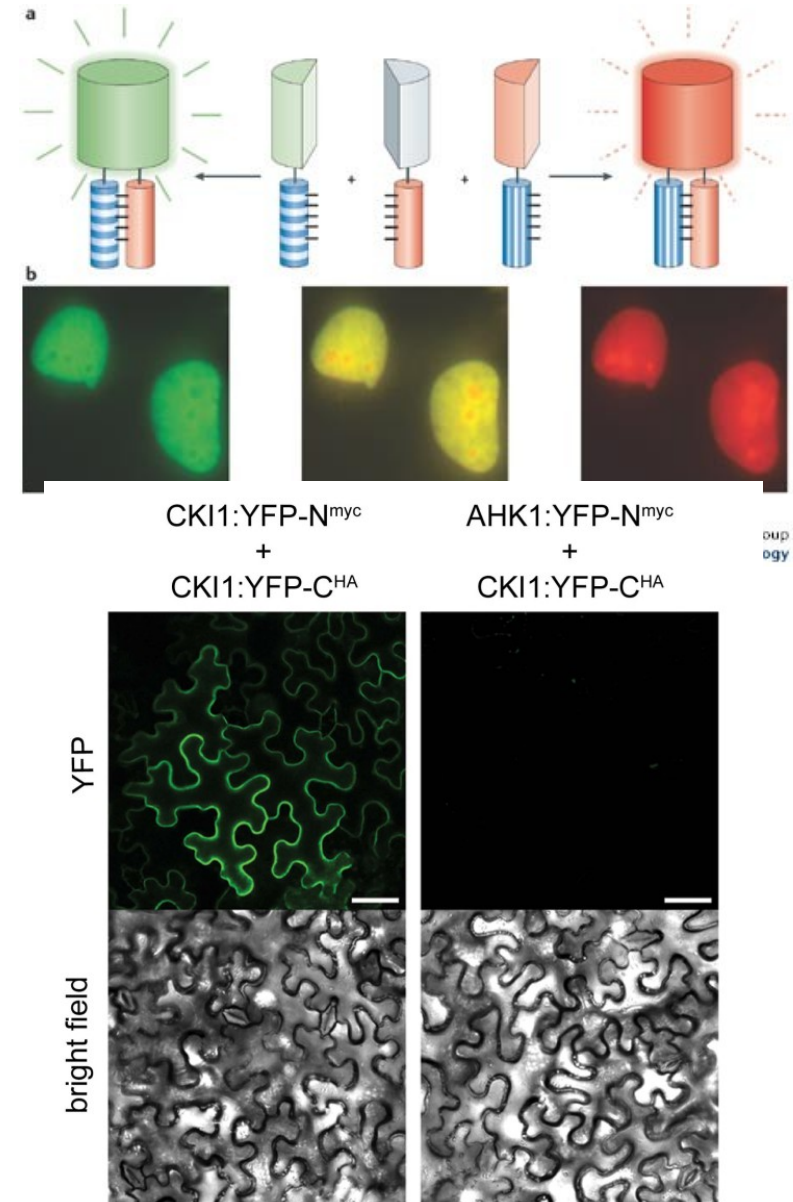
- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace
  - Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)
  - Kvasinkový dvouhybridní test (Y2H)
  - Bimolekulární fluorescenční komplementace (BiFC)



# PI *in vivo*

## bimolekulární fluorescenční komplementace (BiFC)

- Proteinová interakce je detekována na základě reasociace fluoreskujícího proteinu
  - každý z potenciálních interakčních partnerů je fúzován s jednou z podjednotek fluoreskujícího proteinu, např. YFP
  - při interakci dojde ke znovuobnovení fluorescence
- Kromě identifikace vlastní interakce umožňuje i lokalizovat interakci v buňce



# Osnova

- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace
  - Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)
  - Kvasinkový dvouhybridní test (Y2H)
  - Bimolekulární fluorescenční komplementace (BiFC)
  - Analýza zprostředkované membránové vazby (MeRA)

# PI *in vivo*

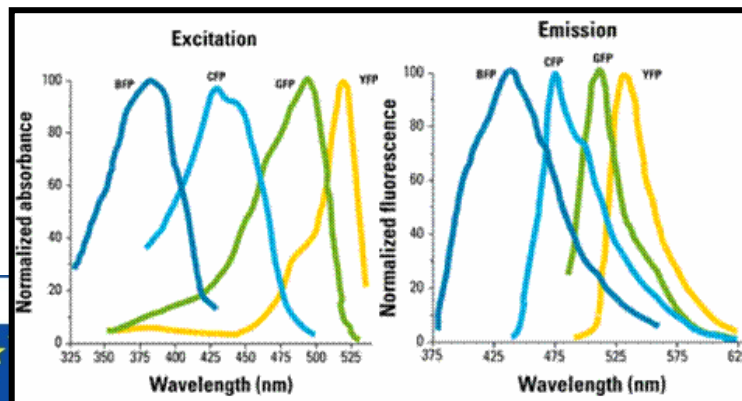
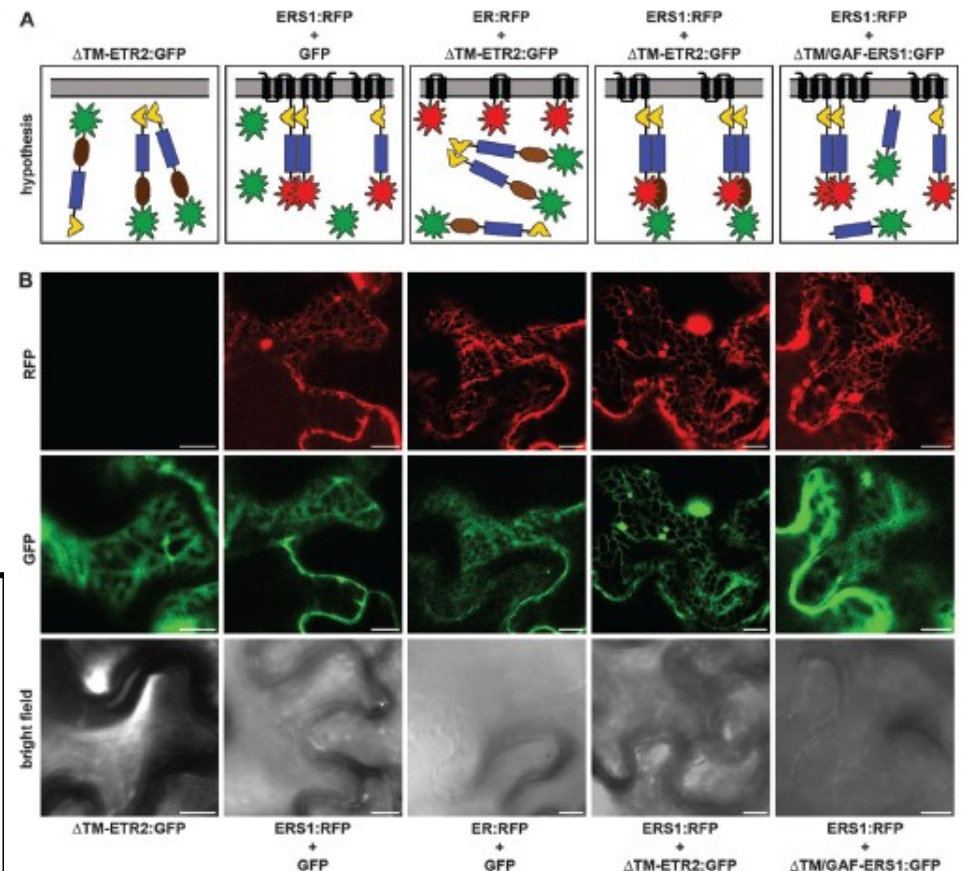
## Analýza zprostředkované membránové vazby (MeRA)

- Umožňuje identifikaci interakcí cytoplazmatických proteinů s membránovými proteiny

membránový protein je fúzován s fluoreskujícím proteinem

potenciální ineterakční partner je fúzován s jímým fluoreskujícím proteinem, lišícím se svým emisním spektrem

v případě interakce dojde ke změně lokalizace cytoplazmatického proteinu na membránu (kolokalizaci s membránovým proteinem)

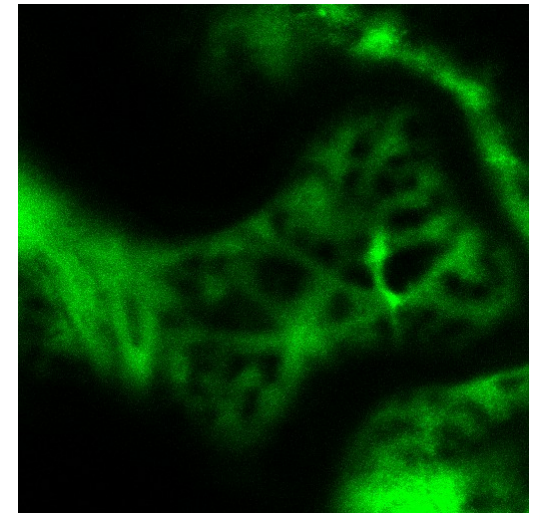
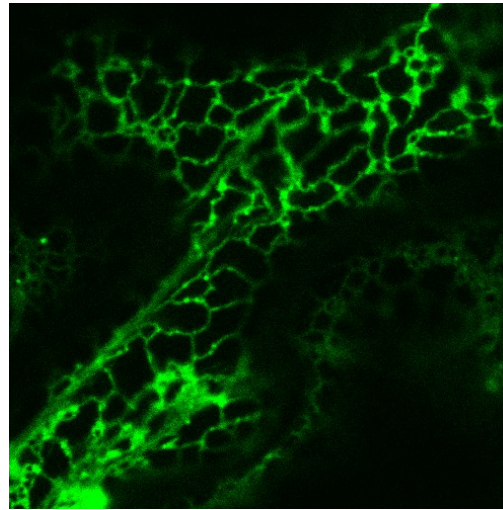
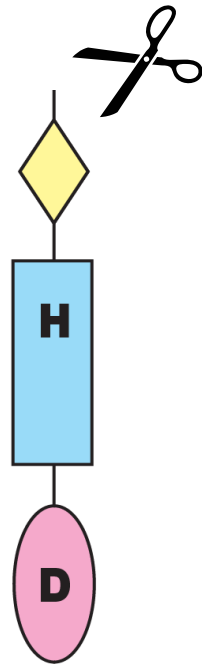


INVESTICE DO ROZVOJE VZDĚLÁVÁNÍ

Tato prezentace je spolufinancována  
Evropským sociálním fondem  
a státním rozpočtem České republiky

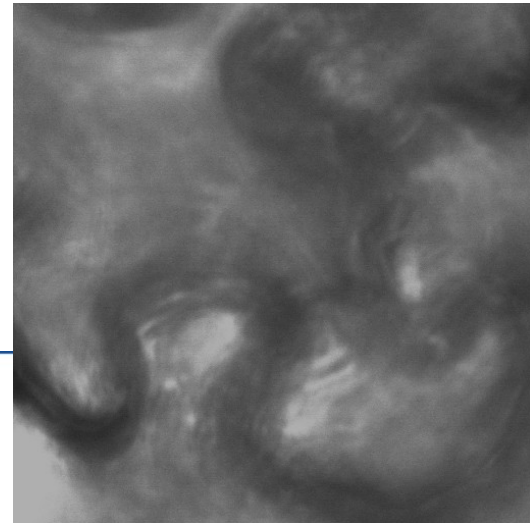
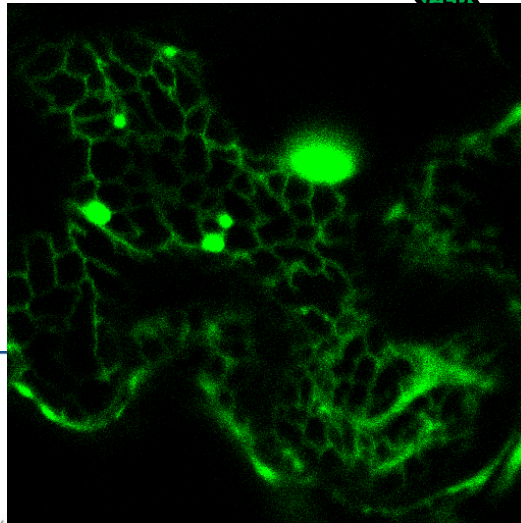
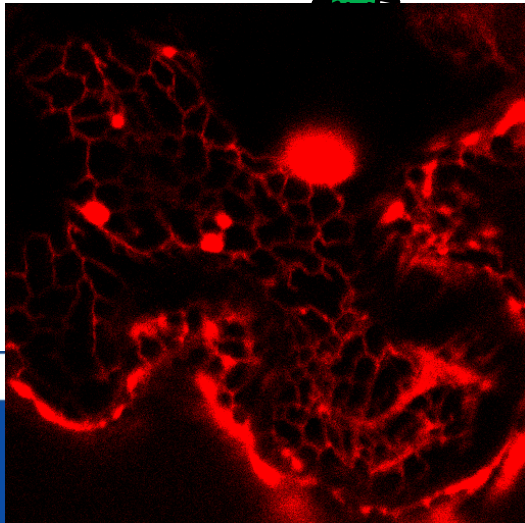
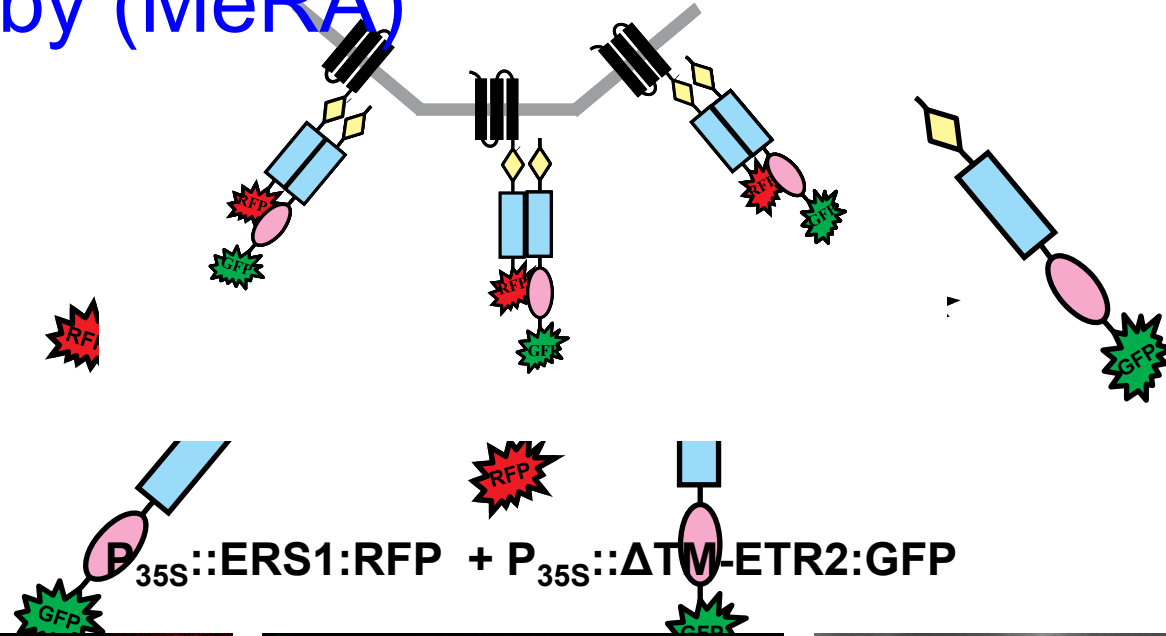
# PI *in vivo*

## Analýza zprostředkované membránové vazby (MeRA)



# PI *in vivo*

## Analýza zprostředkované membránové vazby (MeRA)

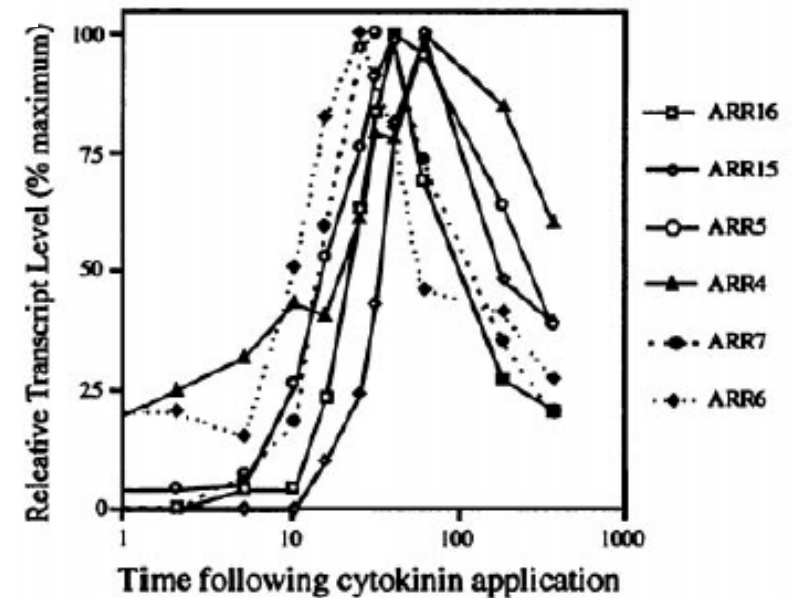
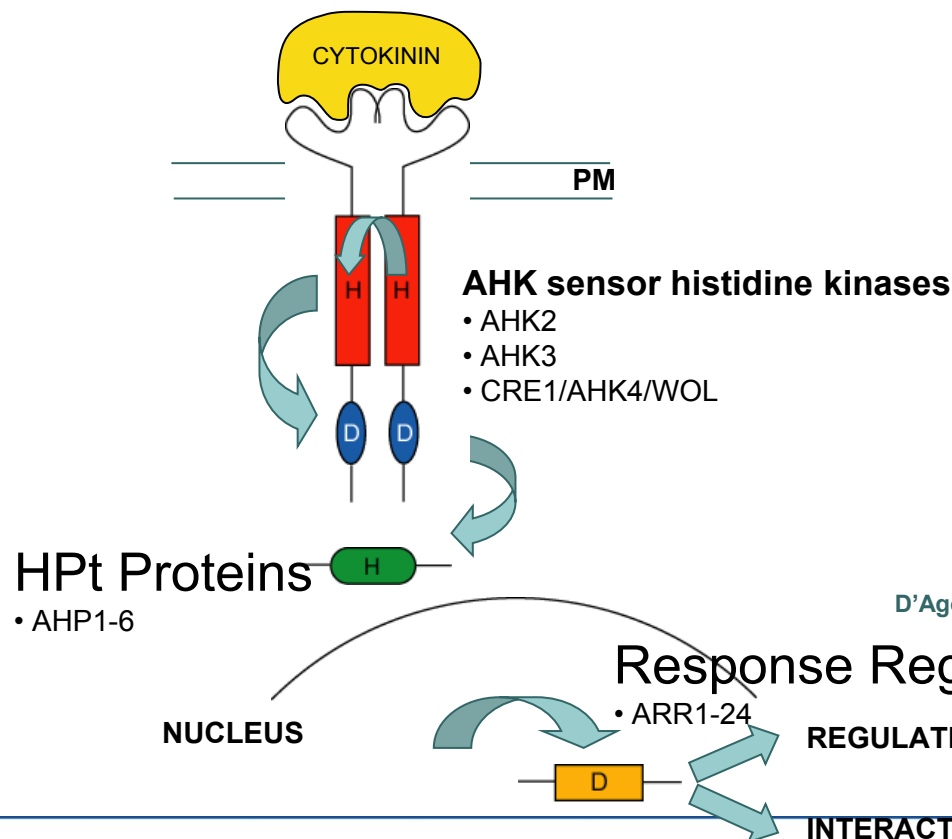


# Osnova

- Praktické využití metod pro studium PI *in vivo*

# Signal Transduction via MSP

## Recent Model of the CK Signaling via Multistep Phosphorelay (MSP) Pathway

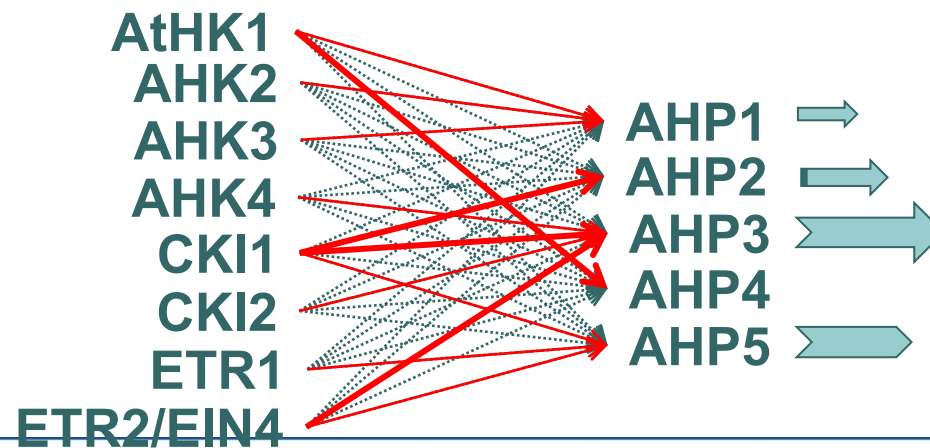
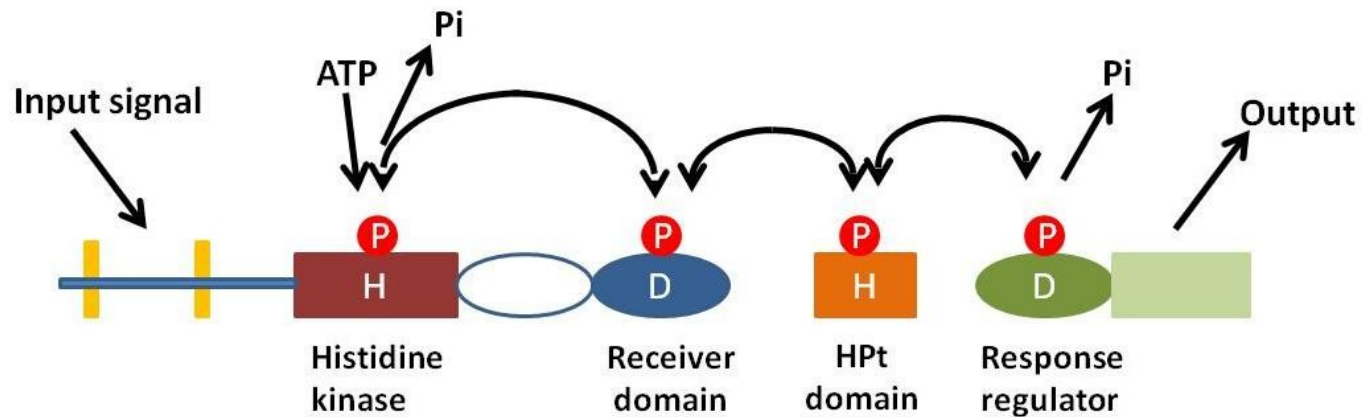


D'Agostino et al., Plant Phys, 2000

CK primary response genes  
- Type-A ARR expression

# Is there any specificity in plant MSP?

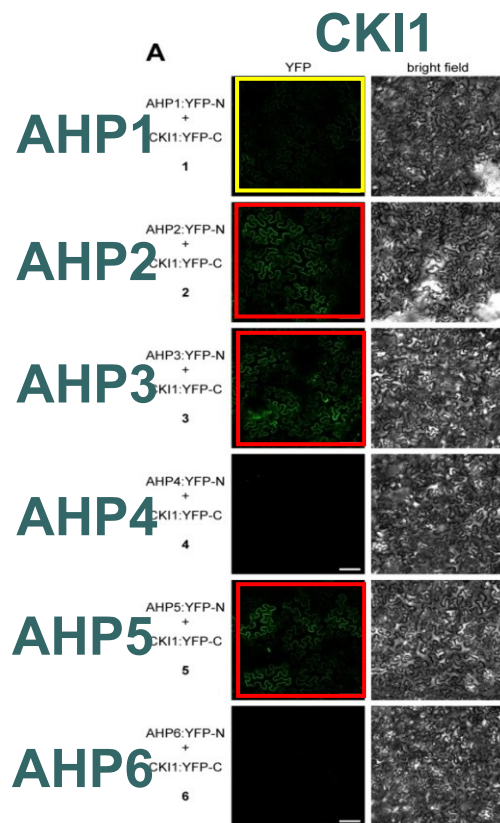
- Is there *a signalling specificity of MSP* in plants?





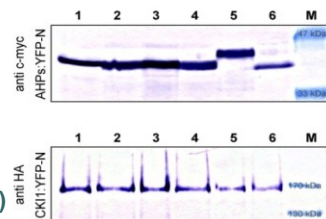
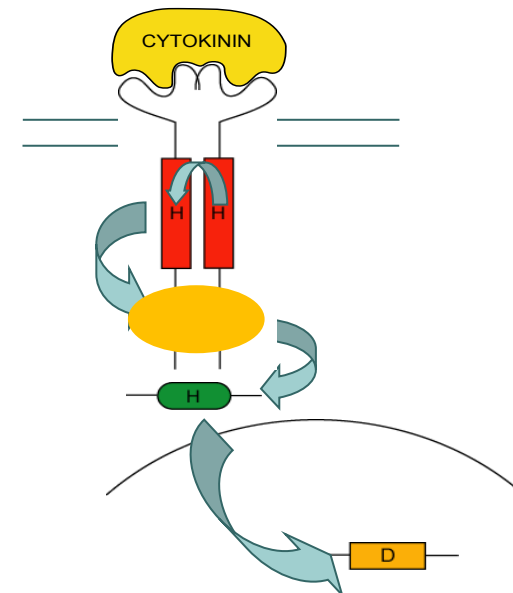
# Specificity of CKI1 signalling

- *CKI1 interacts in vivo* with only *subset of AHPs*



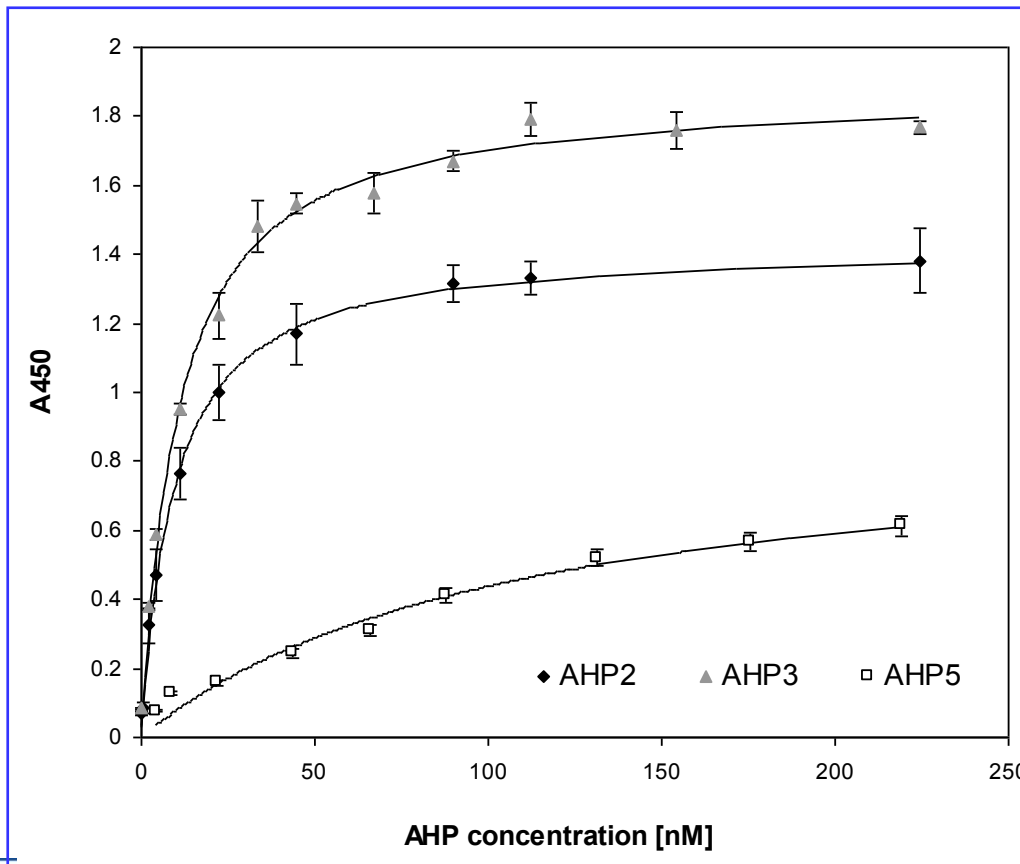
**BiFC**

**Y2H**



# Specificity of CKI1 Signalling

- **Specificity of CKI1 interaction** was confirmed *in vitro*



**AHP3:  $K_d \sim 10,5$  nM**

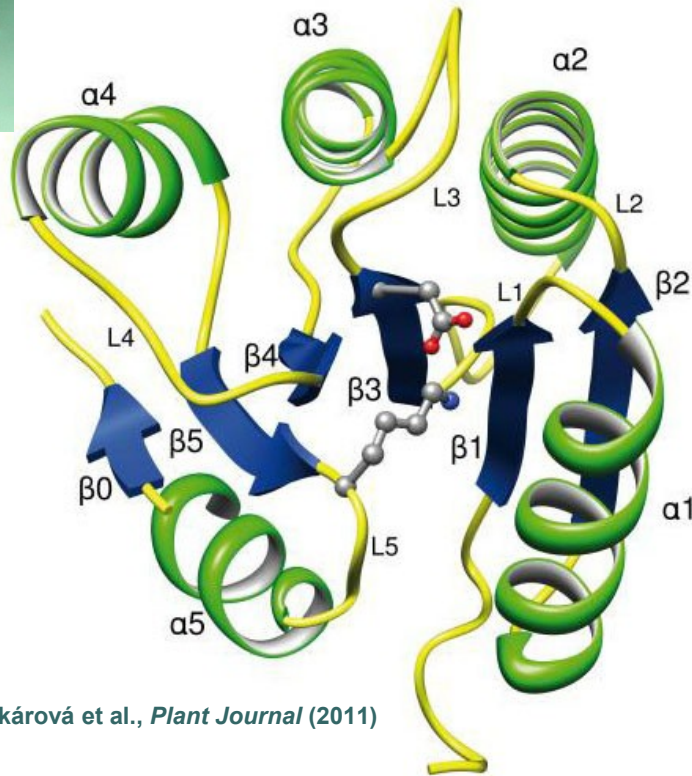
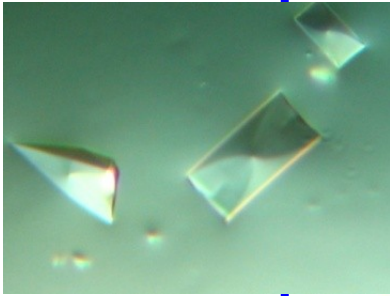
**AHP2:  $K_d \sim 9,17$  nM**

**AHP5:  $K_d \sim 108$  nM**

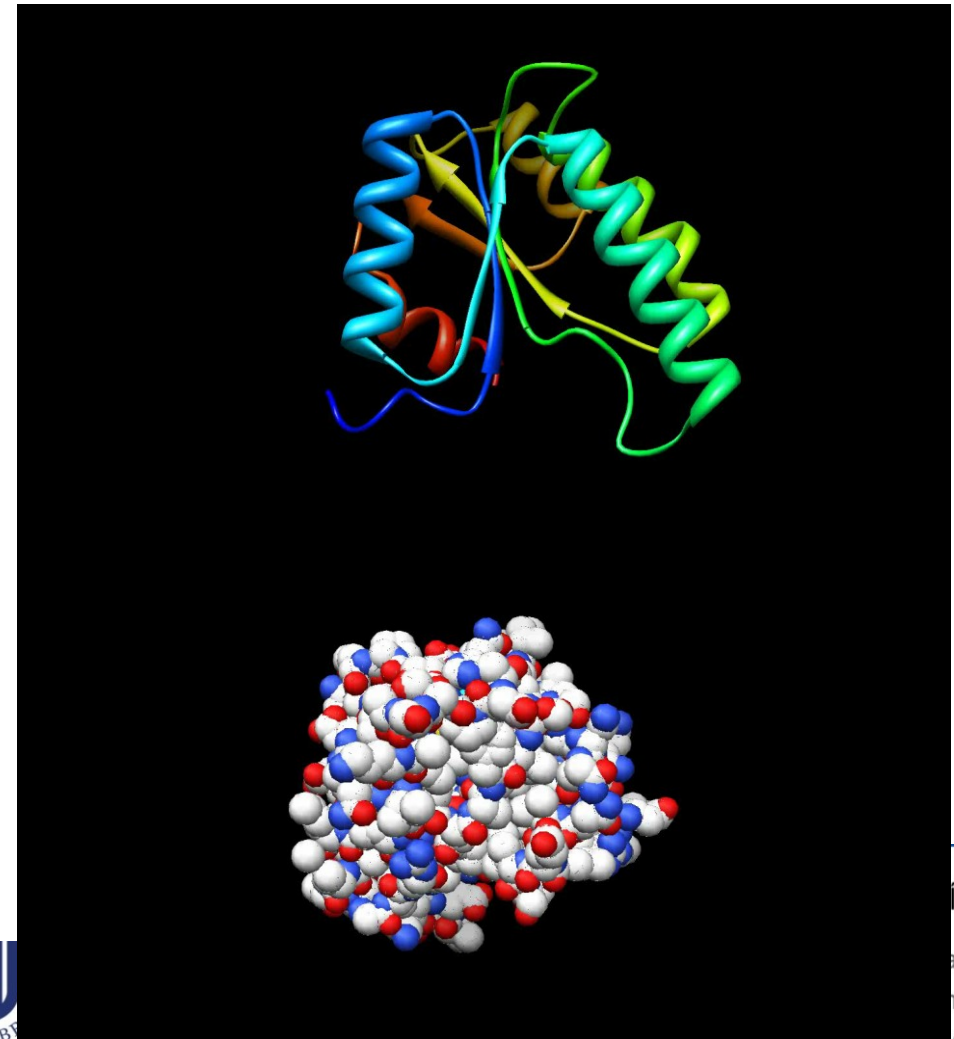
Pekárová et al., *Plant Journal* (2011)

# Structure of CKI1<sub>RD</sub>

- X-ray crystallography revealed conserved  $(\alpha/\beta)_5$  structural fold of CKI1<sub>RD</sub>

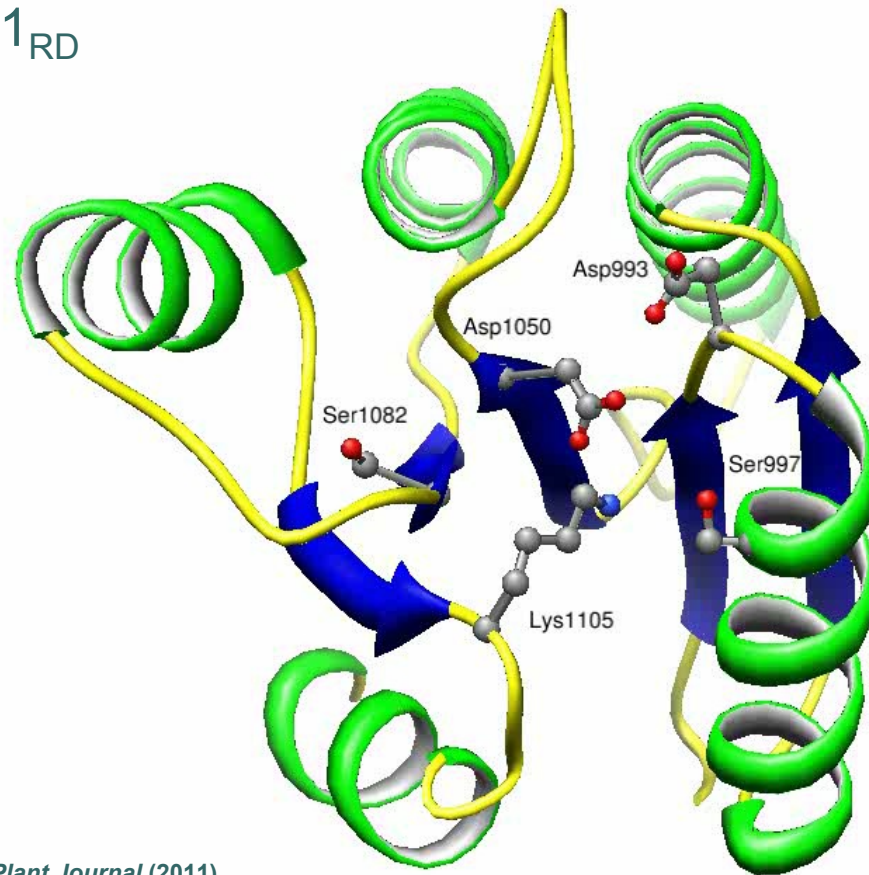


Pekárová et al., *Plant Journal* (2011)



# Dynamics of CKI1<sub>RD</sub>

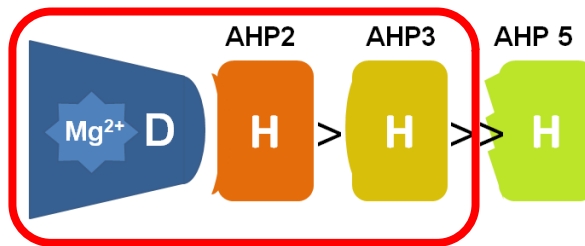
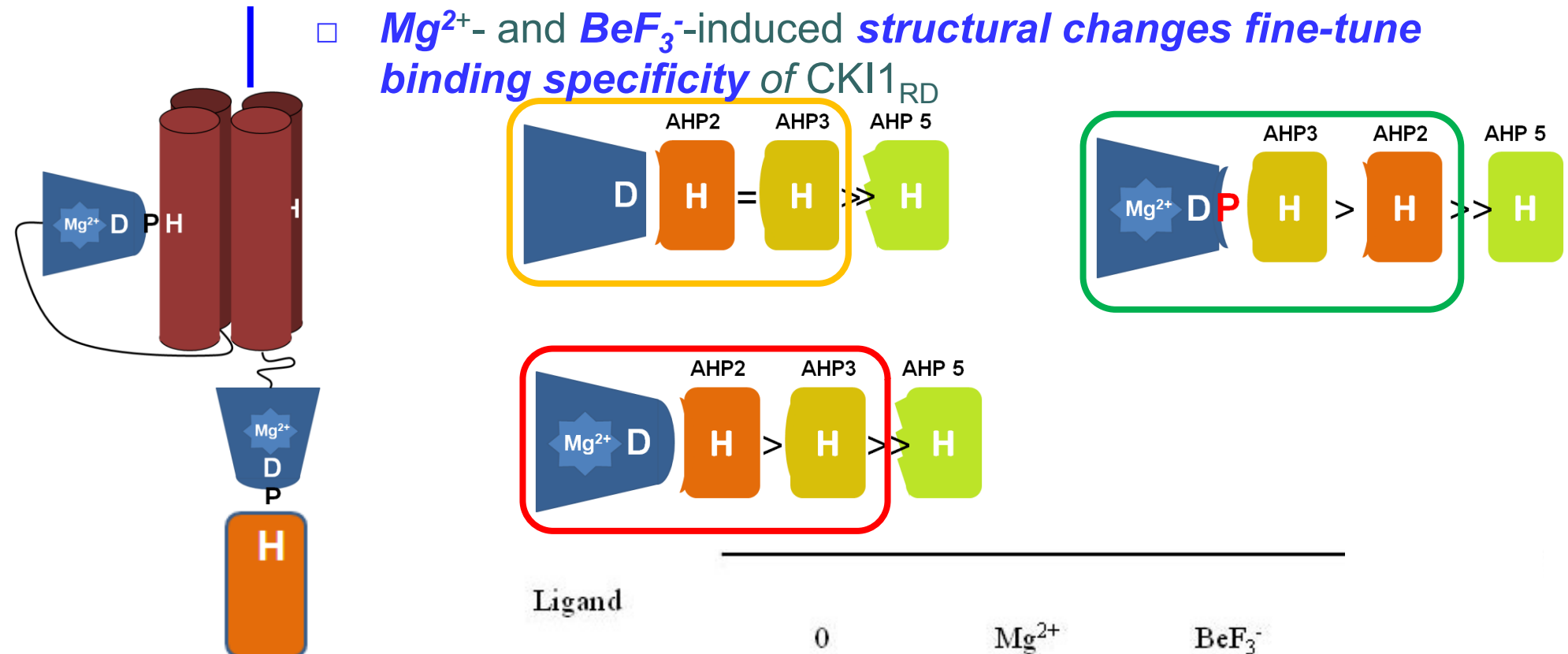
- *Mg<sup>2+</sup> binding* leads to *remodelling of active centre* of CKI1<sub>RD</sub>



Pekárová et al., *Plant Journal* (2011)

# CKI1<sub>RD</sub> structural changes are associated with its binding specificity

- *Mg<sup>2+</sup>*- and *BeF<sub>3</sub><sup>-</sup>*-induced **structural changes fine-tune binding specificity** of CKI1<sub>RD</sub>



Ligand

0

Mg<sup>2+</sup>

BeF<sub>3</sub><sup>-</sup>

AHP2

9.17 ± 0.49

6.2 ± 0.98

11.6 ± 2.0

AHP3

10.5 ± 0.73

12.9 ± 0.72

8.0 ± 0.42

AHP5

108 ± 18

152 ± 26

119 ± 32

Pekárová et al., *Plant Journal* (2011)

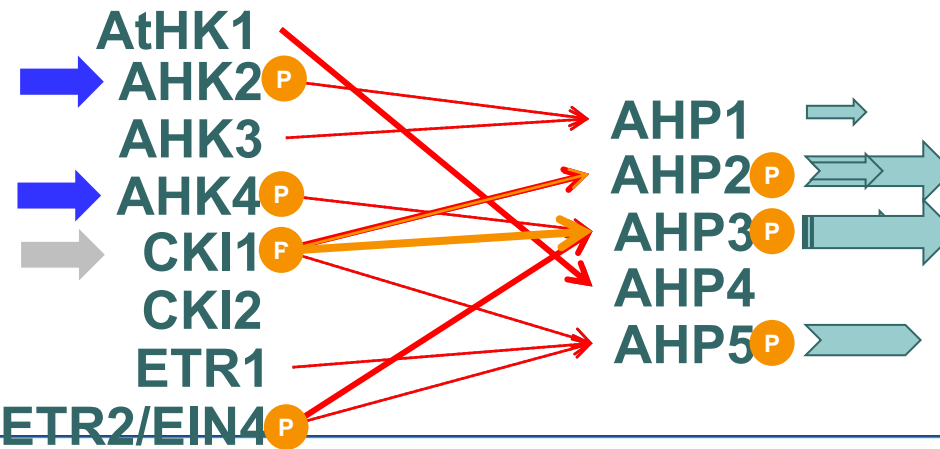
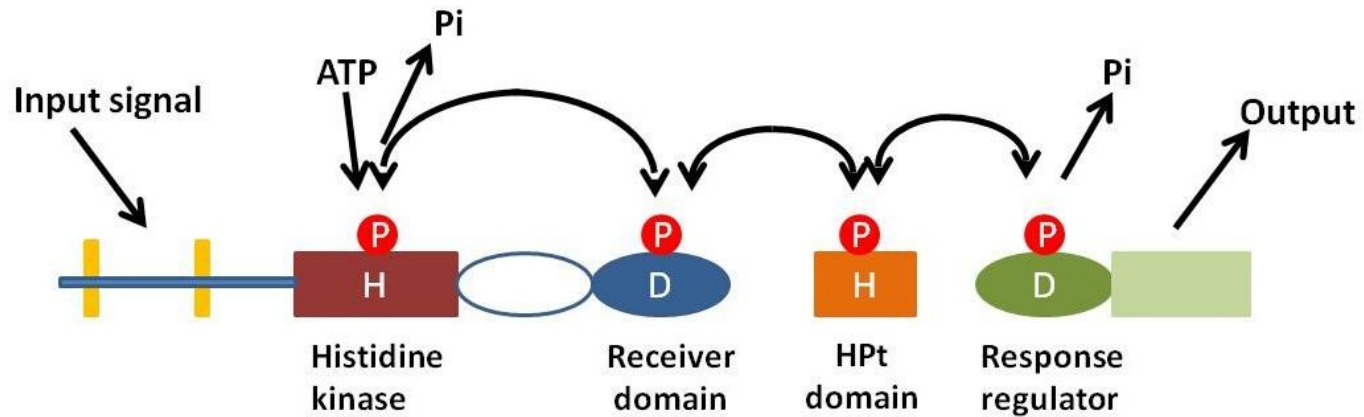


ÁVÁNÍ

ancována  
n fondem  
republiky

# Model Suggestion

- **YES**, there is *signalling specificity of MSP* in plants.



# Shrnutí

- Funkční význam specifických interakcí proteinů v regulaci genové exprese
  - Struktura chromatinu
  - Regulace transkripce
  - Lokalizace mRNA
  - Stabilita proteinů
  - Přenos signálu
- Metody analýzy proteinových interakcí *in vivo*
  - Koimunoprecipitace
  - Tandemová afinitní purifikace (TAP-tag)
  - Kvasinkový dvouhybridní test (Y2H)
  - Bimolekulární fluorescenční komplementace (BiFC)
  - Analýza zprostředkované membránové vazby (MeRA)
- Praktické využití metod pro studium PI *in vivo*

# Diskuse



INVESTICE DO ROZVOJE VZDĚLÁVÁNÍ

Tato prezentace je spolufinancována  
Evropským sociálním fondem  
a státním rozpočtem České republiky