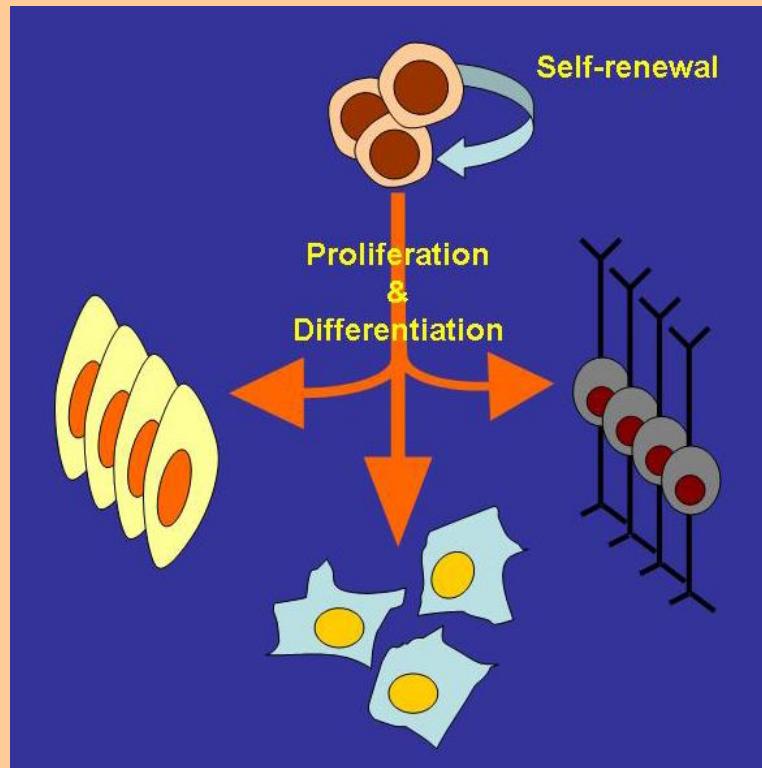


Fyziologie kmenových buněk



Jiří Pacherník

E-mail: jipa@sci.muni.cz

Tel: 532 146 223 / 116

KMENOVÉ BUŇKY

- zdroj buněk dané tkáně / orgánu
- primární buňky pro danou strukturu

Schopnost

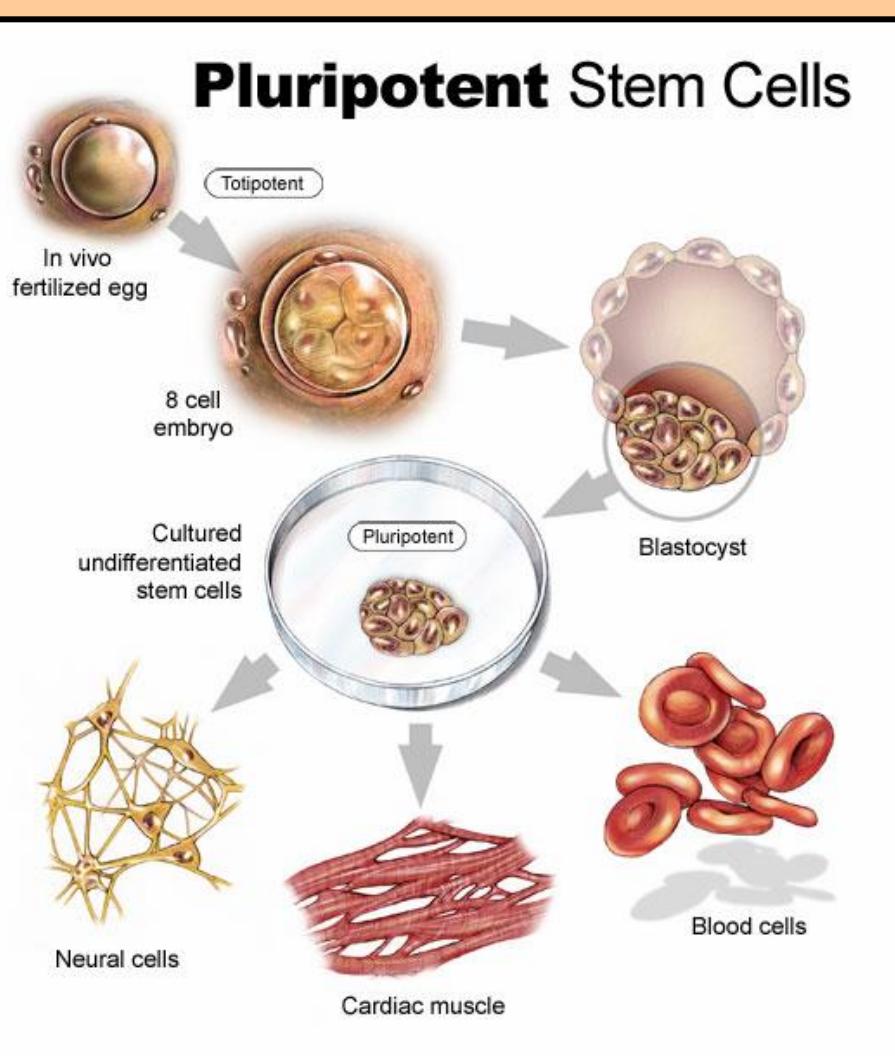
- dávat vznik dalším typům buněk (schopnost diferencovat)
- sebeobnovy (self-renewal)

⇒ kmenovost (stemness)

(U mnohobuněčných organismů absolutně klíčové pro zachování homeostáze na buněčné a tkáňové úrovni)

Diferenciace (rozrůžňování) buněk

- Buňky mění svůj fenotyp v na základě změny exprese svého genotypu v důsledku vnějších signálů.
- Regulace diferenciace je často provázána s proliferací (epigenetické změny v jádře během mitotického cyklu?).



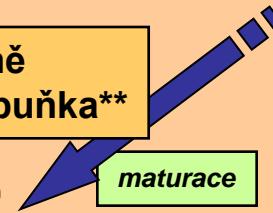
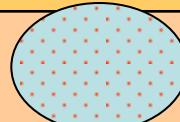
Kmenová buňka
aktuální <-> potencionální



Přechodně/transientně
se dělící buňky (Progenitors)*

* Často proliferují a mají schopnost krátkodobé sebeobnovy.

Terminálně
diferencovaná buňka**



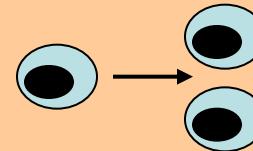
maturace

** Post-mitotické buňky = už se nikdy nedělí.
Ne všechny terminálně diferencované buňky
jsou post-mitotické.

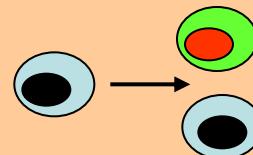
Dělení buněk a jejich sebeobnova

Sebeobnovující dělení (proliferační)

Symetricky – vznikají dvě identické buňky



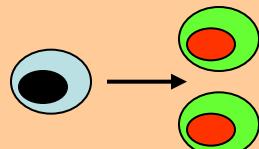
Asymetricky – jedna si zachovává původní fenotyp, druhá je již jiná



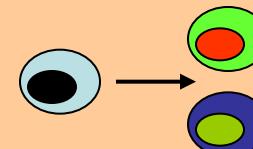
Diferenciační dělení

– obě nově vzniklé buňky mají i nový fenotyp, jsou dalším stupněm v dané diferenciační linii

diferenciační dělením symetrické



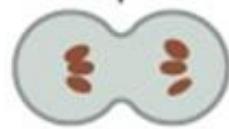
diferenciační dělením asymetrické



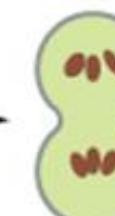
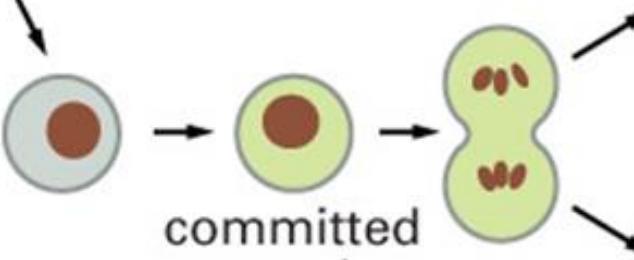
stem cell



self renewal



committed
transit
amplifying cell



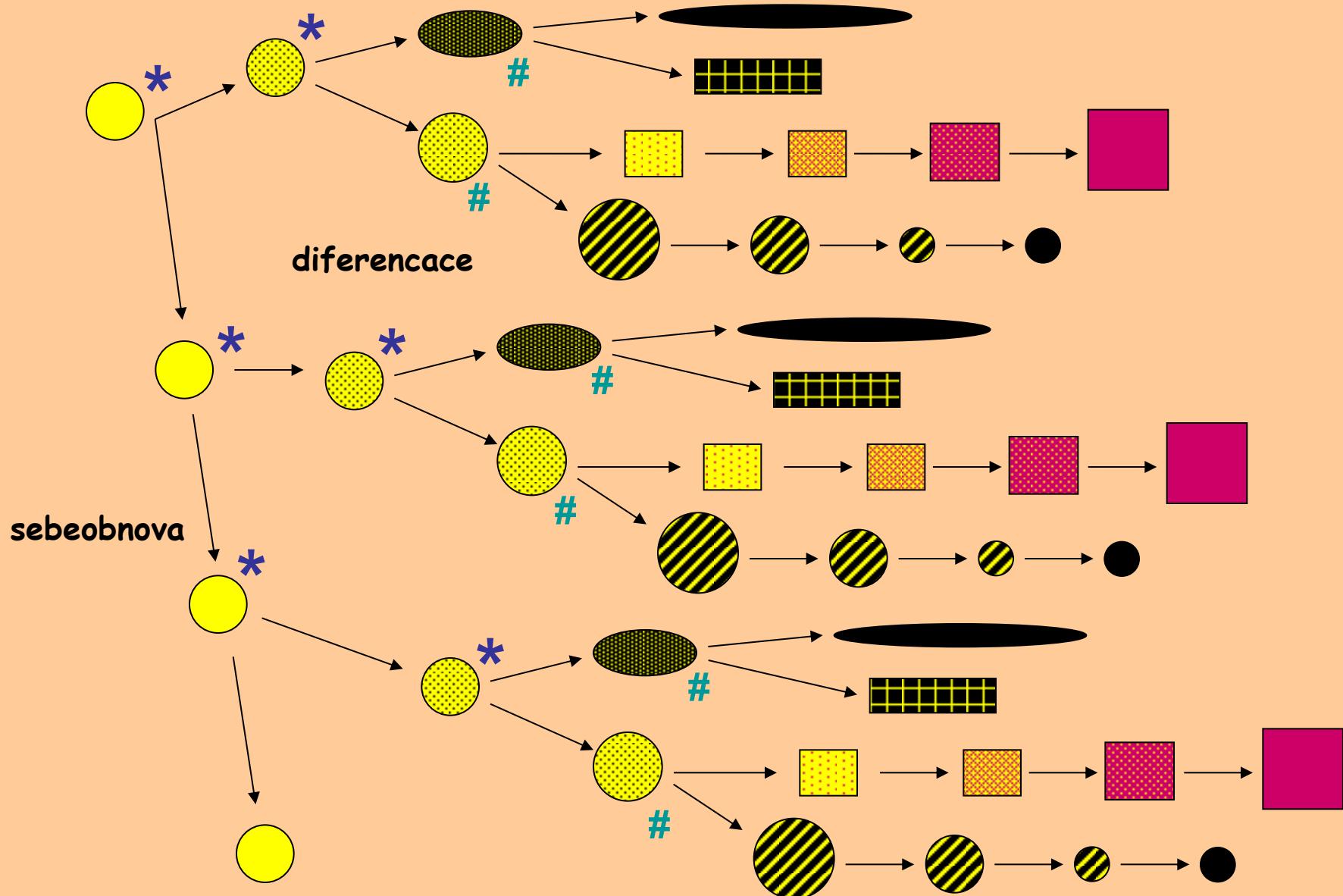
terminally
differentiated
cells



Diferenciace buněk

* sebeobnovující asymetrické dělení

diferenciаční asymetrické dělení



Diferenciace a fenotyp buněk

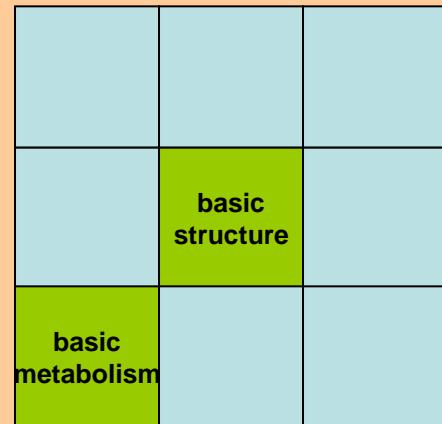
přestavba genomu / chromatinu → exprese jiného paternu genů → jiná morfologie, jiné funkce a potenciál

Determinace – předurčení pro danou diferenciační linii / dráhu

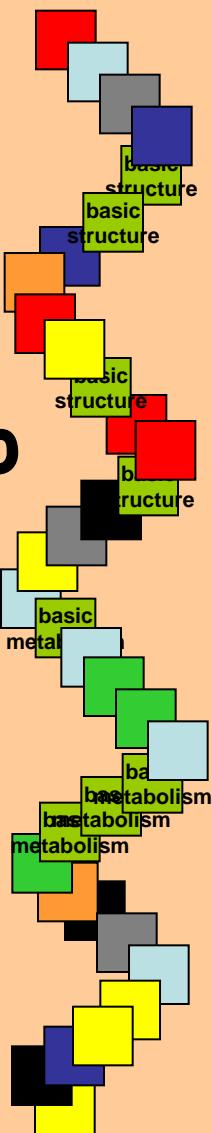
geny a jejich produkty

- „*houskeeping*“ (metabolismus, transkripce / translace, základy cytoskeletu)
- **všeobecně abundantní** (transkripce/translace, cytoskelet, komponenty signálních drah)
- **specifické** (enzymy, specifické transkripční faktory, cytoskelet – komponenty intermediálních filament, s cytoskeletem asociované proteiny)

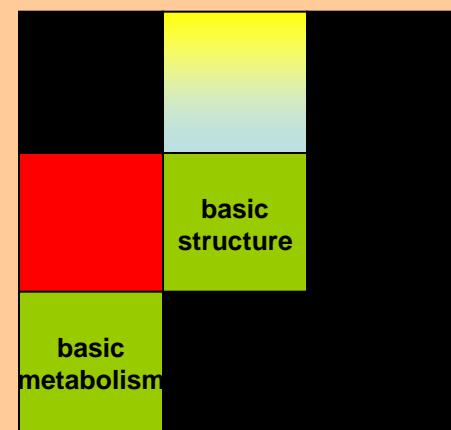
fenotyp



genotyp

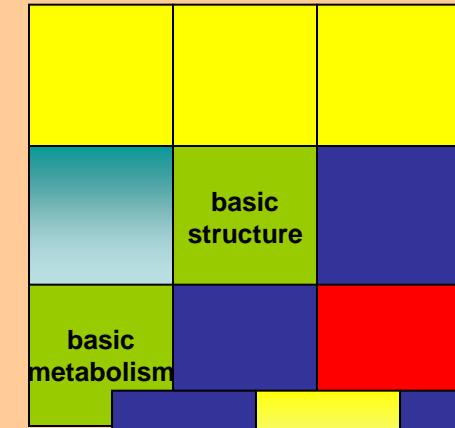
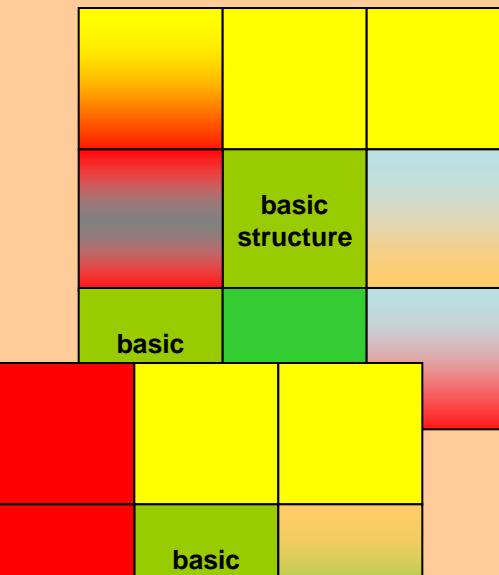
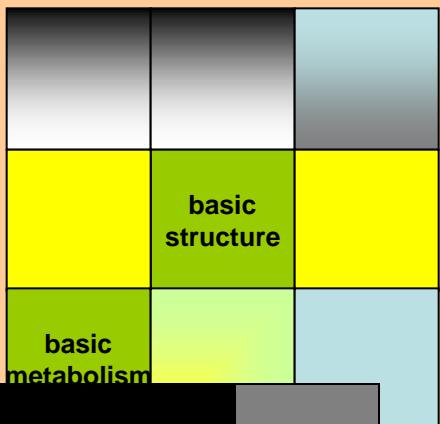
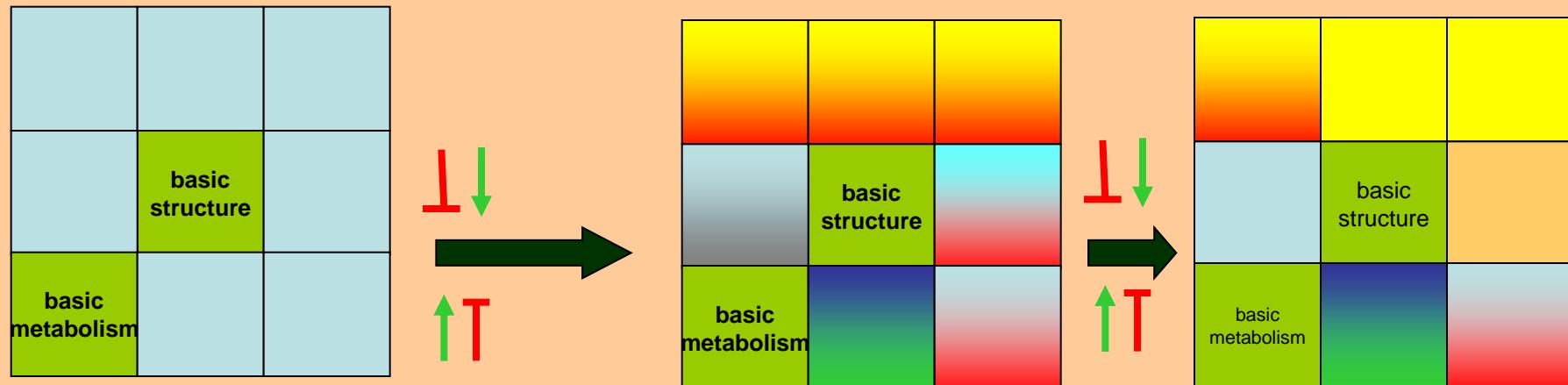


dle skupin genů,
které jsou exprimovány /



nezralá / naivní buňka

specializovaná / differencovaná /
zralá buňka



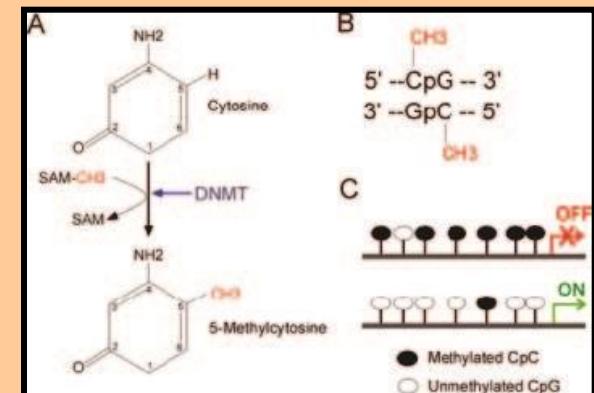
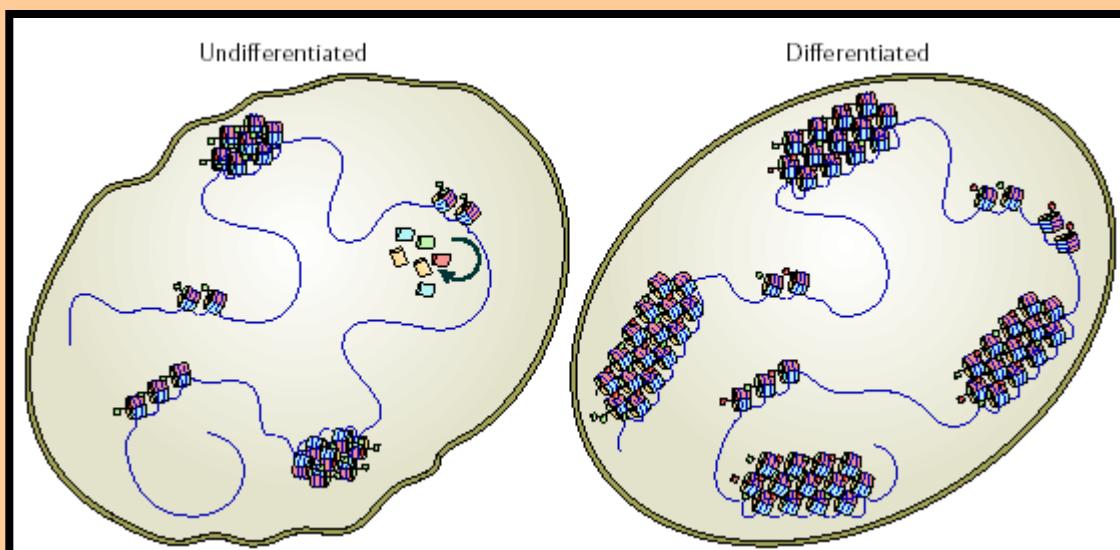
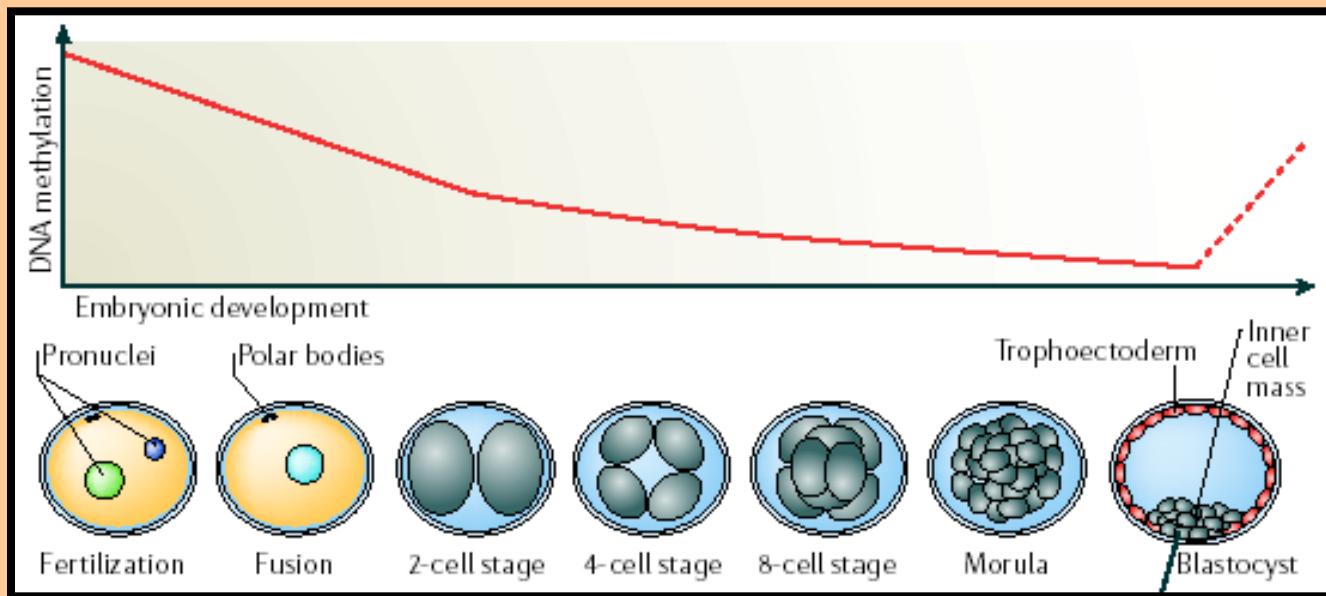
zachování „stop“ po předchozím fenotypu

met

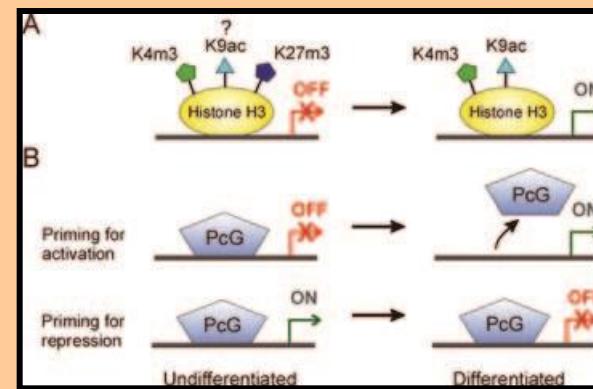
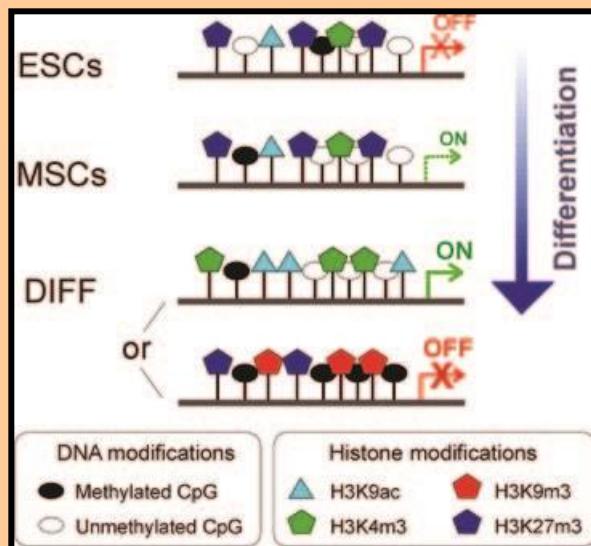
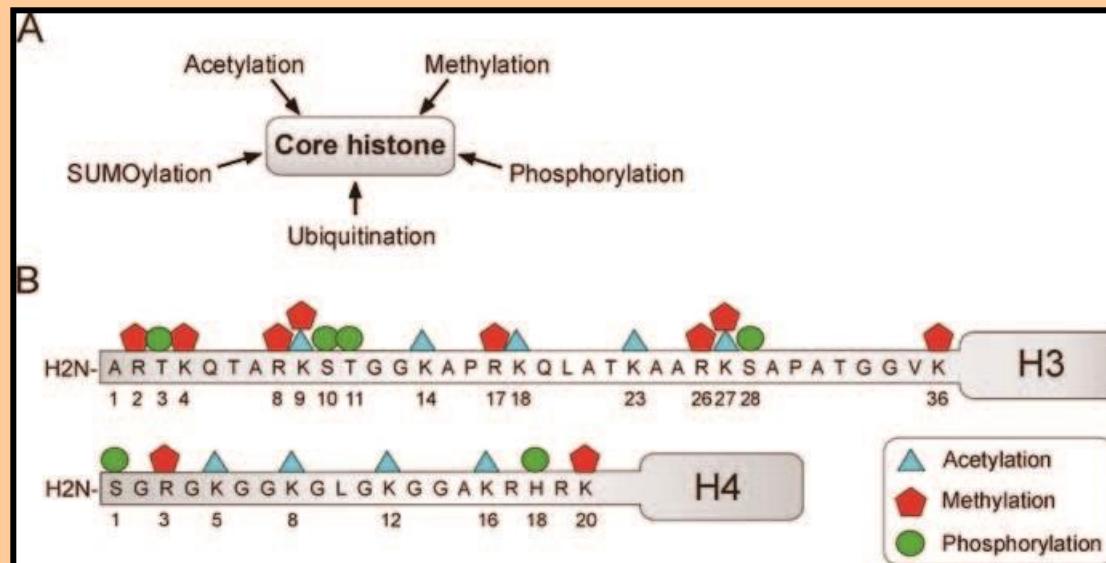
metabolism

Epigenetika

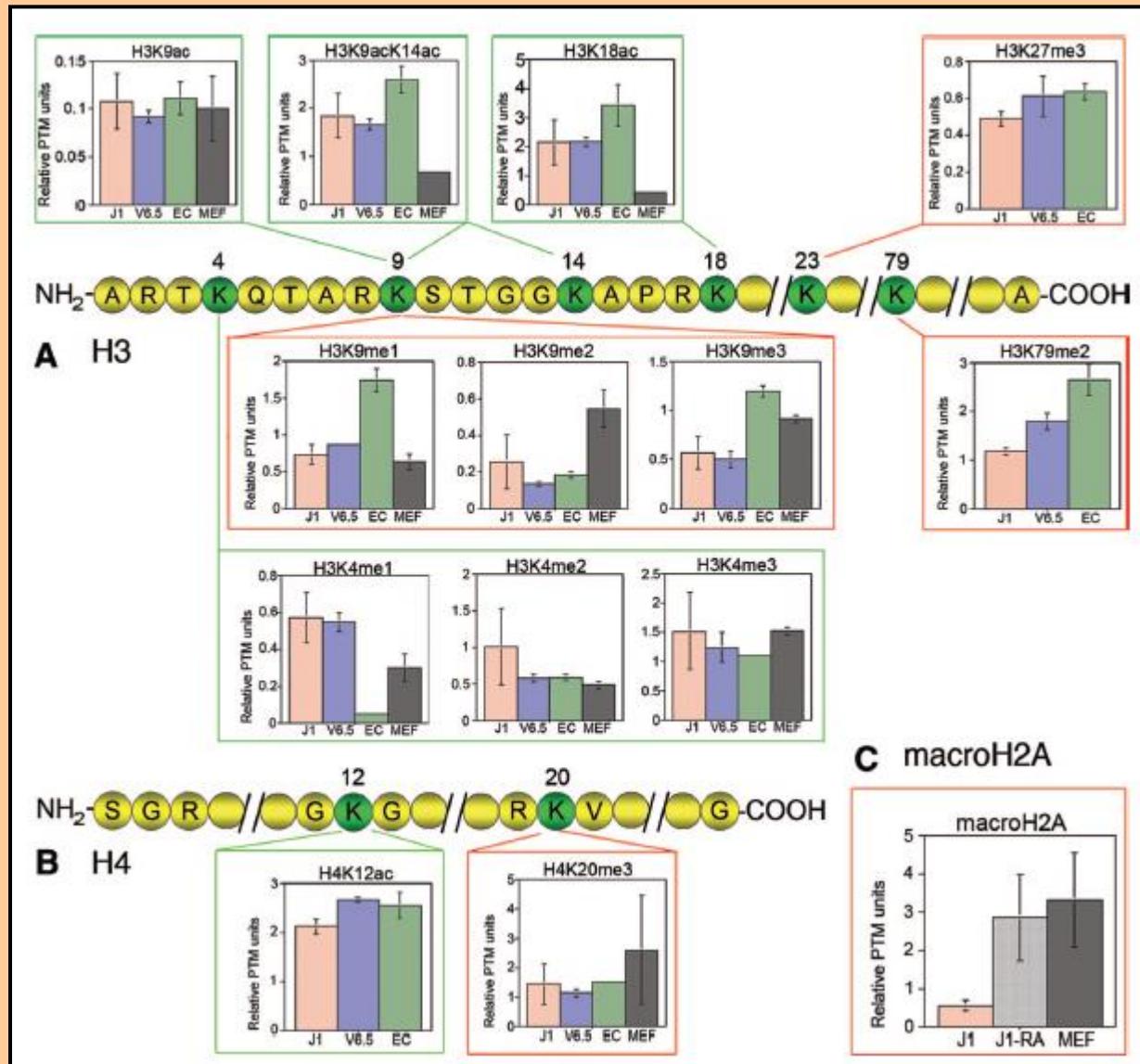
Metylase DNA a kondenzace chromatinu během časného vývoje



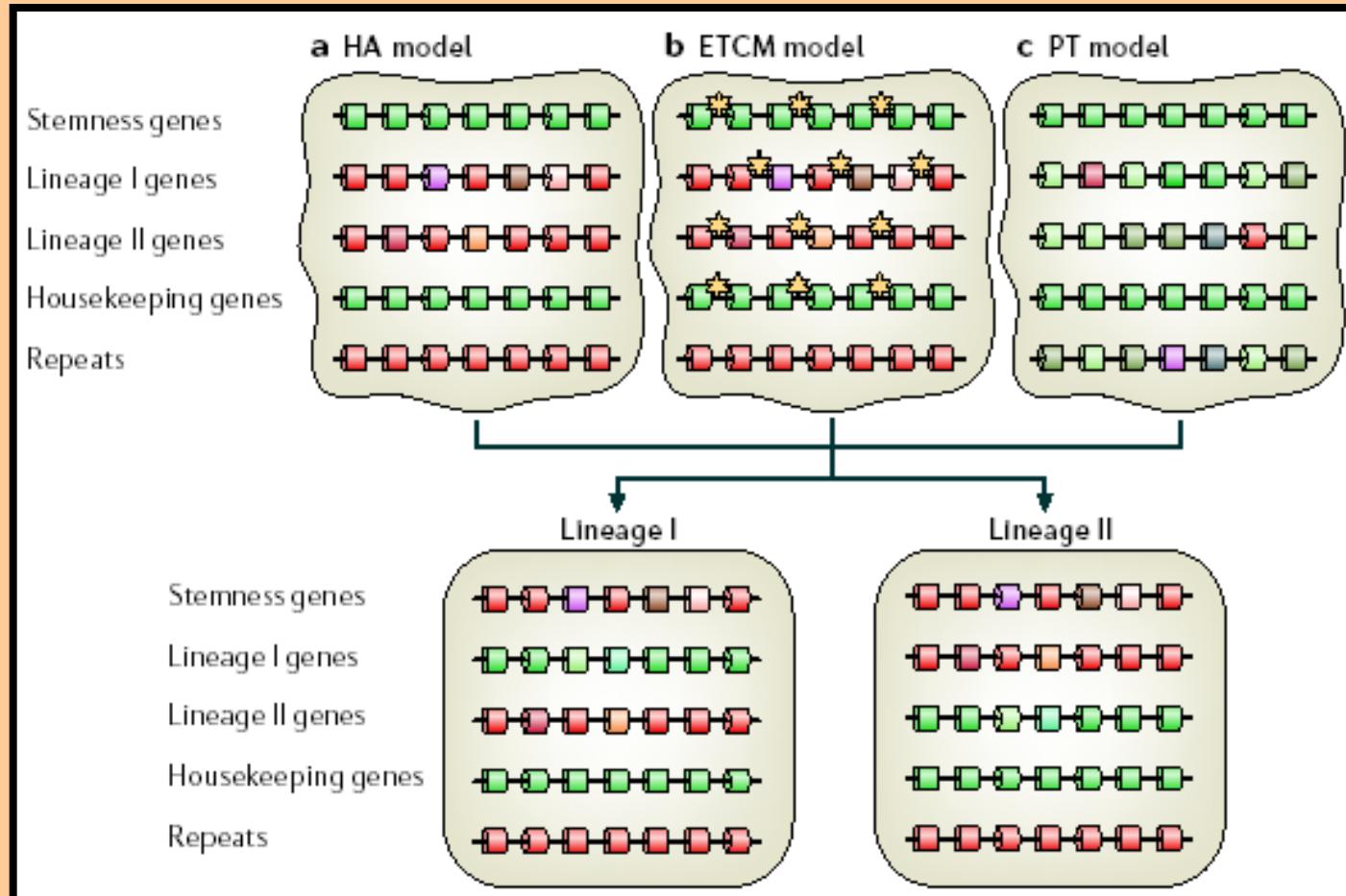
Modifikace histonů – regulace transkripce



Profil postranslačních modifikací (lysinových zbytků) histonů H3 a H4 u ES (J1, V6.5), EC a MEF buněk



Model změn trankripčního profilu v průběhu indukce diferenciace (kmenových) buněk

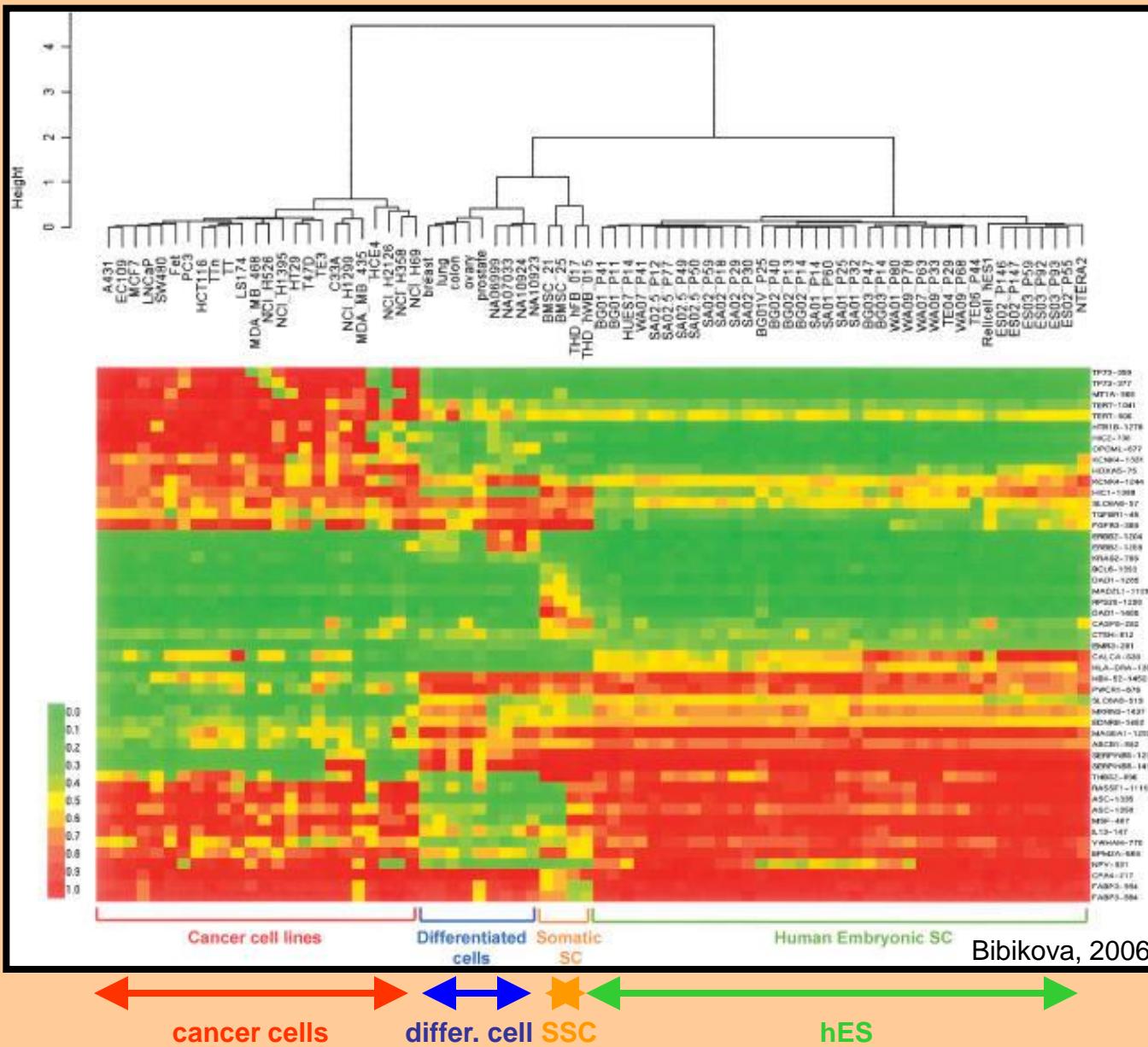


HA – model postupné (hierarchické) aktivace (hierarchical activation) → metylace DNA

ETCM – model povolené/umožněně transkripce (early transcription competence marks)
→ modifikace histonů

PT – model promiskuitní transkripce (promiscuous transcription)
→ kombinace transkripčních faktorů a transdukce signálu

Profil methylace DNA u různých typů buněk (40 genů, 49 CpG míst)



Polycomb group (PcG) x Trithorax group (trxG) proteins

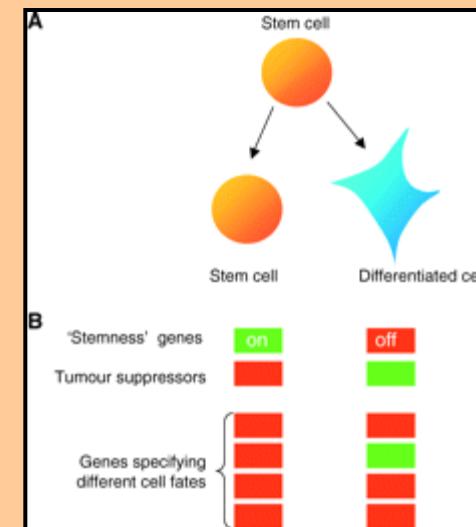
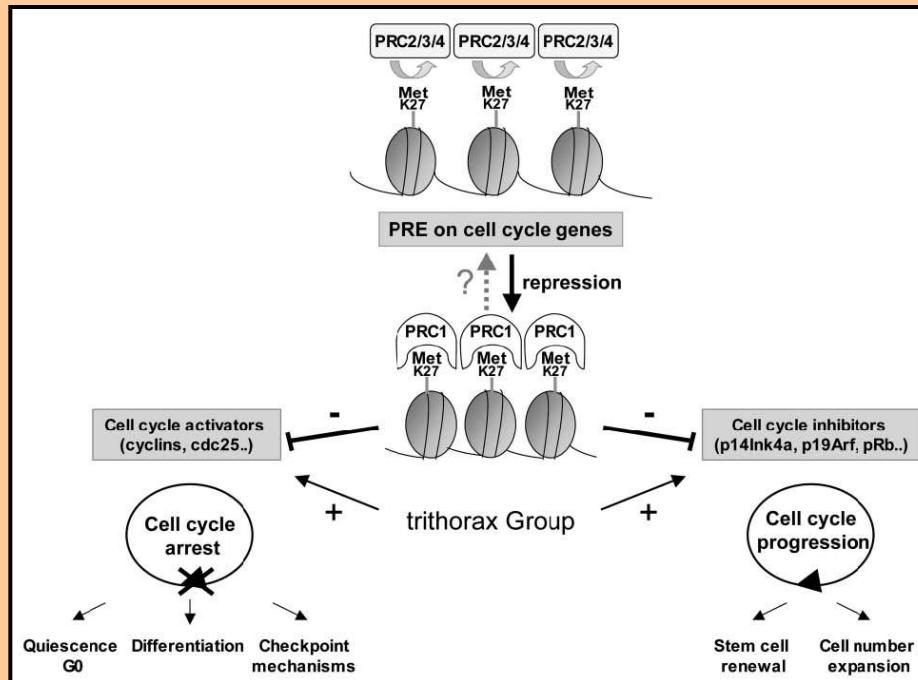
PcG jsou odpovědné za inaktivaci transkripce cílových oblastí
trxG jsou odpovědné za aktivaci transkripce cílových oblastí

- obecně patří mezi skupinu proteinů modifikujících chromatin
- regulují zejména transkripci homeotických genů – význam v ontogenezi
- jsou odpovědné za epigenetickou pamět genomu
- rozpoznávají specifické a vzájemně málo homologní skvence DNA

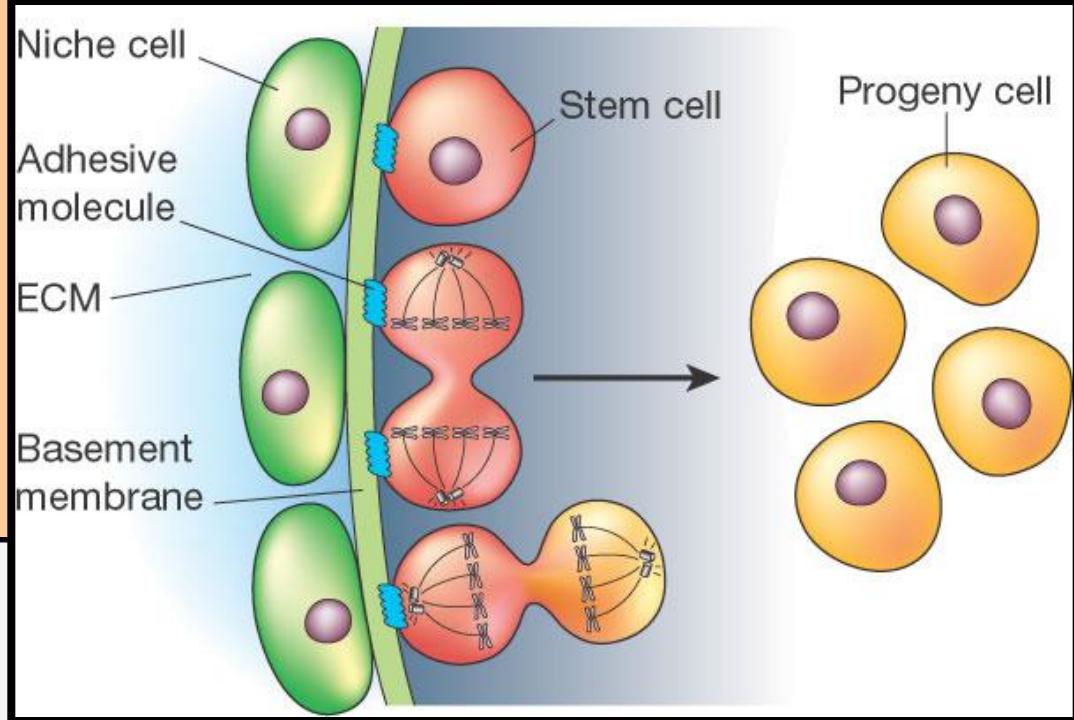
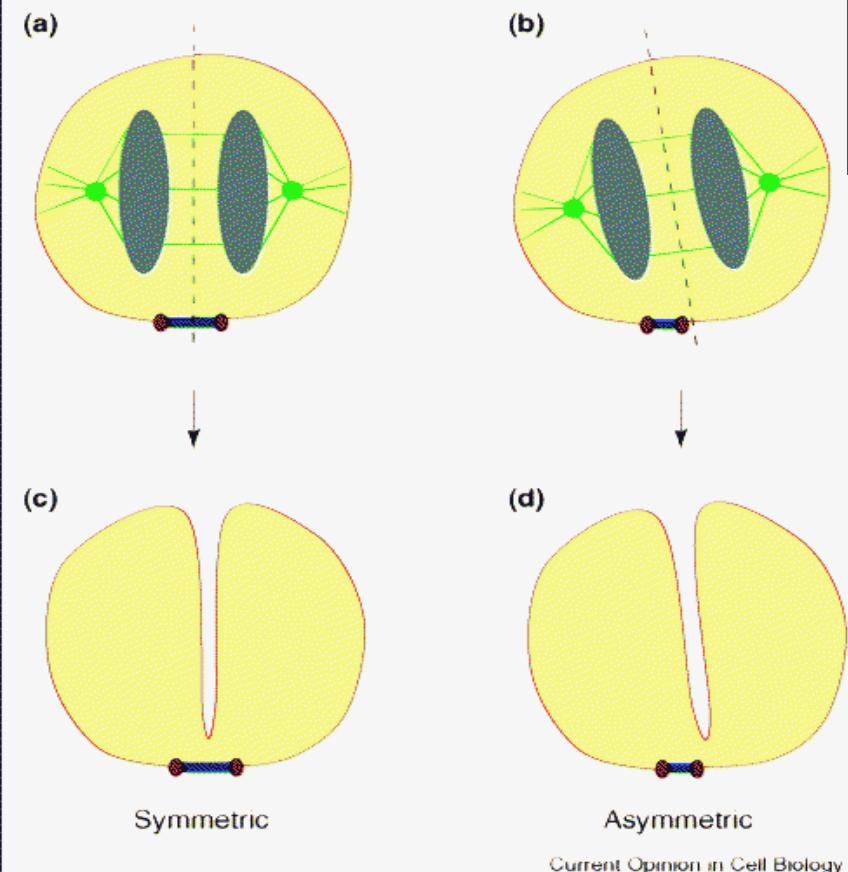
PRE – PcG responsive element

TRE – trxG response element

- jedná se o proteinové komplexy se základní jednotnou strukturou (PcG 4 základní skupiny komplexů), specifita těchto komplexů k daným PRE/TRE je dána dalšími asociaujícími specifickými podjednotkami



SYMETRIE DĚLENÍ BUNĚK

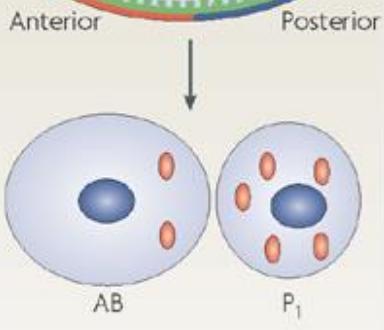
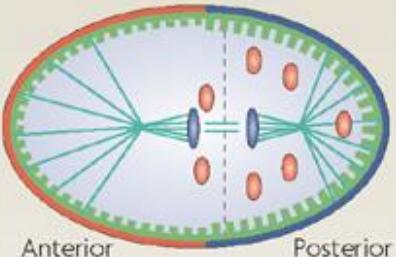


O symetrii dělení rozhoduje

- orientace dělícího aparátu (vřeténka)
- polarizace buněk v tkáni
 - gradienty v buňce a jejím okolí
- ...

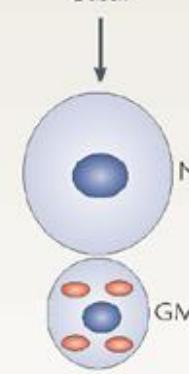
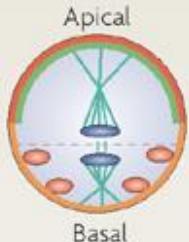
=> souvislost s niche

a *C. elegans*
(one-cell stage)



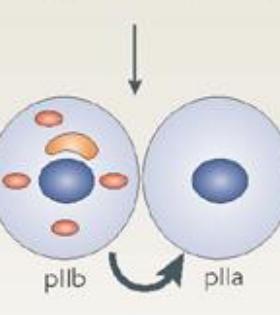
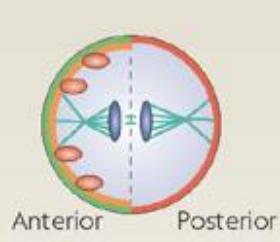
- PAR-3/PAR-6/PKC-3
- PAR-2, PAR-1
- LIN-5/G_α
- GPR-1/2
- PIE-1
- Microtubules
- DNA

b *D. melanogaster*
(neuroblast)



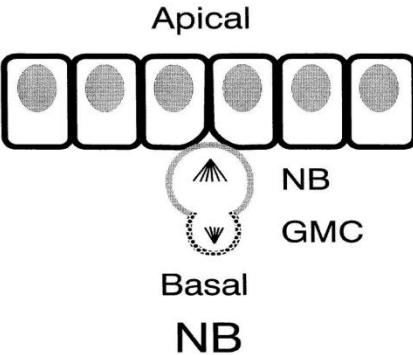
- PAR3/PAR6/aPKC
- Mud/Pins-Loco/G_{αi}
- Pon
- Brat, Numb, Prospero
- Recycling endosome
- Microtubules
- DNA

c *D. melanogaster*
(SOP)

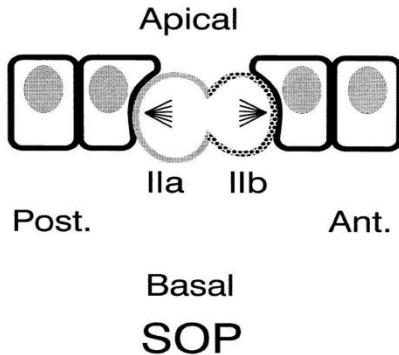


- PAR3/PAR6/aPKC
- Mud/Pins-Loco/G_{αi}
- Pon
- Numb, Neuralized
- Recycling endosome
- Microtubules
- DNA

Apical Basal Polarity



Planar Polarity



Příklady mechanismů regulujících symetrii buněčného dělení na modelových orgaismech

NB – neuroblast

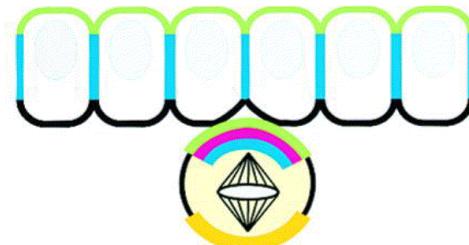
SOP – sensory organ progenitor

(Jan & Jan 2000; Robert Andrews & Julie Ahringer 2007)



Polarized epithelium

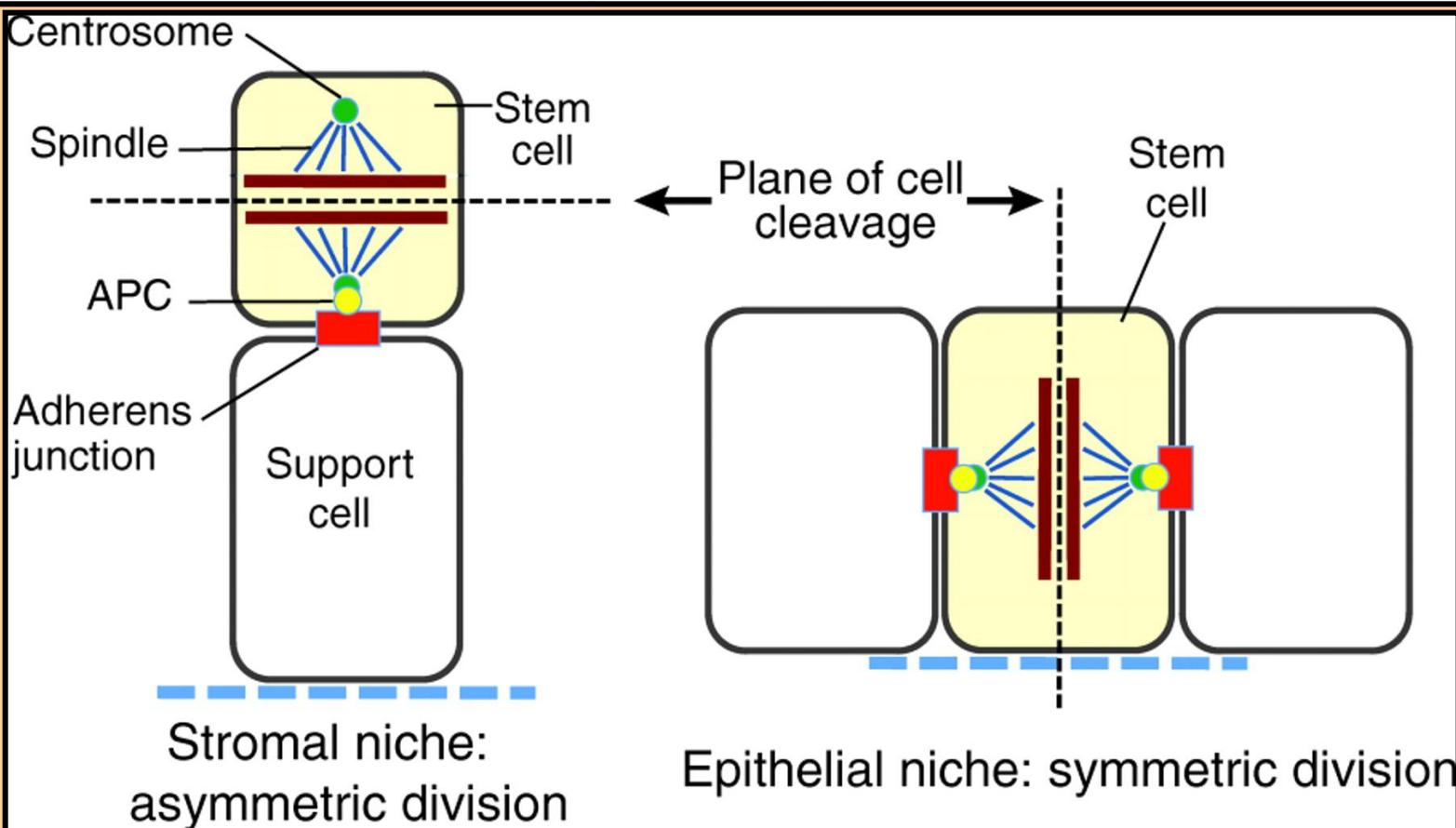
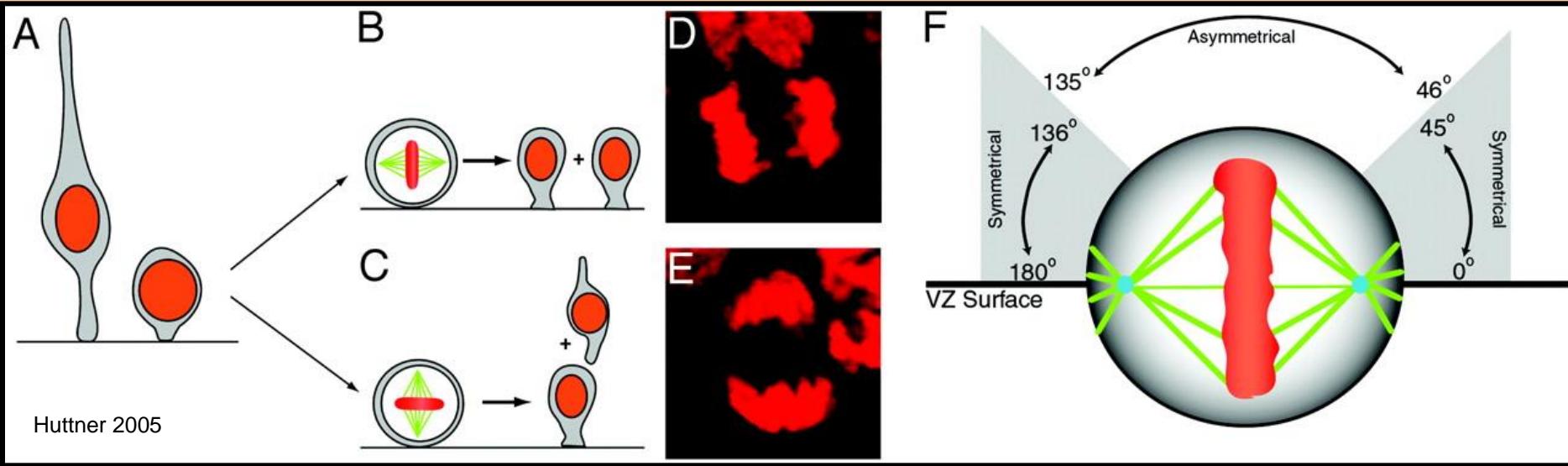
Delaminating neuroblast



Metaphase neuroblast

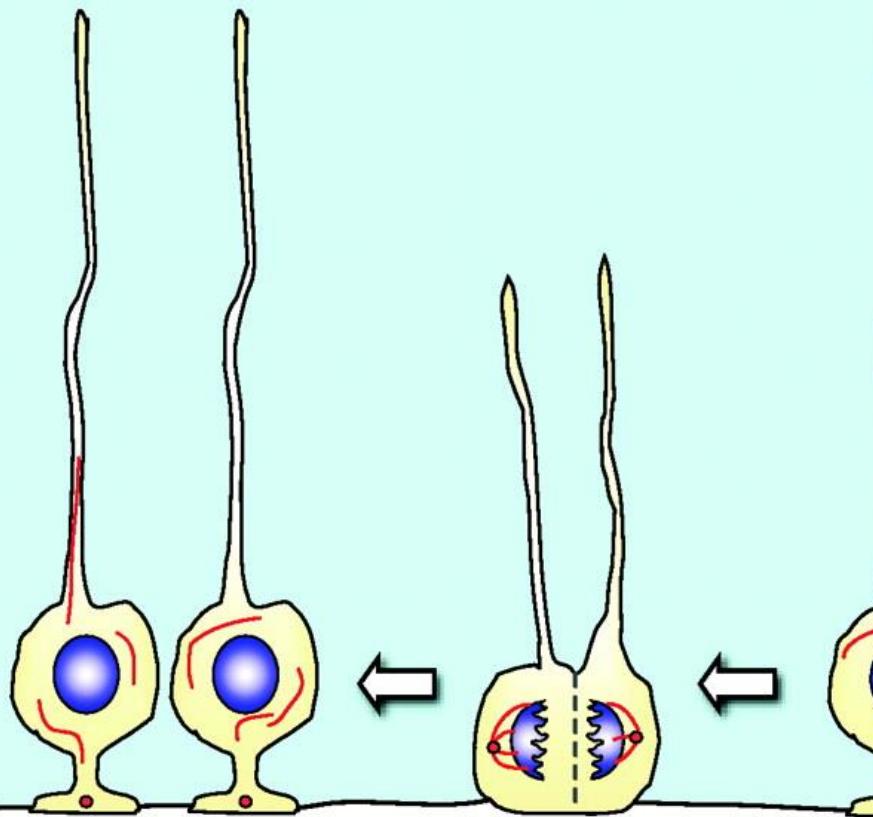
- Bazooka
- Inscuteable

- Pins
- Numb/Prospero



Symetrické a asymetrické dělení buněk v centrálním nervovém systému savců

Symmetric cell division



Centrosome

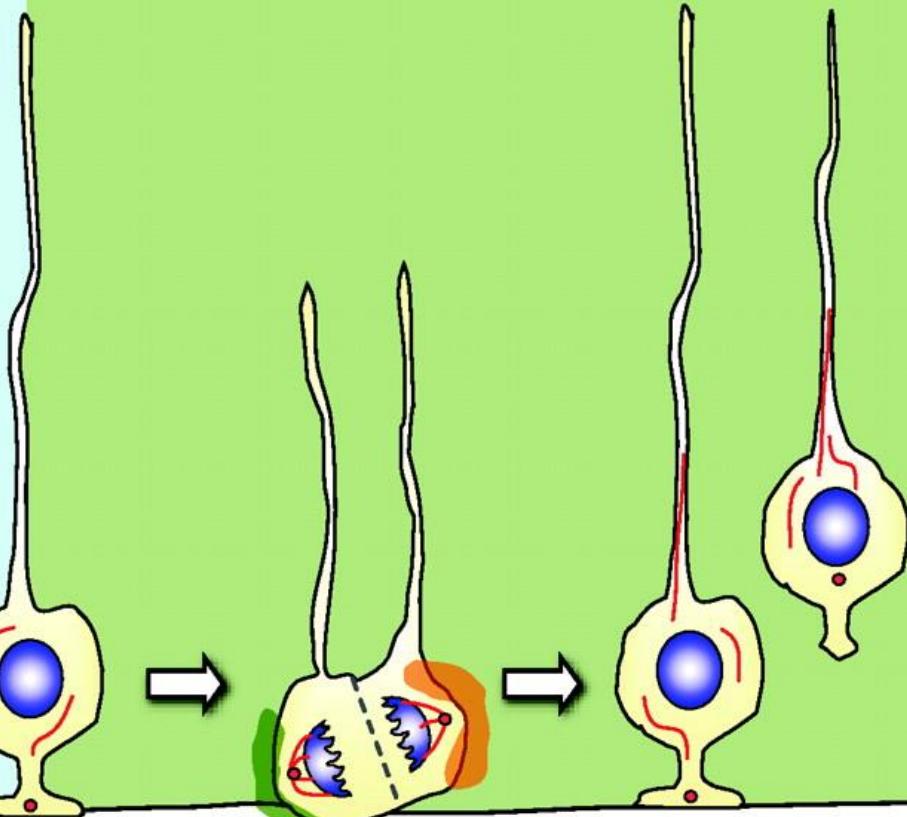
Short G1-phase

Aspm
Cdk5Rap2
Cdk19?

Cdk4

Cdk5

Asymmetric cell division



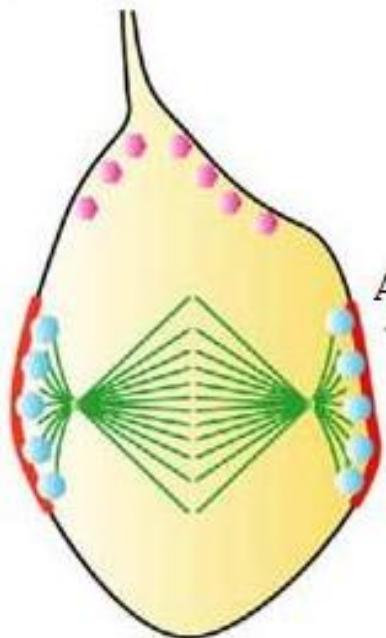
Polarity markers

Apical membrane

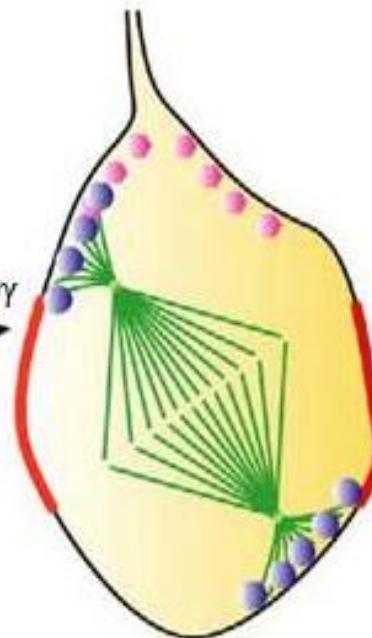
Cdk1
AurA
Plk1
INCENP-AurB?

Úloha (trimerických) G-proteinů v regulaci polohy dělícího vřeténka

Náhodná orientace mitotického vřeténka

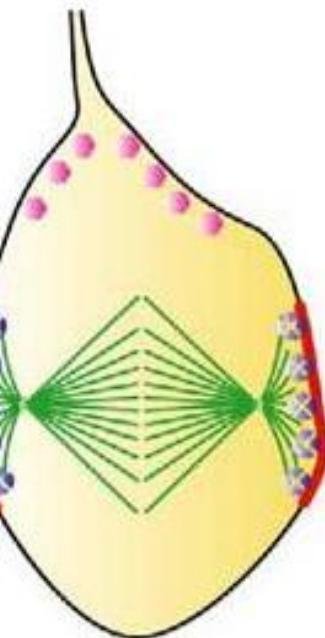


Aktivace G $\beta\gamma$



Symetricky dělící se buňka

Horizontální orientace vřeténka u buněk s inhibovanými G $\beta\gamma$



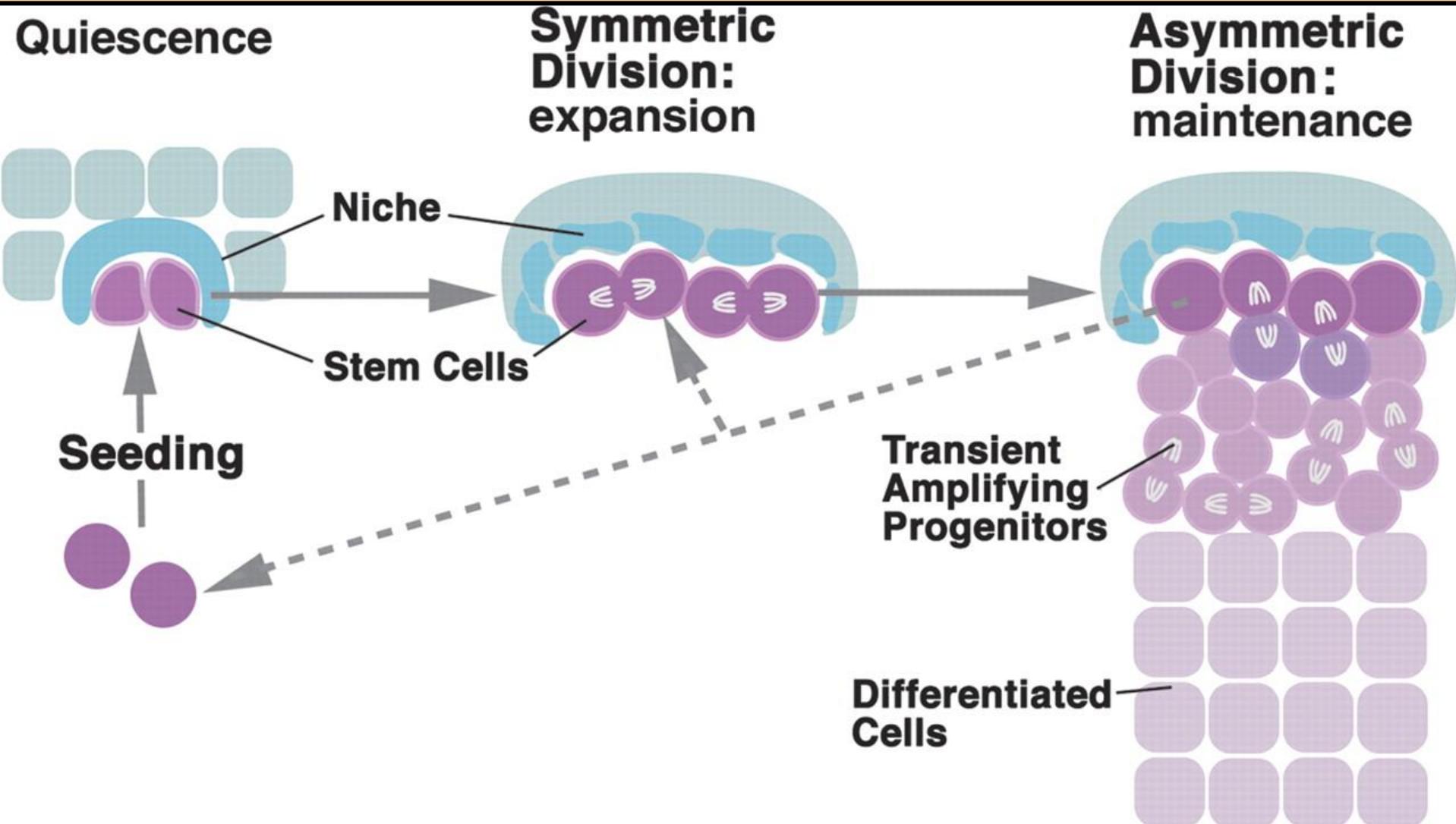
Blokování G $\beta\gamma$

Asymetricky dělící se buňka

- Podnět laterální polarity
- Proteiny určující neurální osud buňky
- G $\beta\gamma$ v komplexu s G α
- Volný G $\beta\gamma$
- Inaktivovaný volný G $\beta\gamma$

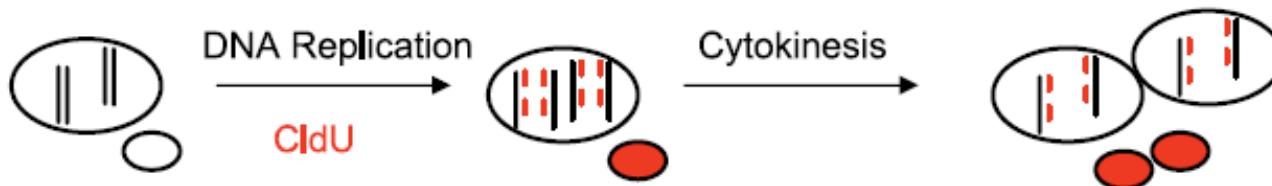
Symetricky dělící se buňka

Souhrn asymetrické x symetrické dělení v niche kmenových buněk

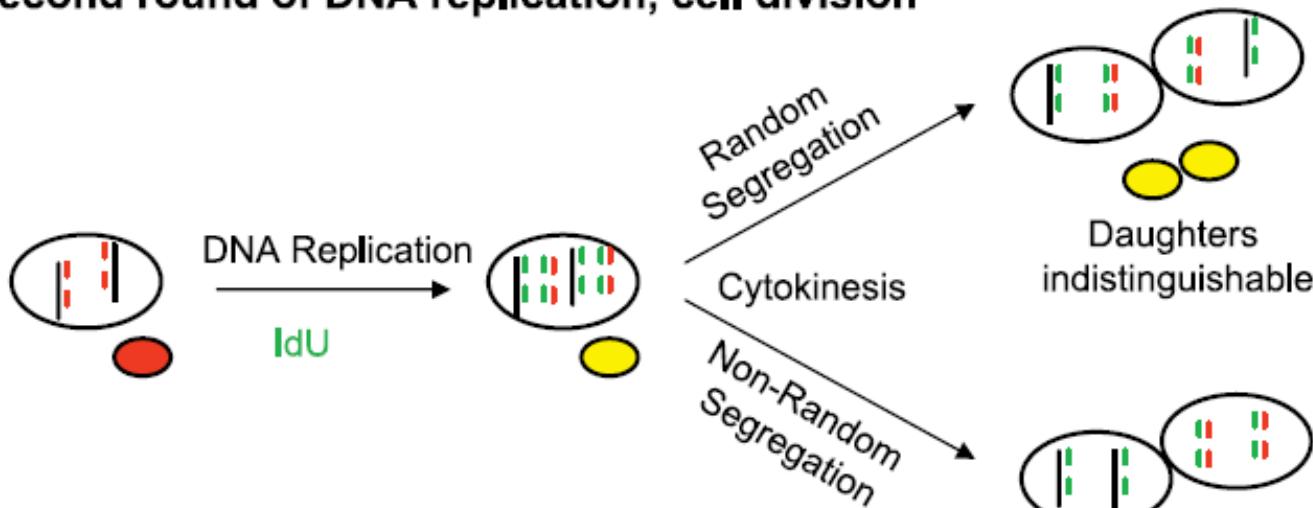


Dělení genomu u progenitorů/kmenových buněk při asymetrickém dělení

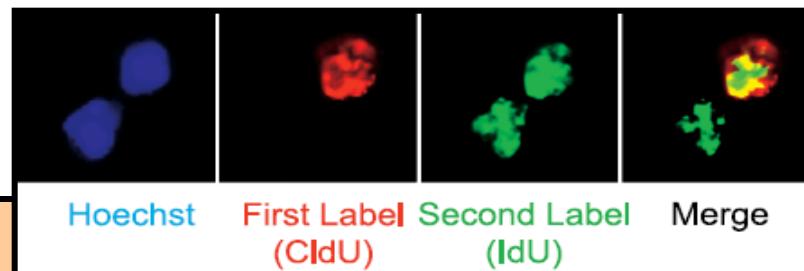
First round of DNA replication, cell division



Second round of DNA replication, cell division



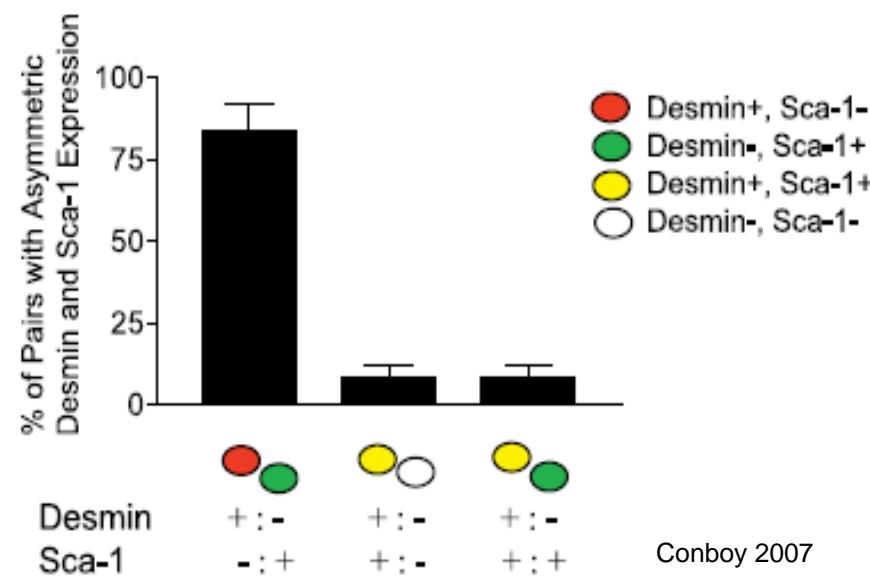
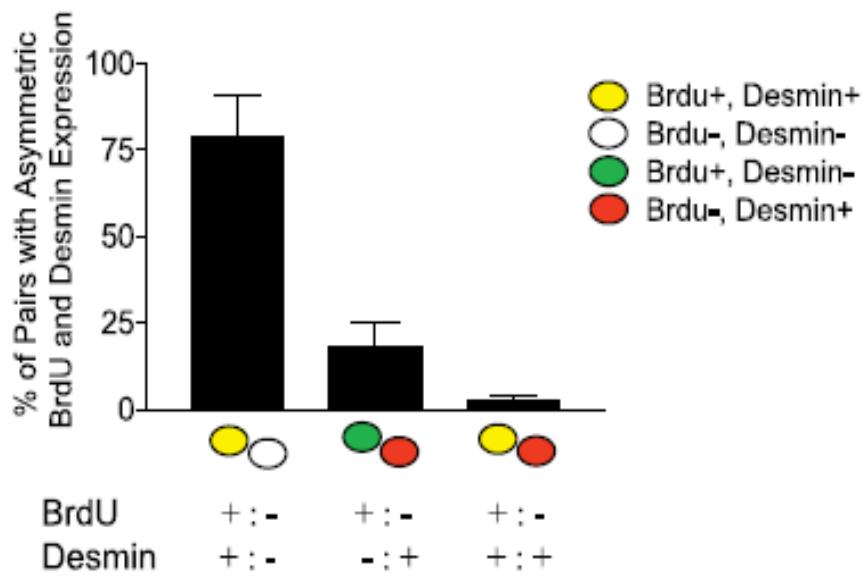
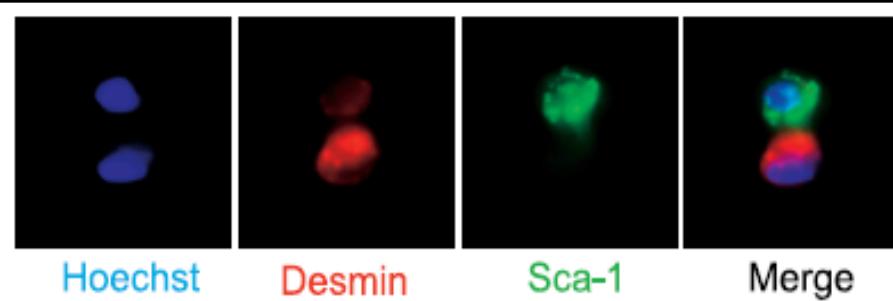
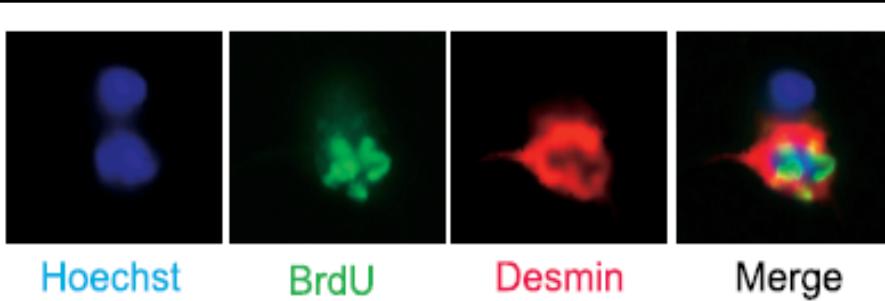
Conboy 2007



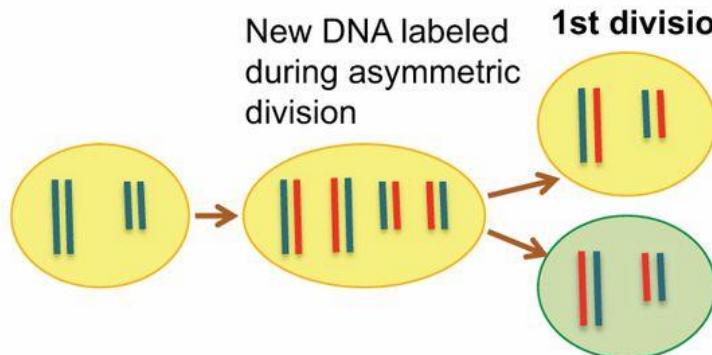
Četnost asymetricky a symetricky dělících se kmenových buněk kosterní svaloviny *in vitro* - potvrzení výše uvedené hypotézy

Sca-1 – znak kmenové buňky kosterní svaloviny

Desmin – protein charakterizující myoblast (časný progenitor svalové buňky)



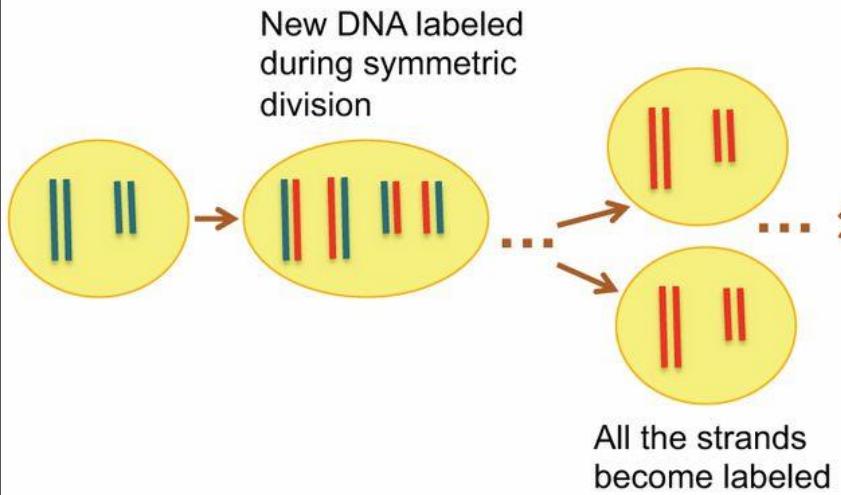
Conboy 2007

A

DNA replication
in label-free
medium

Non-random
segregation

Random
segregation

1st division**B**

Label-free chase for
many cell cycles

Non-random
segregation

Random
segregation

All the strands
become labeled

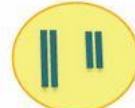
Key

Unlabeled
chromosome

Labeled
chromosome



Differentiated
cell



Stem
cell

REGULACE KMENOVÝCH BUNĚK

Existence kmenových buněk je regulována

- a) vnitřními (intrinsic) faktory (vývojově specifické transkripční faktory a specifické kombinace drah transdukce signálů)
- b) vnějšími (extrinsic) faktory (v niche)

Kmenové buňky mohou existovat jen v příslušném „NICHE“

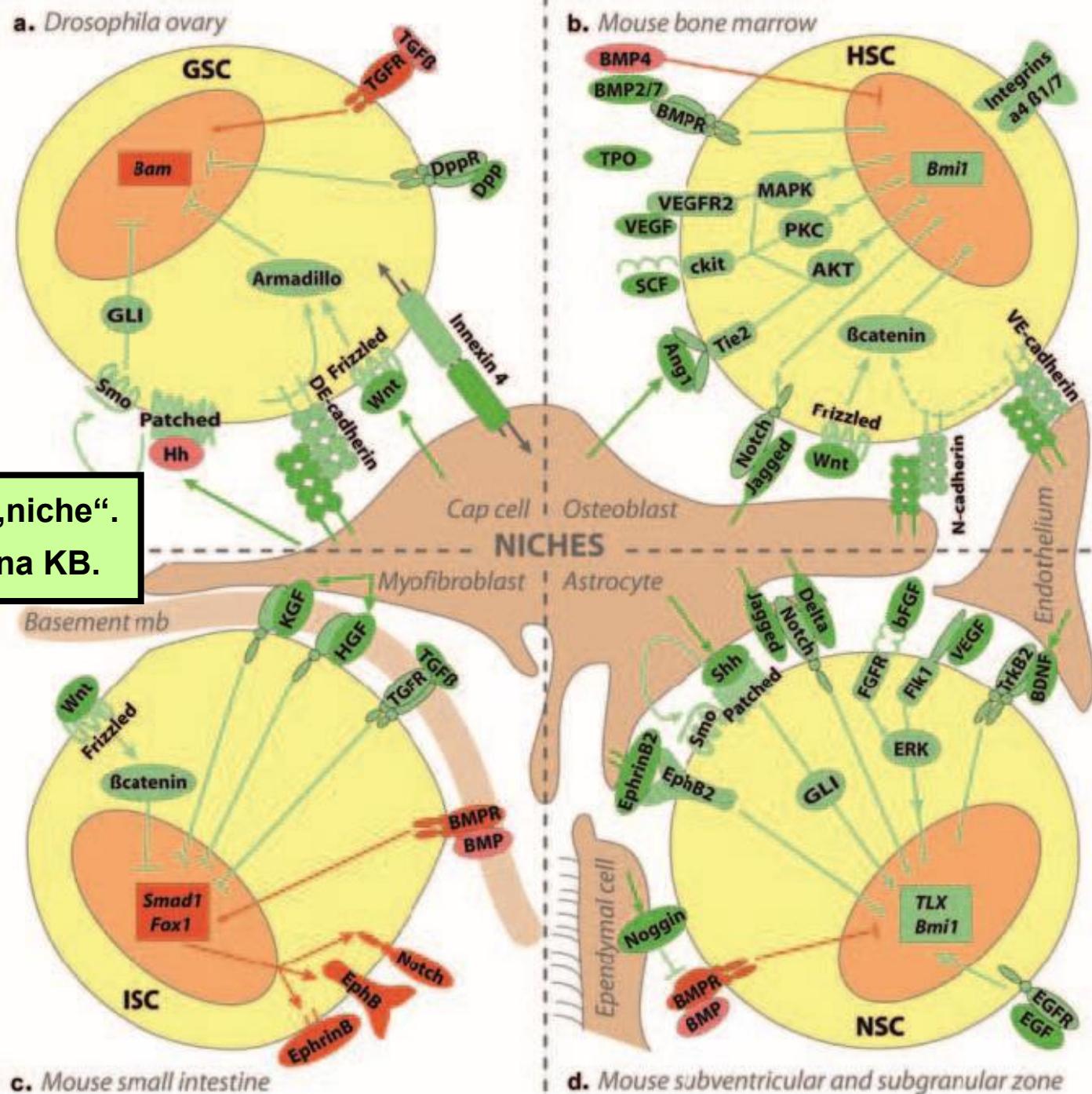
Co v NICHE najdeme?

růstové faktory, proteiny extracelulární matrix, povrchy buněk / buněčný kontakt, hypoxie, nedostatek živin?

Podobně jako se zdají být somatické SCs tkáňově/orgánově specifické, jsou specifické i jejich „niche“.

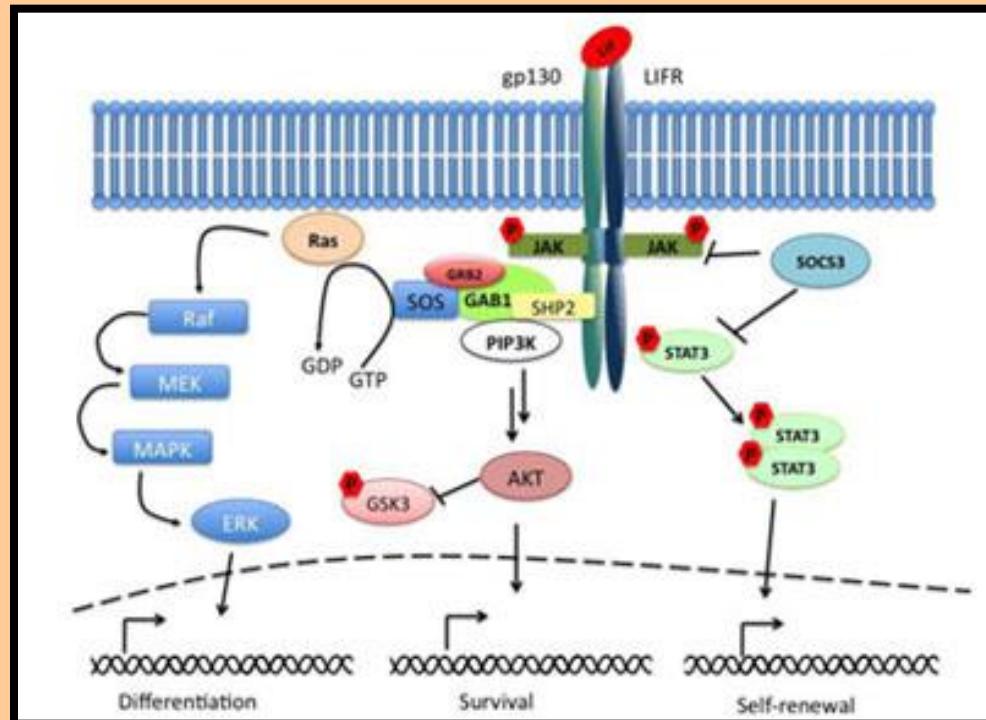
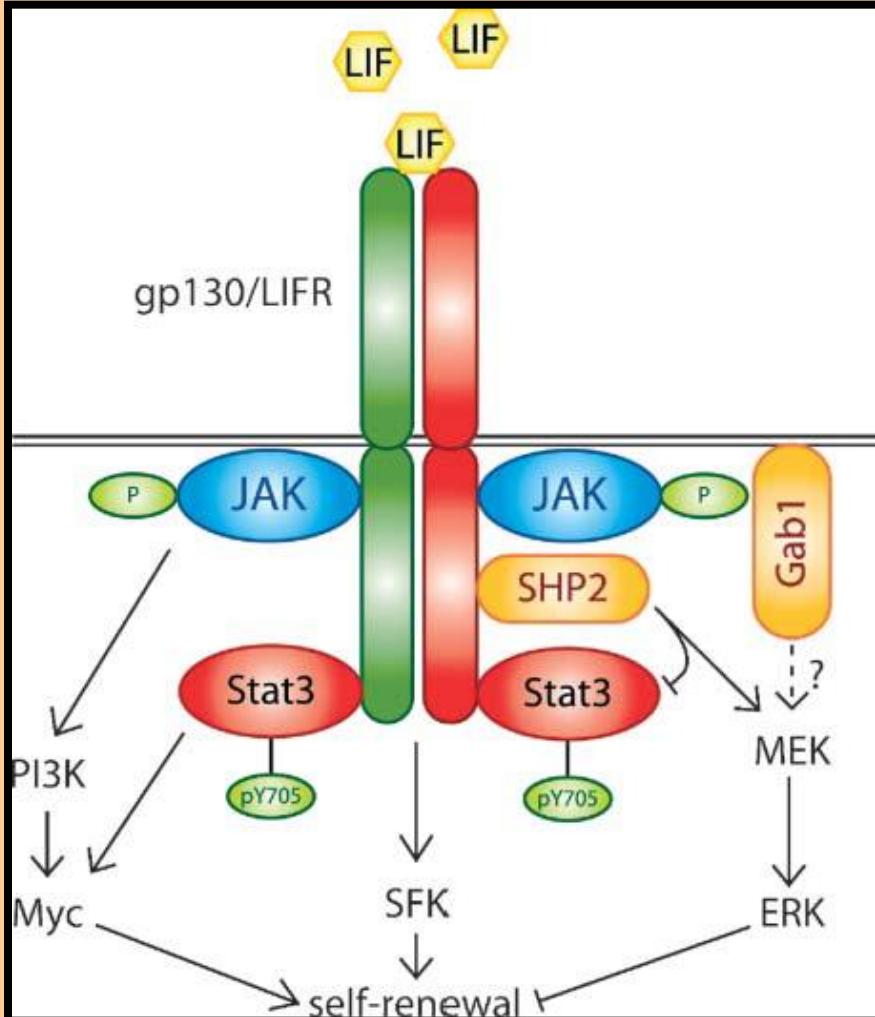
NICHE

KB nemohou být bez „niche“. „Niche“ KB je závislé na KB.



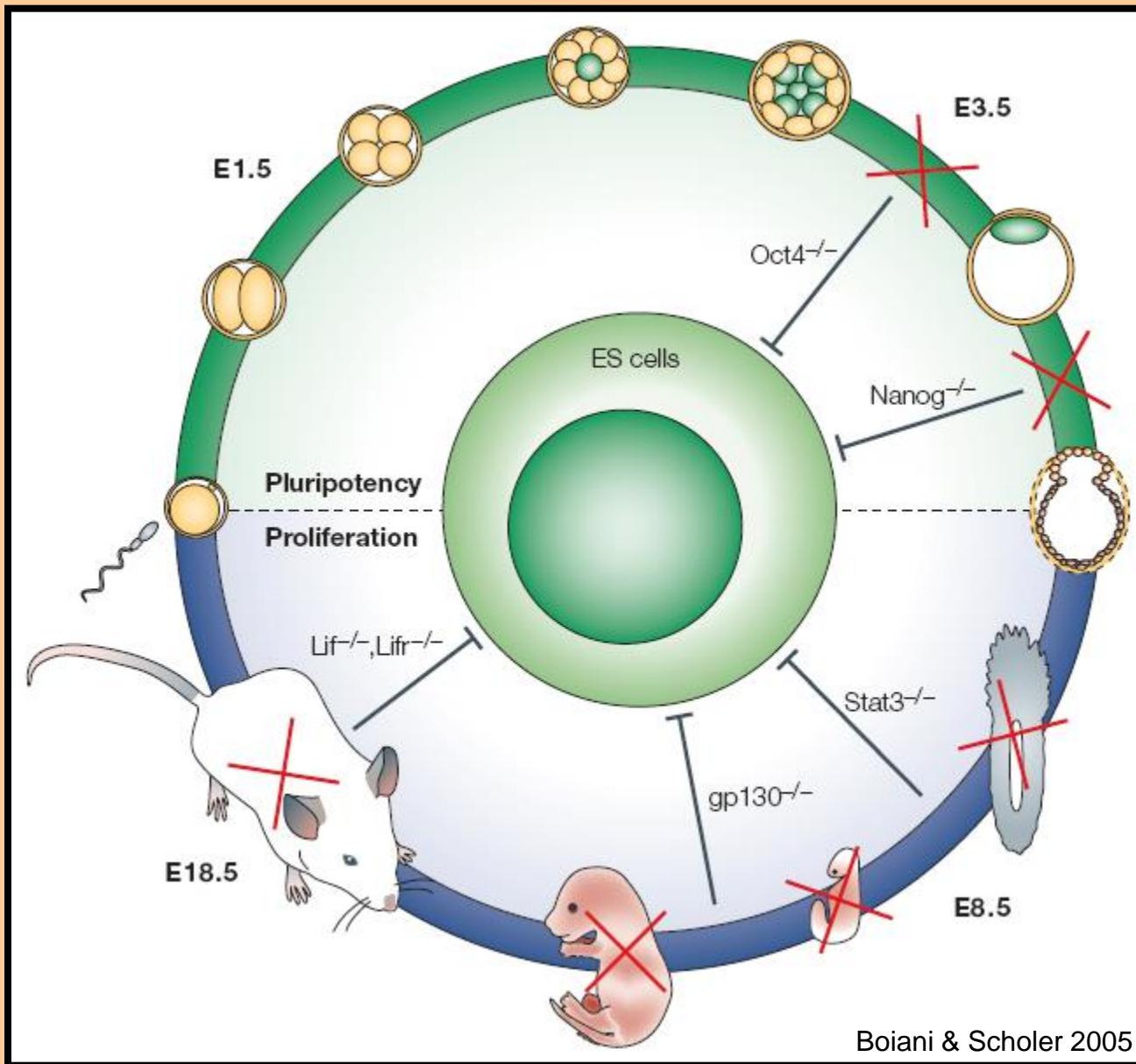
Vybrané signální dráhy

Signální dráha LIF (leukemii inhibující faktor) -> gp130 signalling

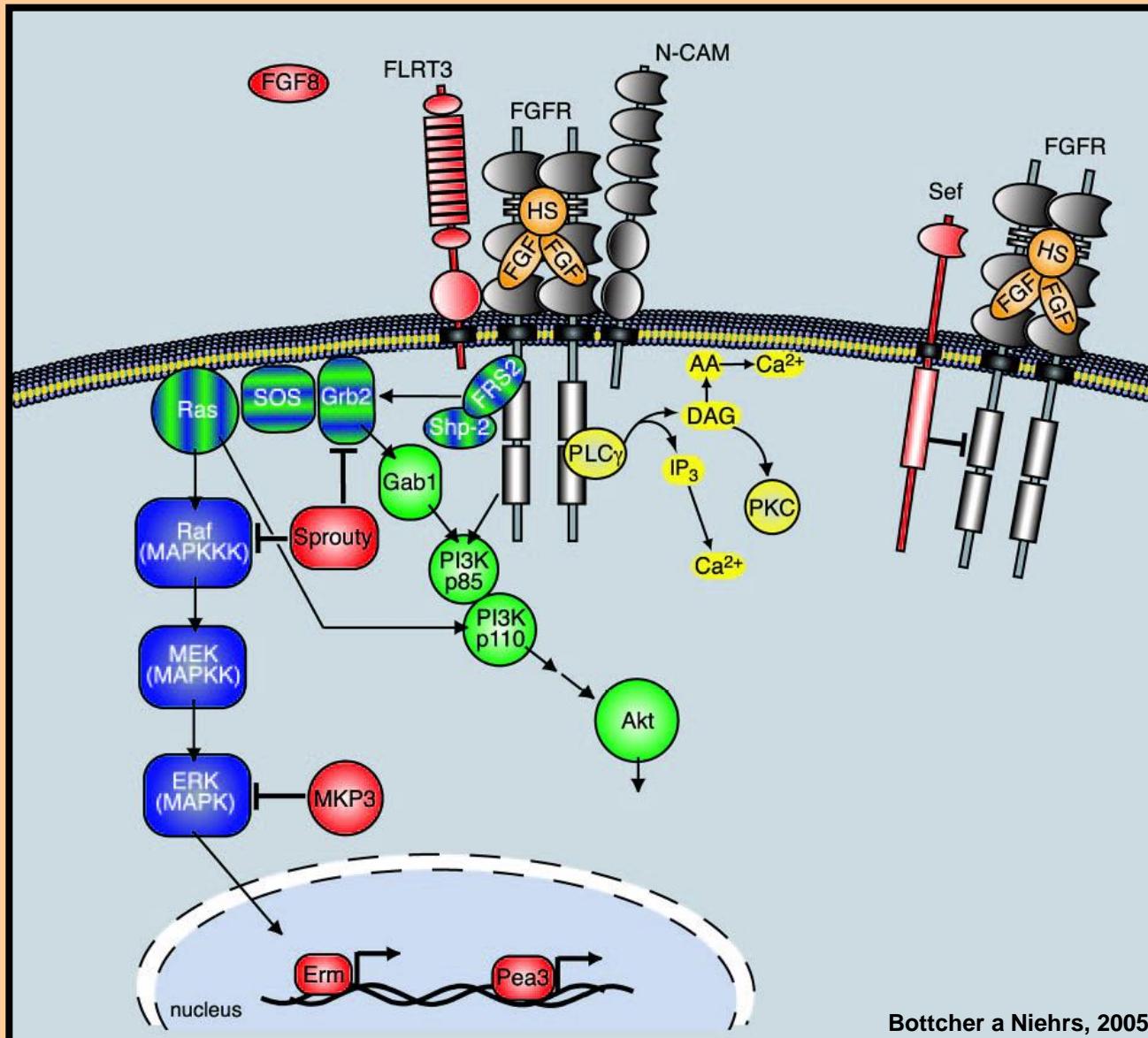


Evolučně se zdá, že tato dráha hraje důležitou úlohu v regulaci pluripotentních a snad i multipotentních buněk u živočichů obecně (prokázáno i u *Drosophila*)

Význam gp130 signalizace v průběhu embryogeneze



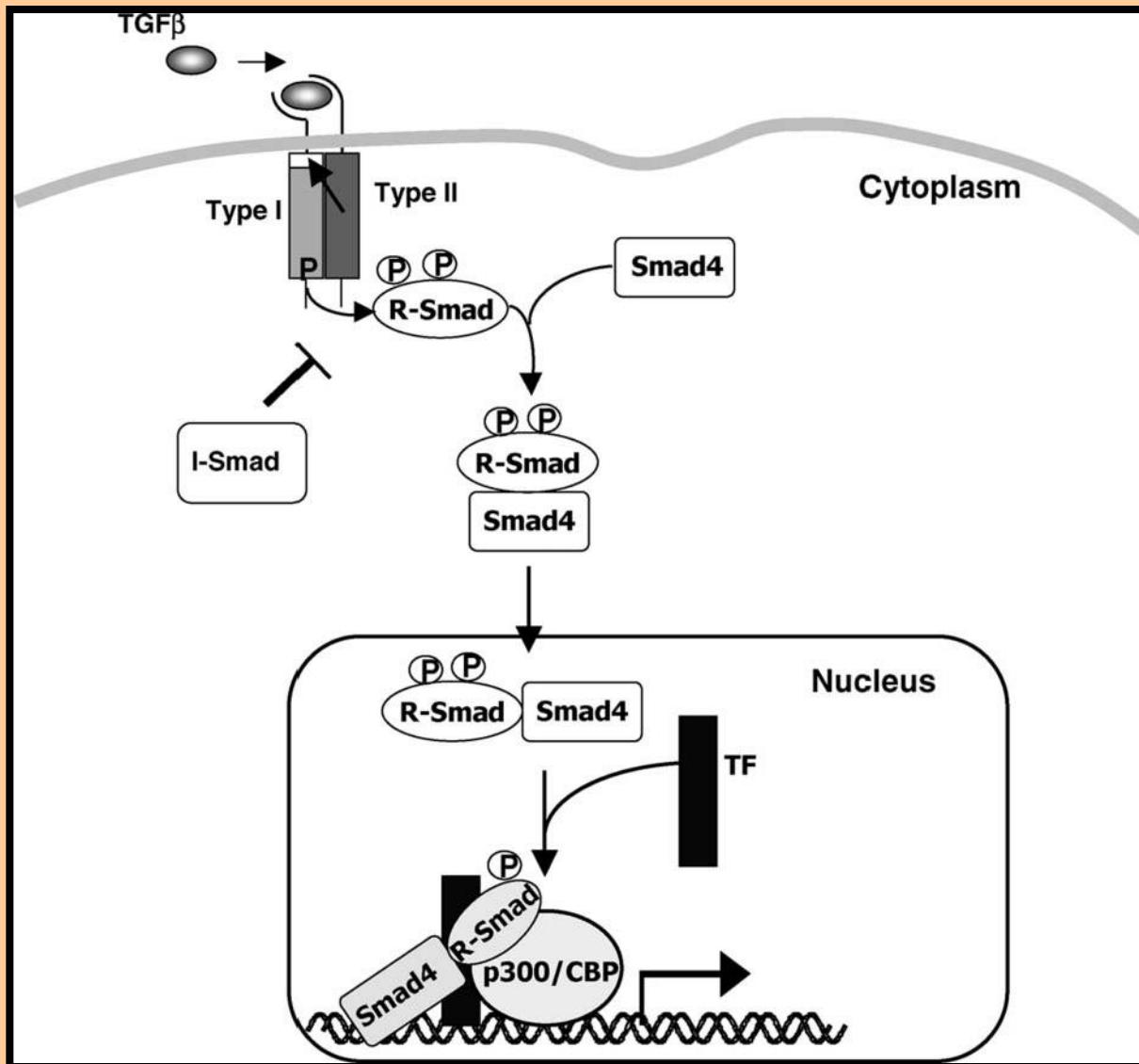
Signální dráha FGFs (Fibroblastové růstové faktory)



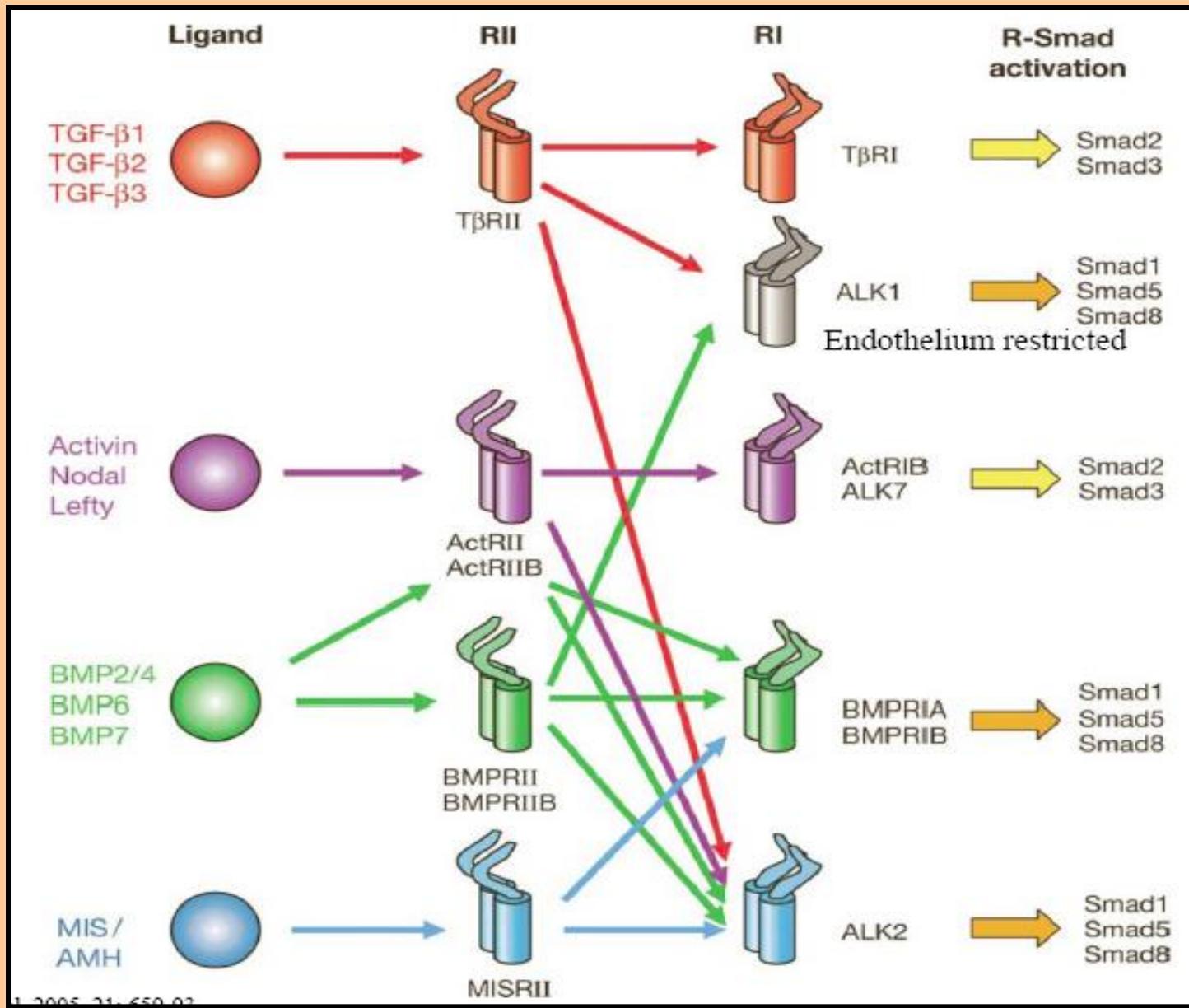
Bottcher a Niehrs, 2005

Signální dráha TGF β / BMPs

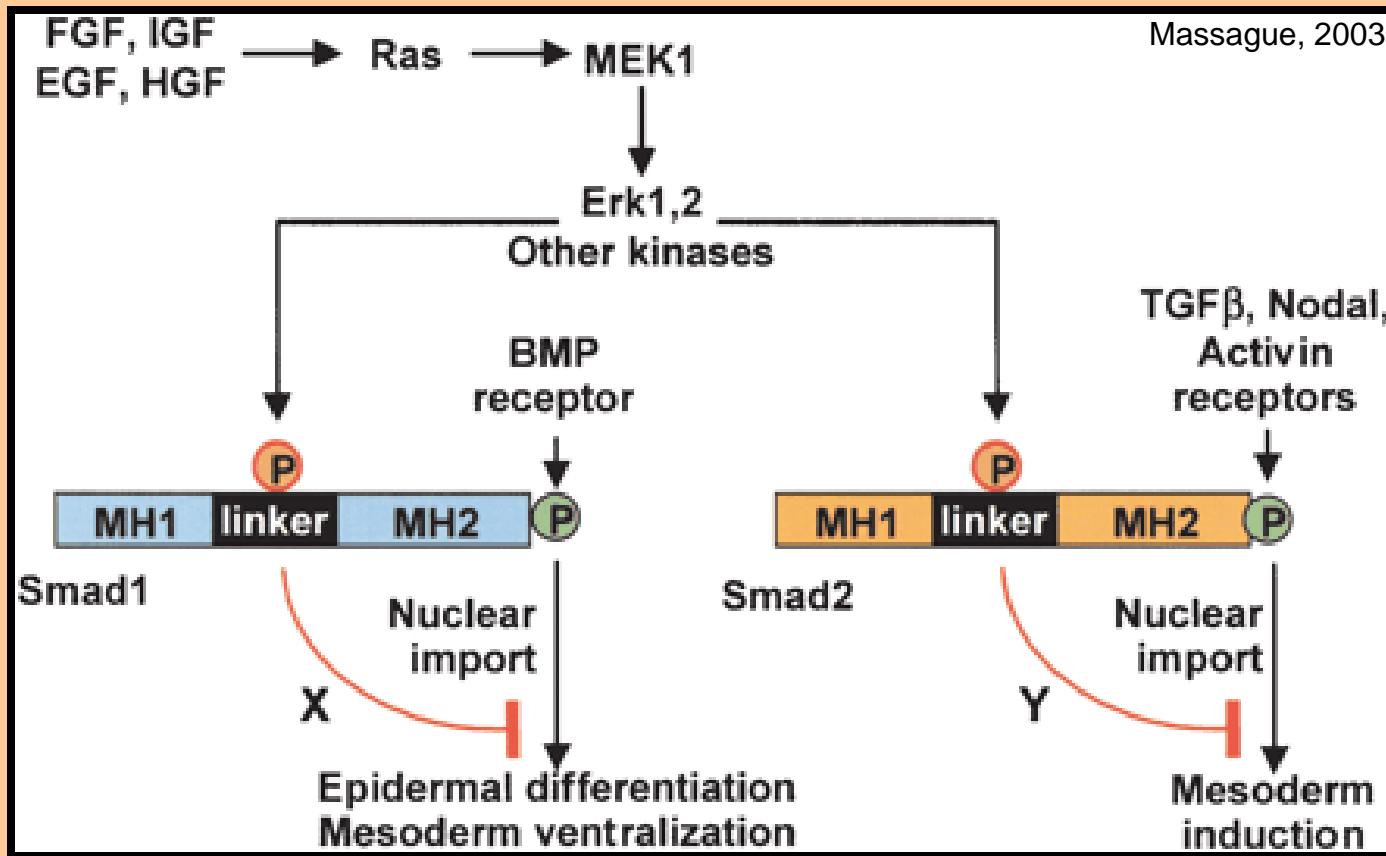
(Transformující růstový (*growth*) faktor β
kostní (*bone*) morfogenetické proteiny)



Interakce v signálování rodiny TGFbeta

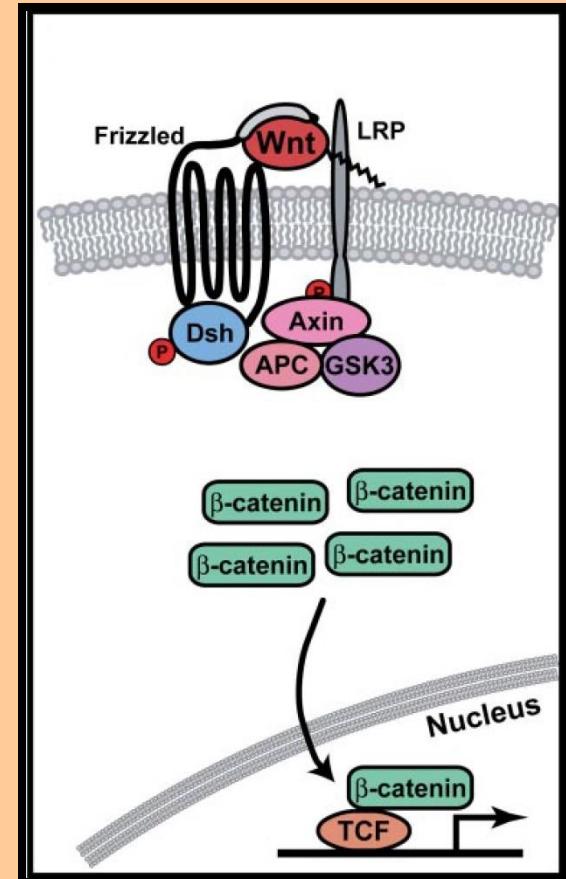
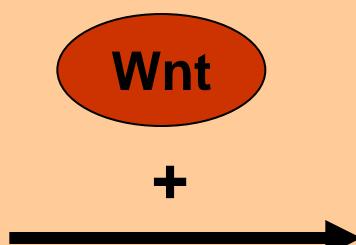
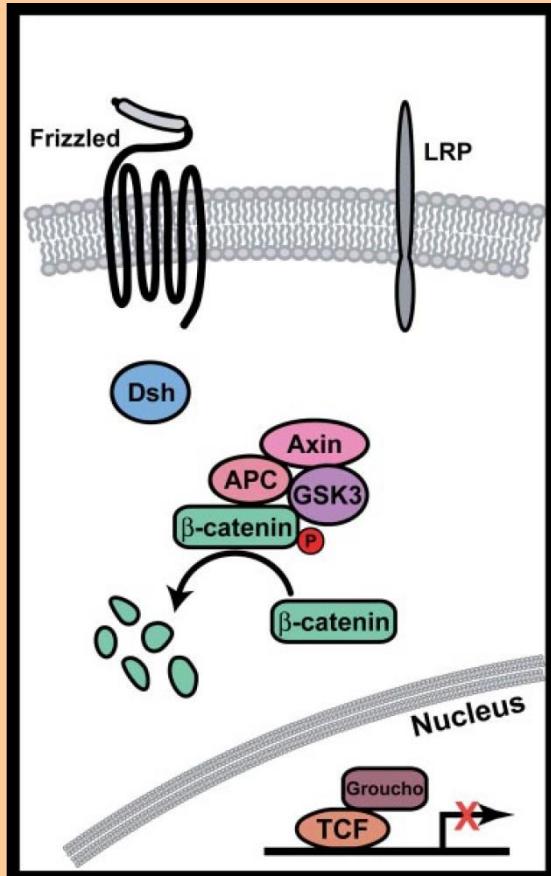


INTERKCE FGF & TGF β DRÁHY TRANSDUKCE SIGNÁLU

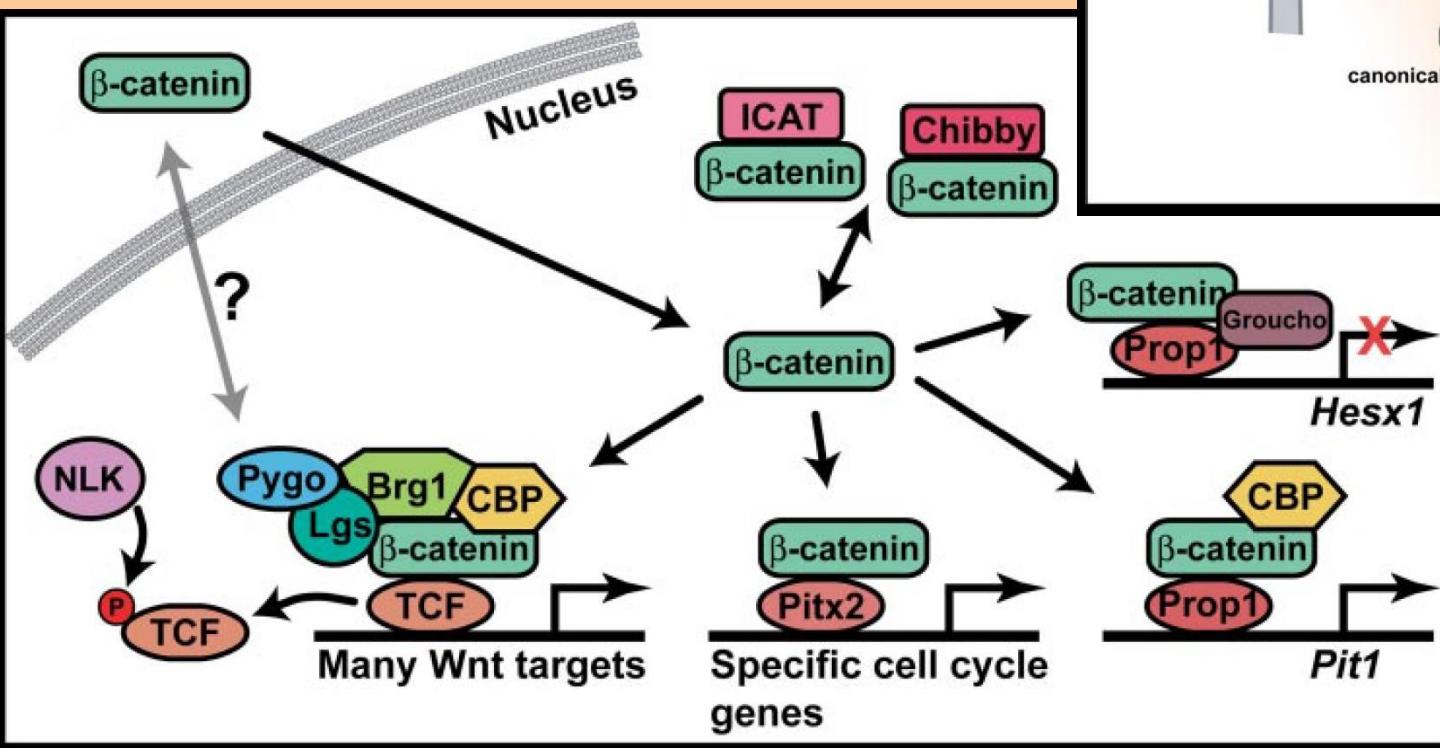
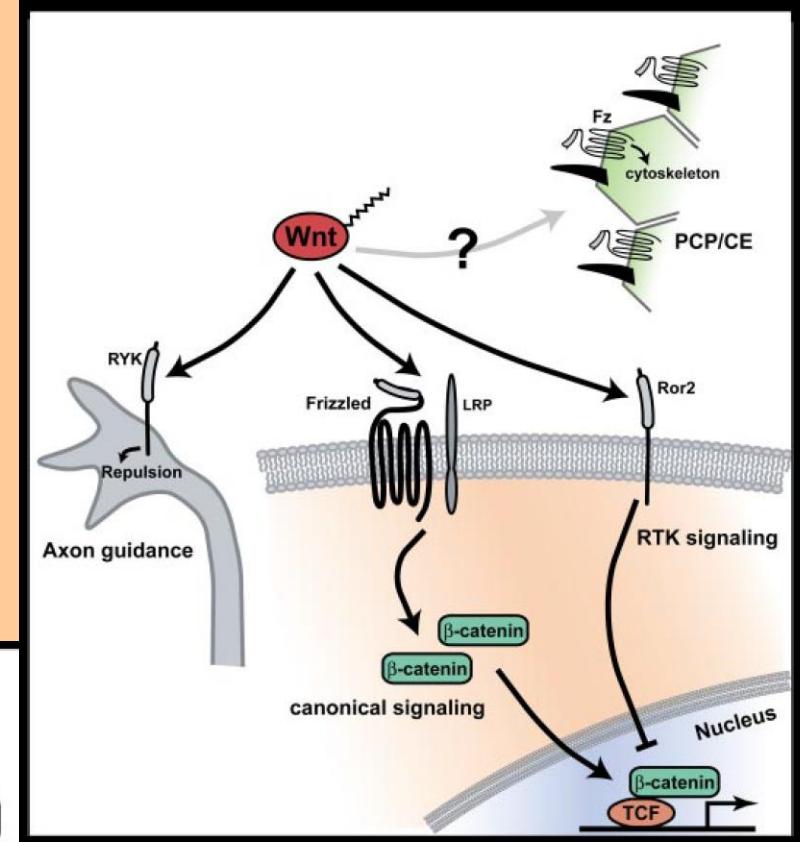


Signální dráha Wnts

<http://www.stanford.edu/~rnusse/wntwindow.html>

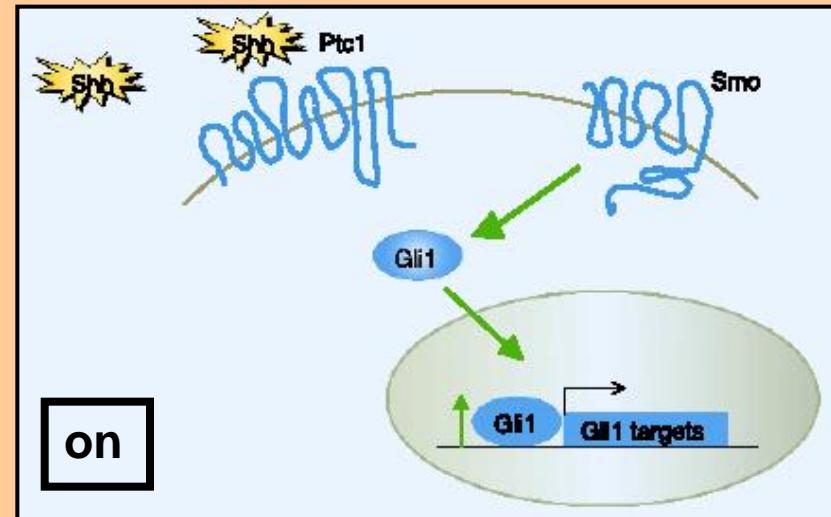
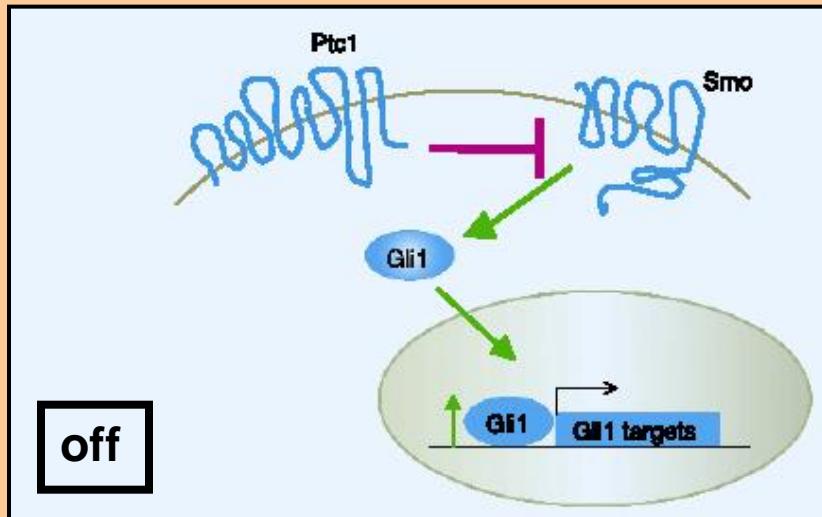


Signální dráha Wnts



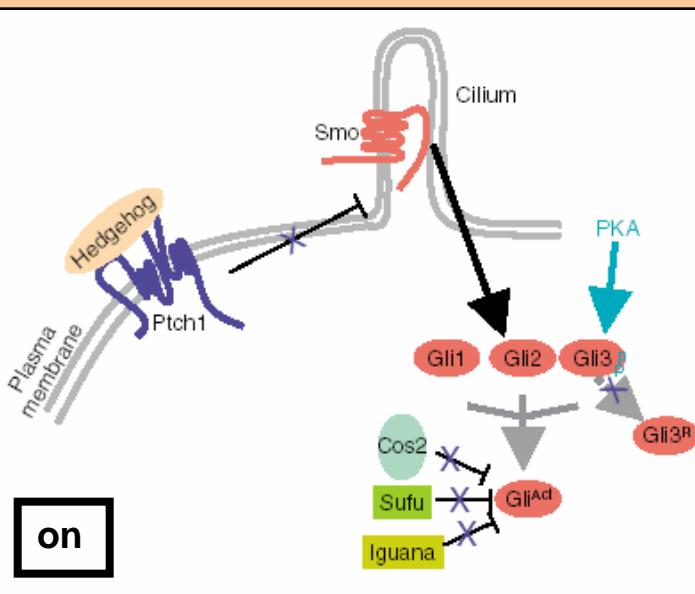
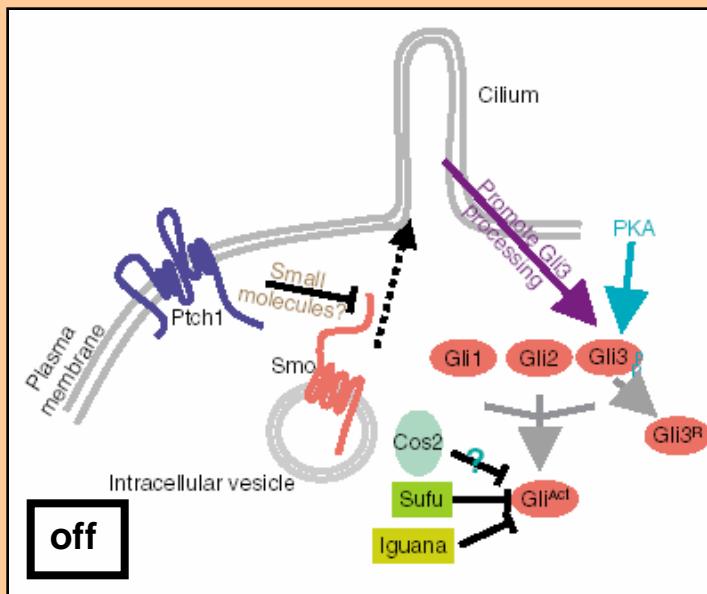
Signální dráha Hedgehog

sonic hedgehog (Shh), Indian hedgehog (Ihh)

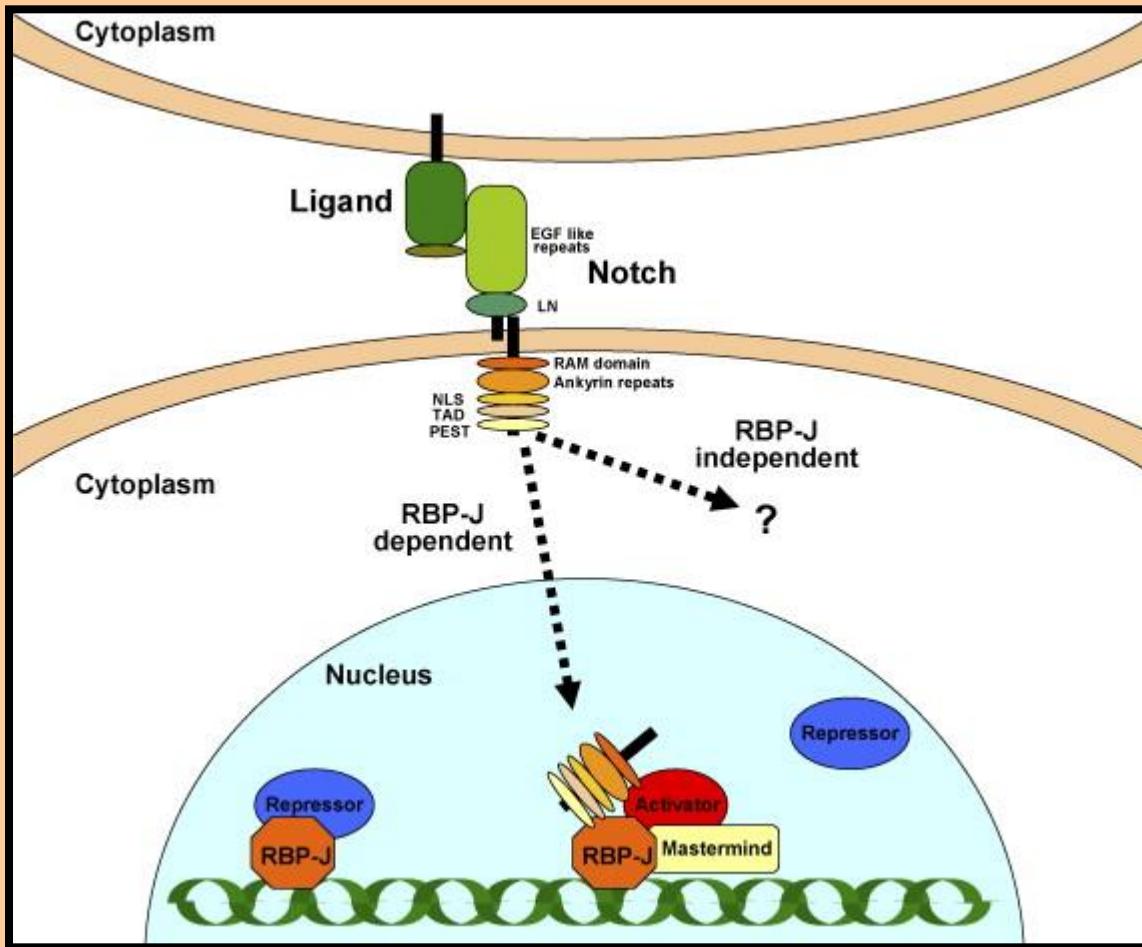


Ptc – Patched

Smo - Smoothened

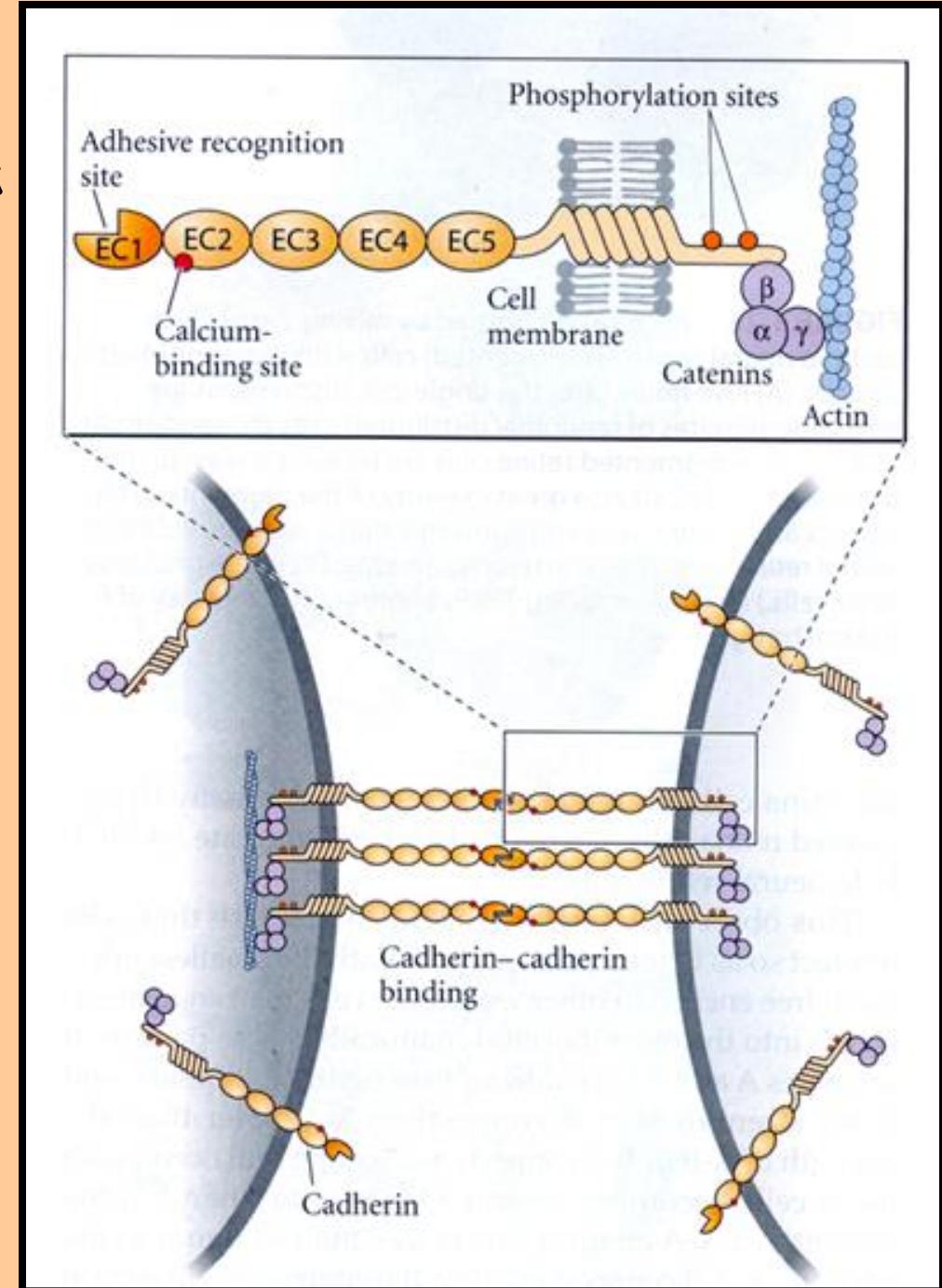


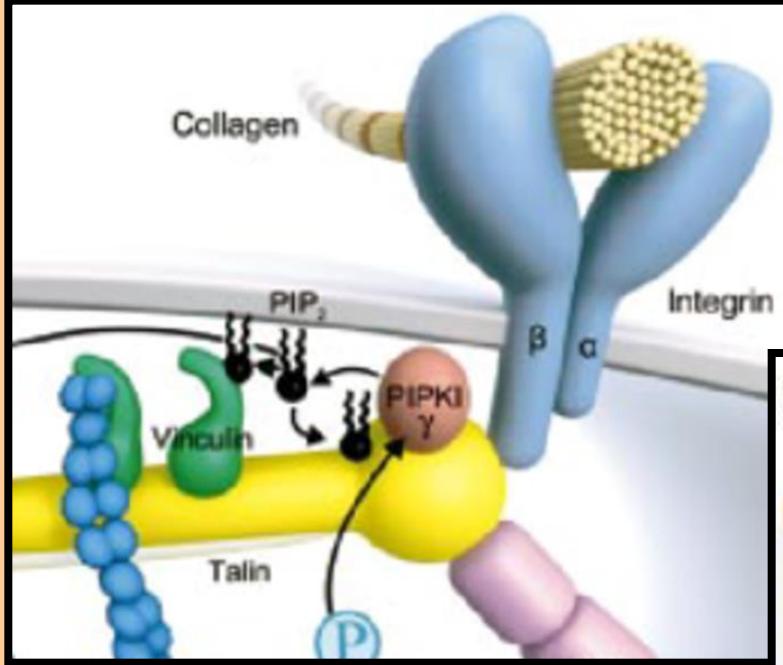
Signální dráha Notch



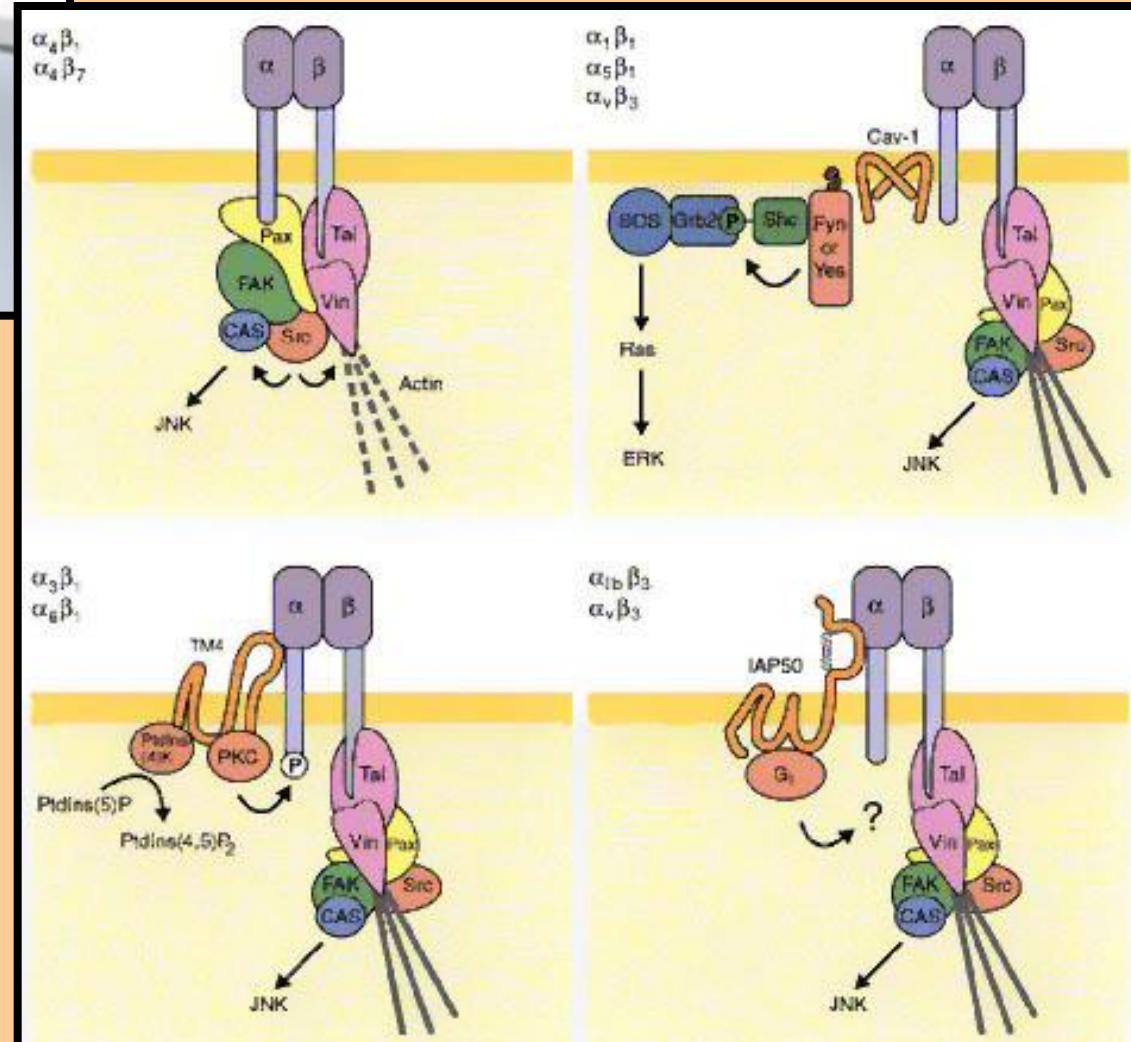
Signální transdukce Notch, po navázání ligandu (DSL rodina = Delta, Serrate, Lag-2; Jagged) dojde k odštěpení extracelulární části receptoru a následně i intracelulární (NICD – Notch intracellular domain), ta translokuje do jádra a v dimeru s CSL (= CBF1 – Cp binding factor 1) aktivuje transkripci.

Kadheriny s prostředkováná komunikace mezi buňkami

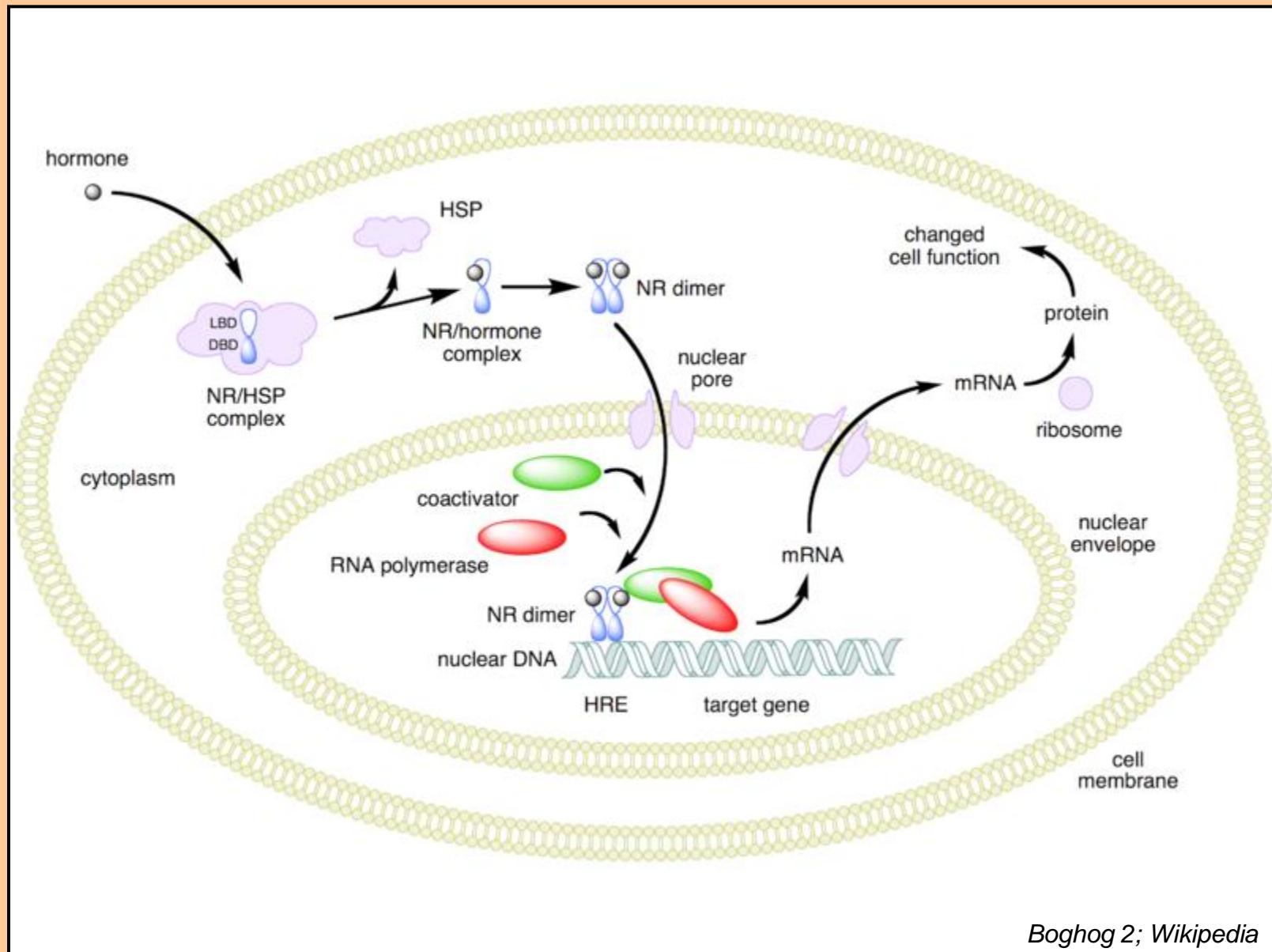




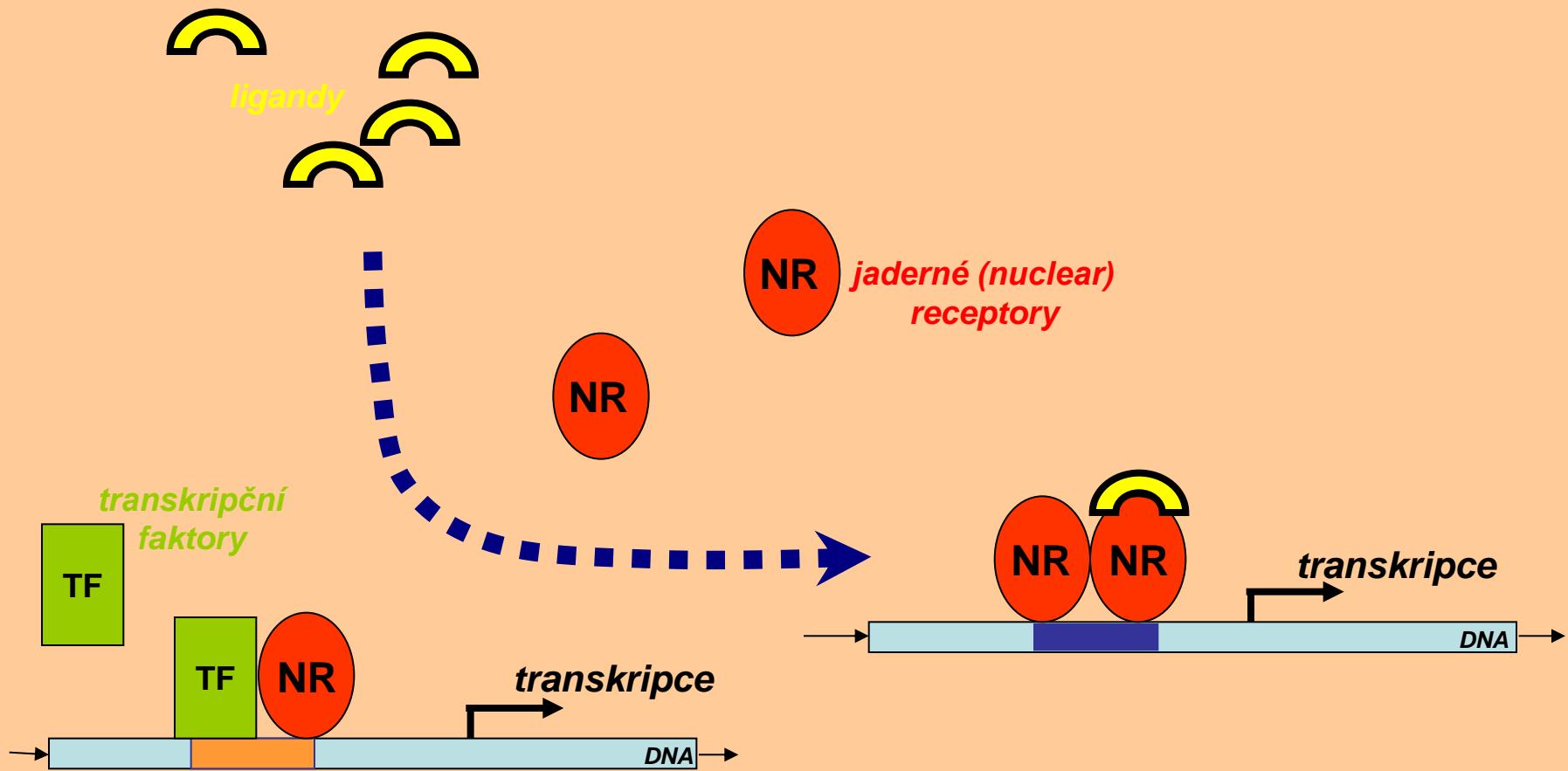
Integriny, aktivace vazbou ECM, zprostředkovaná transdukce signálu



Signální dráha jaderných receptorů obecně



Signální dráha jaderných receptorů



sebeobnova
?diferenciace

x diferenciace
x sebeobnova?

HYPEROXIE x NORMOXIE x HYPOXIE x ANOXIE

anoxie - 0% kyslíku

tkáňová hypoxie - 0-3% kyslíku

tkáňová normoxie - 3-5% kyslíku

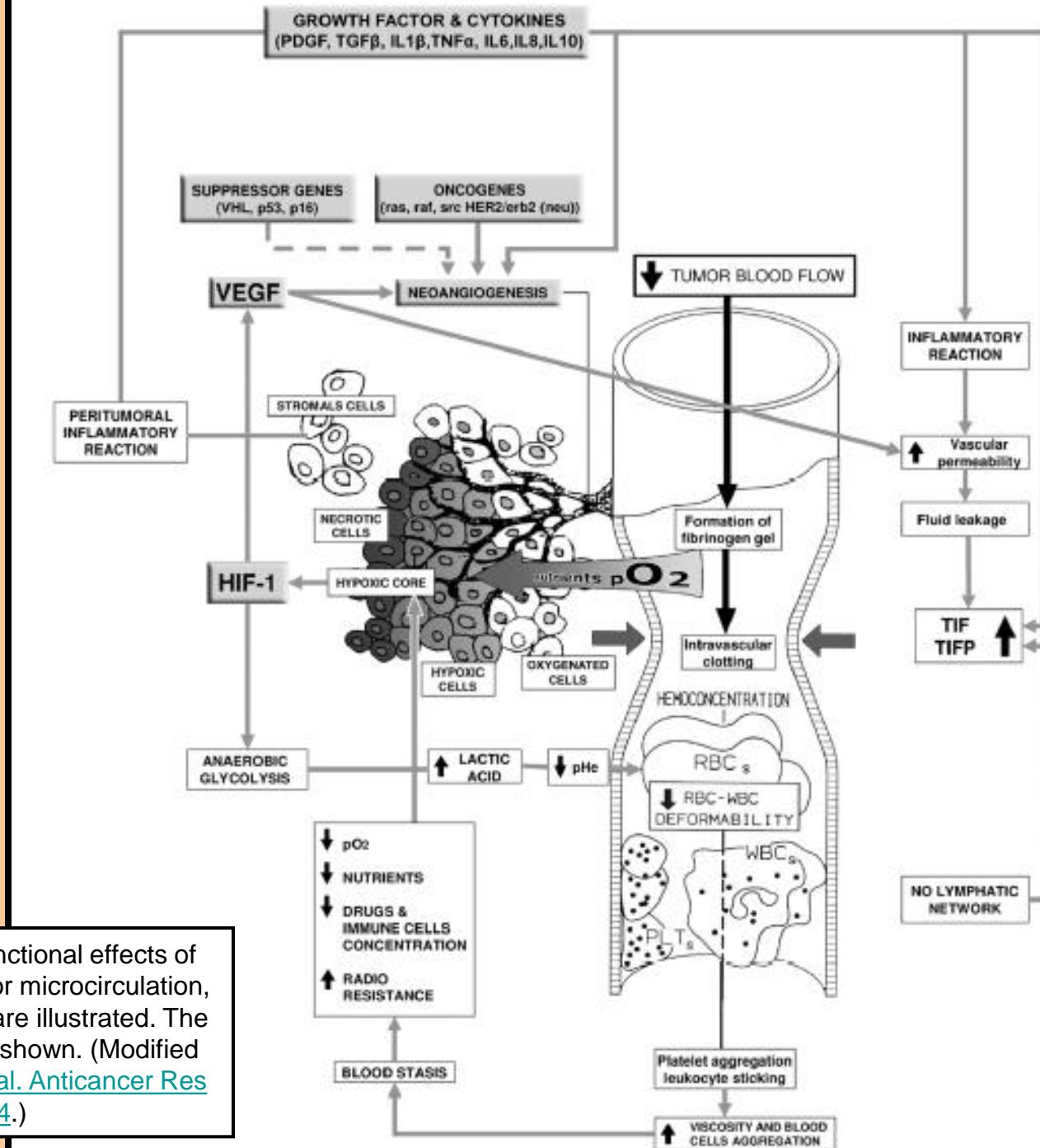
atmosféra - 21% kyslíku



In the human organisms, O_2 concentration varies significantly between the tissues: in the lung parenchyma and in circulation (McKinley and Butler, 1999; Saltzman et al., 2003; Johnson et al., 2005; Wild et al., 2005), as well as in well irrigated parenchymal organs (liver, kidneys, heart; Wołfe and Jungermann, 1985; Jungermann and Kietzmann, 1997; Roy et al., 2000; Welch et al., 2001; Mik et al., 2004) it is comprised between 14% and 4%. In other tissues, relatively less irrigated, O_2 concentration is even lower: in the brain, it varies from 0.5% to 7% (Whalen et al., 1970; Nwaigwe et al., 2000; Hemphill et al., 2005) in the eye (retina, corpus vitreous), from 1 to 5% (Buerk et al., 1993; reviewed in Yu and Cringle, 2005), in the bone marrow, from 0% to 4% (Tondevold et al., 1979; Chow et al., 2000).

HYPOXIE

Embryogeneze
Organogeneze
Homeostáza
Pathologie

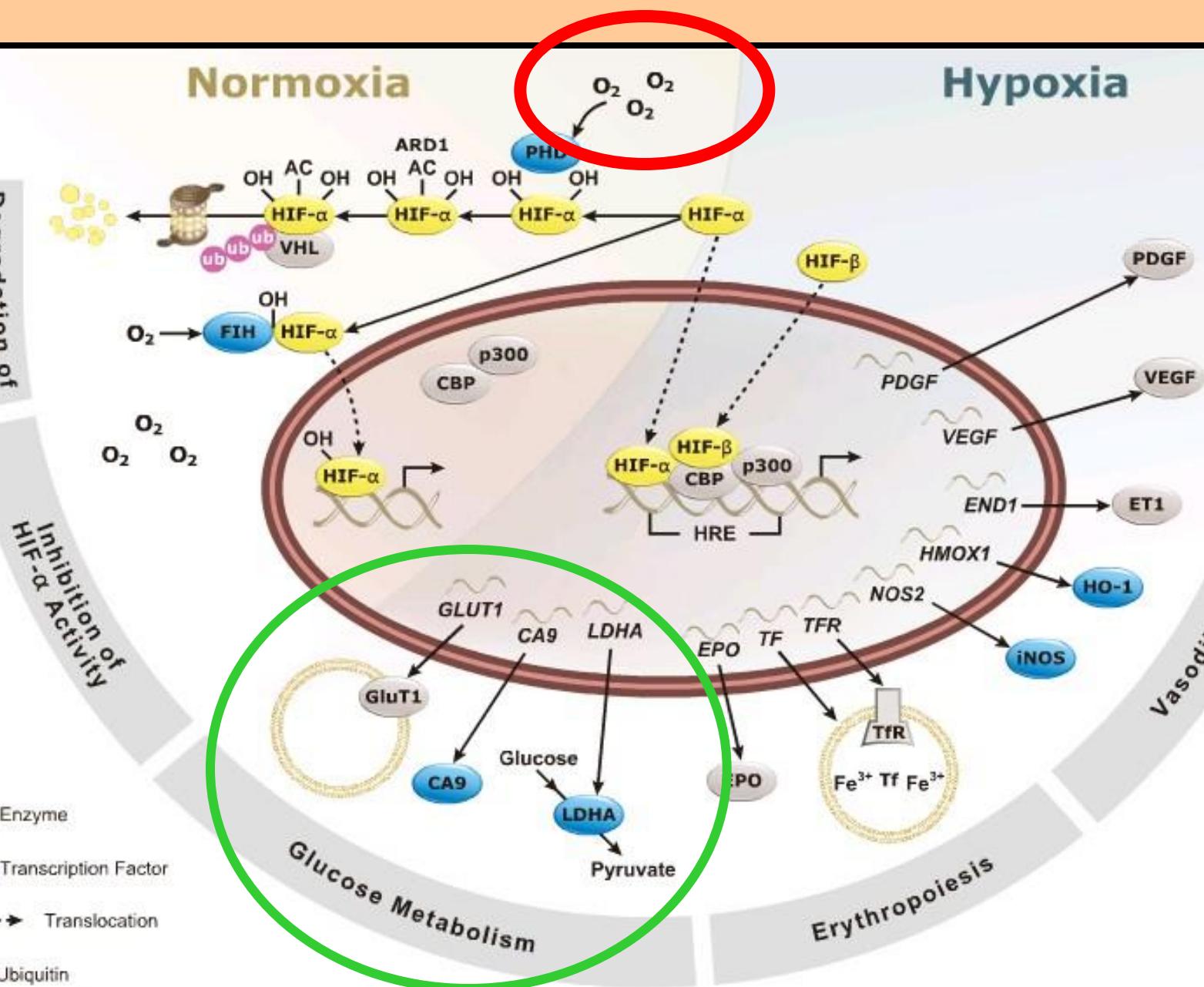


In this figure the structural and functional effects of Hypoxia, HIF-1 and VEGF on tumor microcirculation, cancer metabolism and therapies are illustrated. The vicious circles that occur are also shown. (Modified with permission from: [Baroncio et al. Anticancer Res 1994; 14:1145-1154.](#))

Normoxia

Hypoxia

Degradation of HIF- α



Inhibition of HIF- α Activity

Enzyme

Transcription Factor

→ Translocation

Ubiquitin

HIF - hypoxií indukovaný faktor

$\text{HIF1}\beta \text{ (ARNT)} + \text{HIF1}\alpha = \text{HIF1}$ (obecná buněčná odpověď na hypoxii)

- (-) exprese c-myc / cD1 => CC arrest
- stabilizace NICD (Notch) => sebeobnova
- (+) glykolýza (PDK, Glut1/3, LDHA, HK,...)
 - (+) MTC4 (eflux laktátu)
- (-) mitochondrie = (-) oxid. fosforylace (-) ROS
-

+ $\text{HIF2}\alpha = \text{HIF2}$ (částečně buněčně specifické, EPO)

- podpora buněčného cyklu
- (+) exprese Oct4...

+ $\text{HIF3}\alpha = \text{HIF3}$ (kompetuje s HIF α , buněčně specifické)

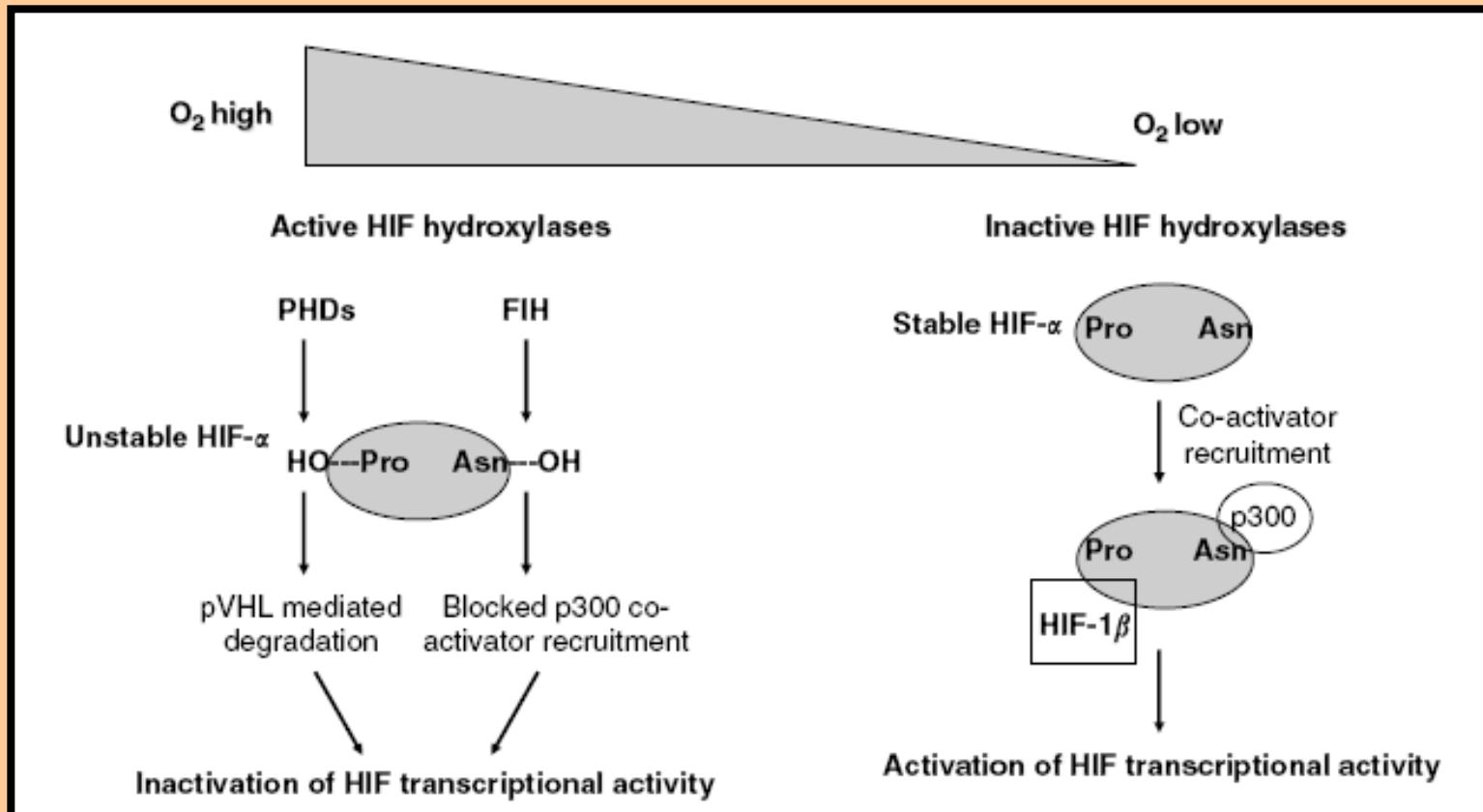
- inhibitor akce HIF (?)

Regulace HIF

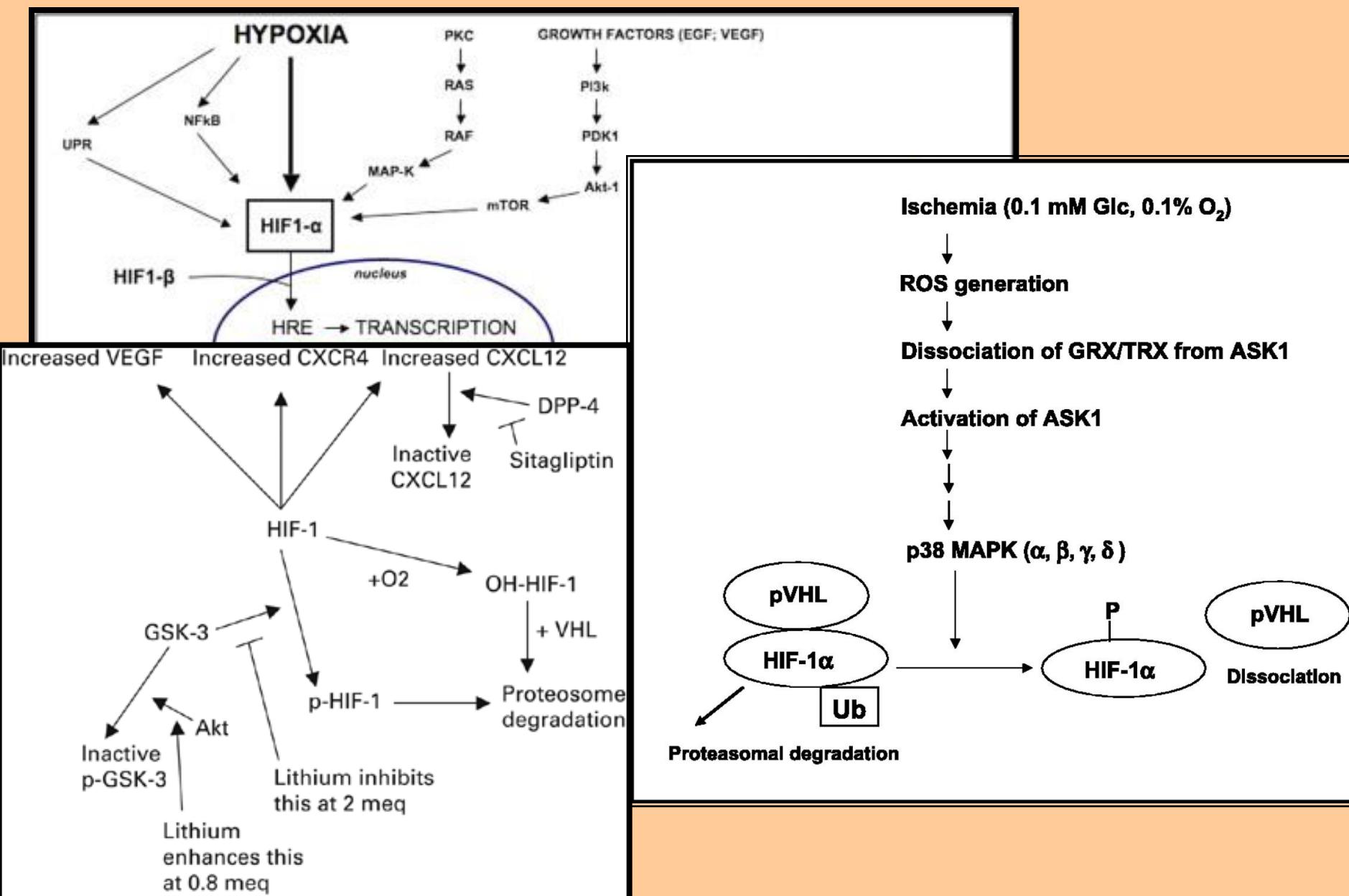
- všechny podjednotky HIF prakticky konstitutivní exprese
- regulace zejména degradací podjednotek HIFa
(- částečně i regulací transkripce)

Degradace HIF v přítomnosti O_2

- hydroxylace prolyl hydroxylásami PHD, FIH
- degradace v proteasomu zprostředkovaná pVHL faktorem



Stabilita a transaktivací aktivity HIF je také regulována dalšími postranslačními modifikacemi včetně fosforylace



Modifikace glykolýzy prostřednictvím HIF

- zvýšení exprese GLUT1,4
- zvýšení exprese enzymů glykolýzy
- inhibice přeměny pyruvátu na AcetylCoA

Glykolýza - substráty intermediální produkty
=> růst buněk

OxFos - energie => práce, produkce

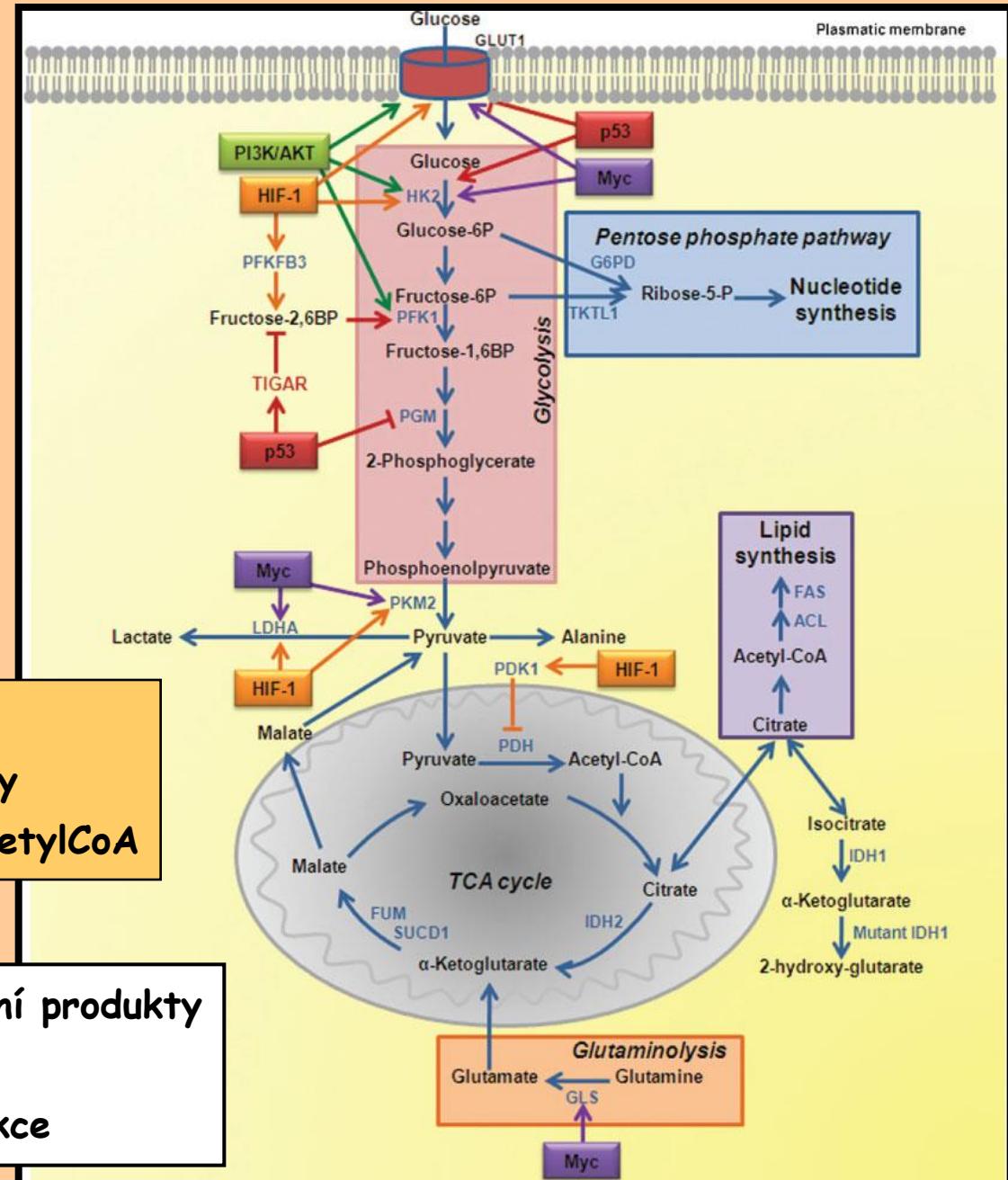
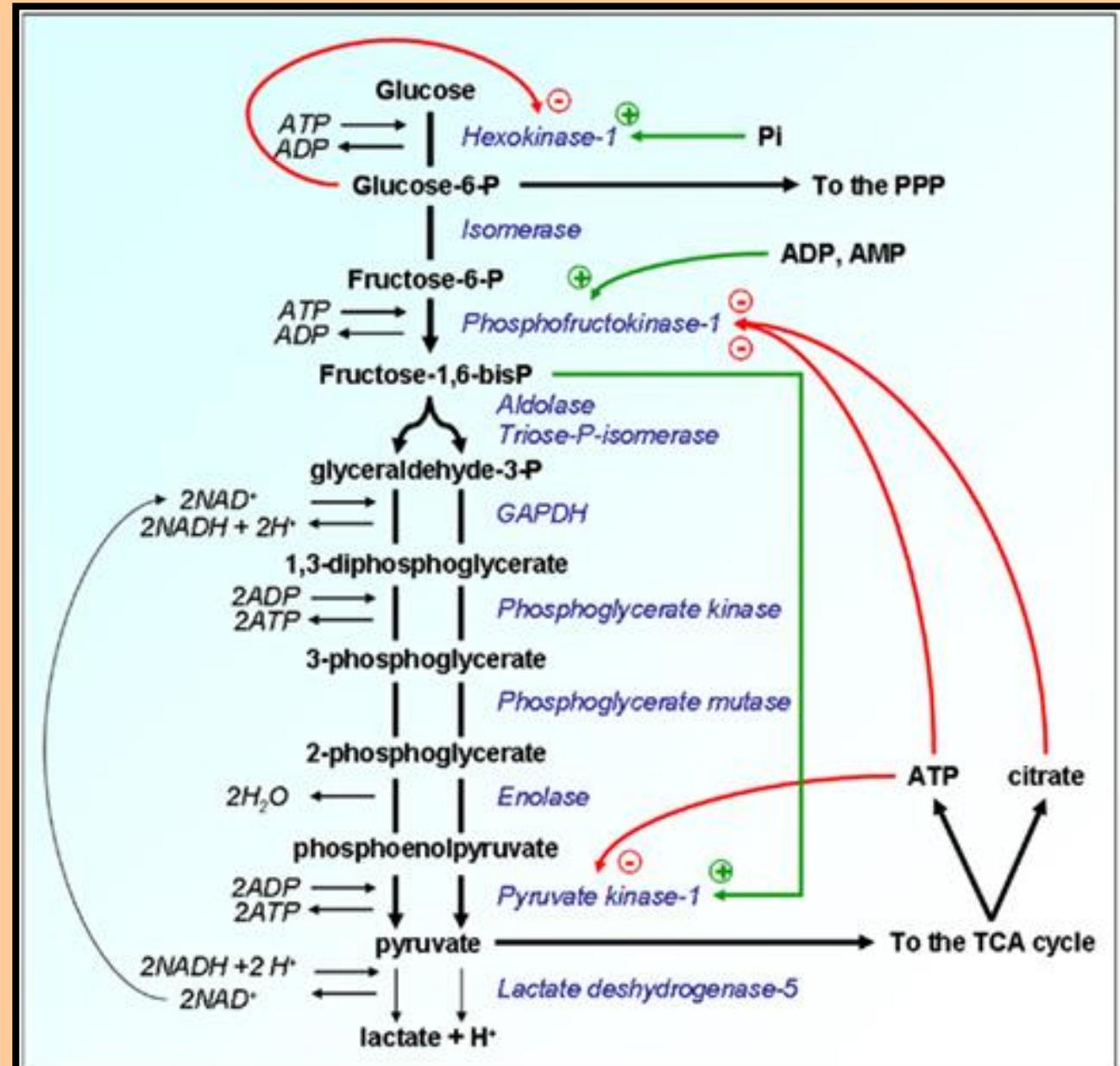


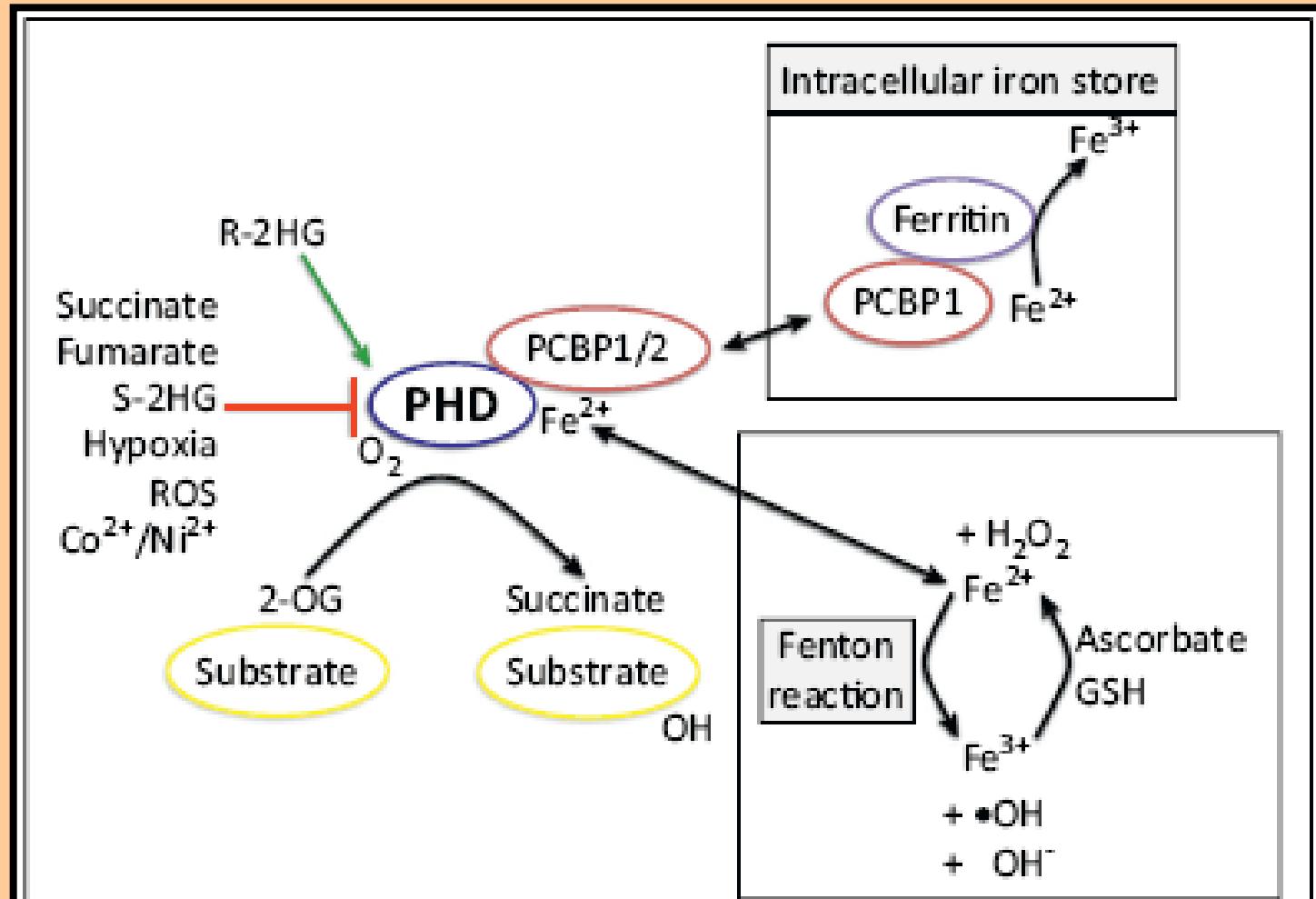
Figure 2 - Metabolic remodeling in cancer cells and regulation by signaling pathways involving oncogenes and tumor suppressor genes. The key enzymes of glycolysis, the TCA cycle, the pentose phosphate pathway, glutaminolysis, nucleotide, and lipid biosynthesis are shown as the regulation points by oncogenes and tumor suppressor genes.

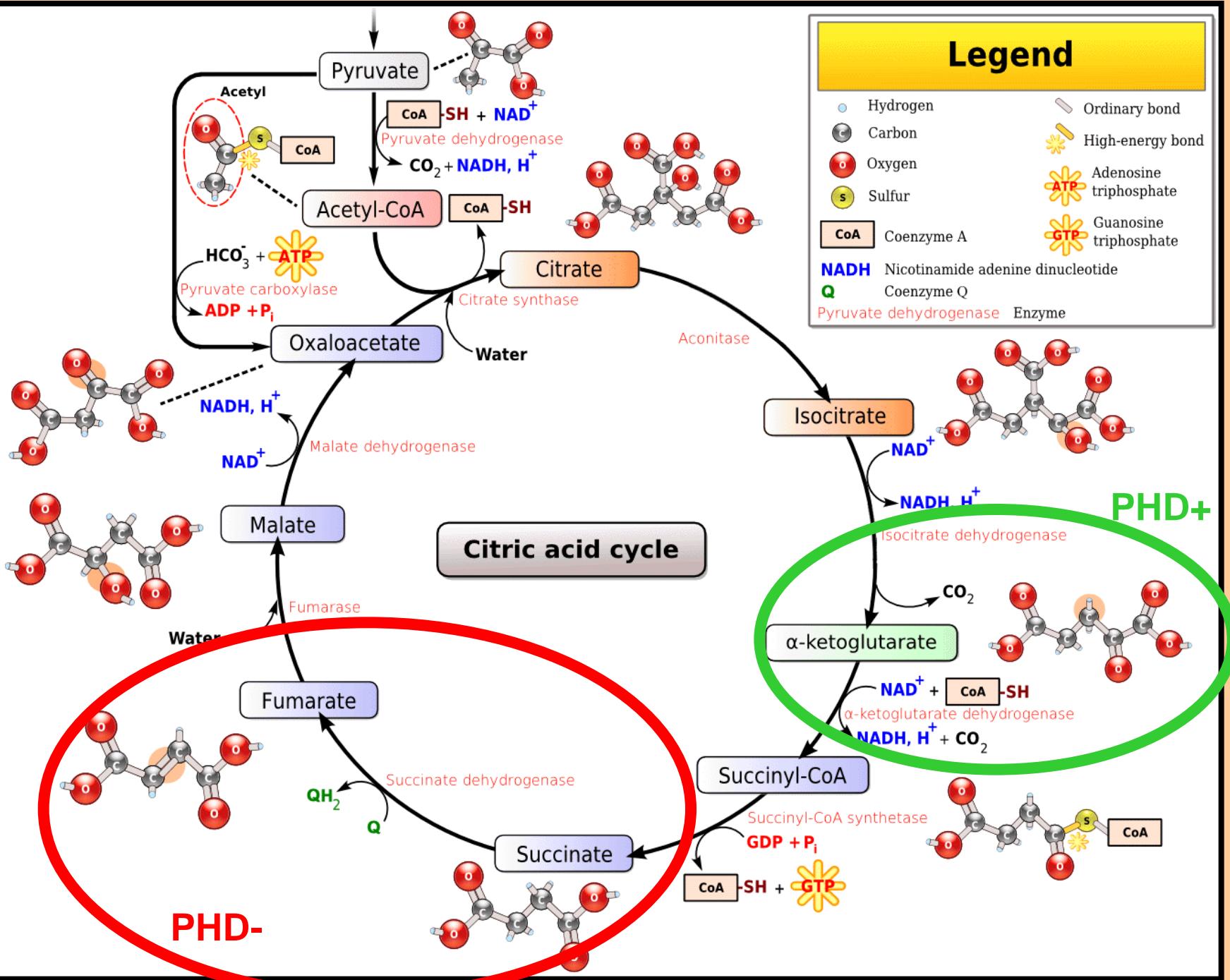
Inhibice glykolýzy v důsledku oxidativní fosforylace



Prolyl hydroxylásy (PHD; + Asparagin hydroxylasy; + ?)

- sensory kyslíku a regulátory stabilizace HIF-Xalpfa
- kofaktory a-ketoglutarát (2-oxoglutarát), O₂, Fe²⁺...





Příklady dalších partnerů a substrátů PHD

Activating transcription factor 4	ATF4	PHD1/3	Binding	Negative regulation of transcription factor activity
Human precursor RNA processing 19	hPRP19	PHD3	Binding	Inhibition of cell death
Paired box gene 2	Pax2	PHD3	Hydroxylation (?)	Negative regulation of transcription factor activity
Sprouty homolog 2	Spry2	PHD1/2/3	Hydroxylation	Negative regulation of Sprouty 2-mediated inhibition of FGF-induced ERK1/2 activation ^a
TCP-1 ring complex ^a	TRiC	PHD3	Binding	Protein folding (?); activity (?)
Osteosarcoma amplified 9	OS-9	PHD2/3	Binding	Enhanced hydroxylase activity
A-kinase (PRKA) anchor protein 12	AKAP12	PHD2	Binding (?)	Enhanced association of HIF-1 α and PHD2
Mitogen-activated protein kinase organizer 1	Morg1	PHD3	Binding	Enhanced hydroxylase activity
Inhibitor of growth protein 4	ING4	PHD2	Binding	Enhanced hydroxylase activity
Iron-only hydrogenase-like protein 1	IOP1	PHD2	Binding (?)	Enhanced hydroxylase activity (?)
Melanoma antigen gene protein-A11	MAGE-11	PHD2	Binding	Decreased hydroxylase activity
Cerebellar degeneration-related protein 2	Cdr2	PHD1	Binding	Enhanced repression of HIF
Myogenin	Myogenin	PHD3	Hydroxylation	Stabilization of myogenin protein
Kinesin-like protein 1B β	KIF1B β	PHD3	Hydroxylation (?)	Induction of apoptosis
Large subunit of RNA polymerase II	Rbp1	PHD1/2	Hydroxylation	Activation of Rbp1 and tumor growth promotion
β (2)-Adrenergic receptor	β (2)AR	PHD3	Hydroxylation	Regulation of receptor degradation
Human homolog of the <i>Caenorhabditis elegans</i> biological clock protein CLK-2	HCLK2	PHD3	Hydroxylation	Promotes DNA damage response
Cysteine synthase like-1	CYSL-1	EGL-9	Binding	Inhibition of EGL-9 in hypoxia
Phospho-diesterase 4D	PDE4D	PHD2	Binding; hydroxylation	Regulation of intracellular cAMP levels

MITOCHONDRIE × HYPOXIE

Zralejší mitochondrie => víc ATP

=> víc ROS (reaktivní kyslíkové radikály)

=> poškození DNA

=> peroxidace lipidů, deregulace signálních drah

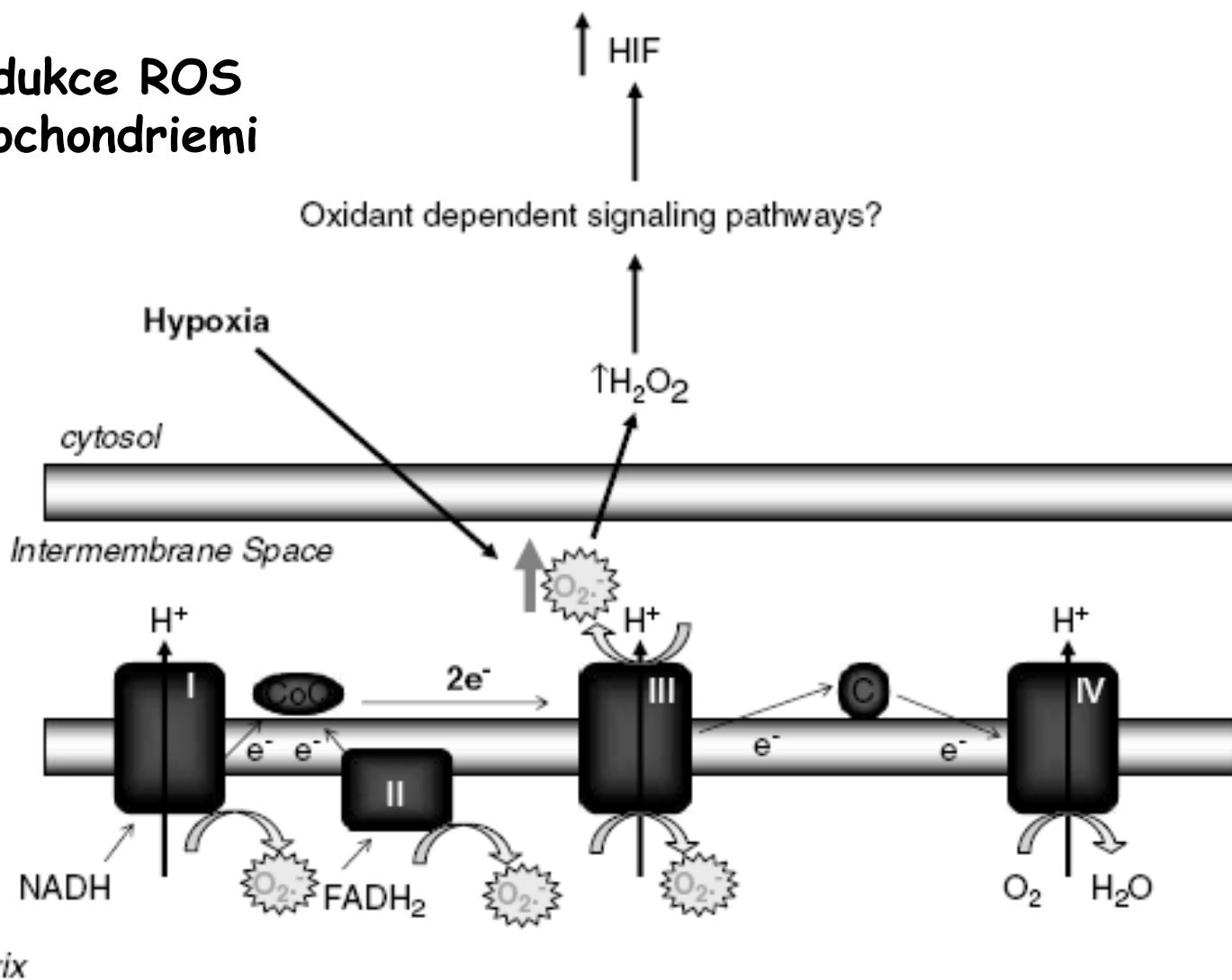
HYPOXIE => stresované mitochondrie (bez O_2 (?) a Acetyl-CoA)

=> přechodně víc ROS (=> stabilizace HIF1 (?))

=> přechodně akumulace fumarátu a sukcinátu

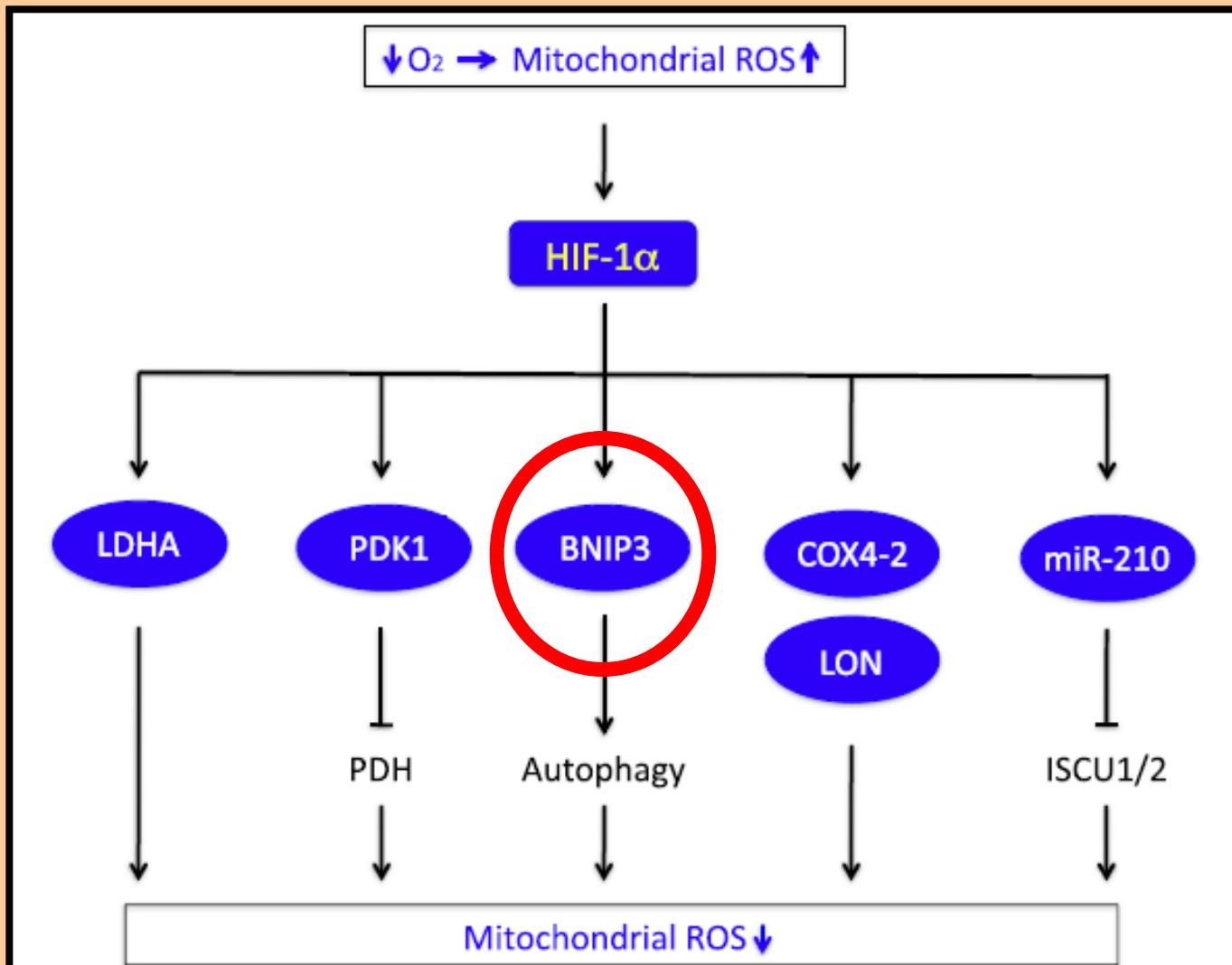
(=> inhibice PHD => stabilizace HIF1)

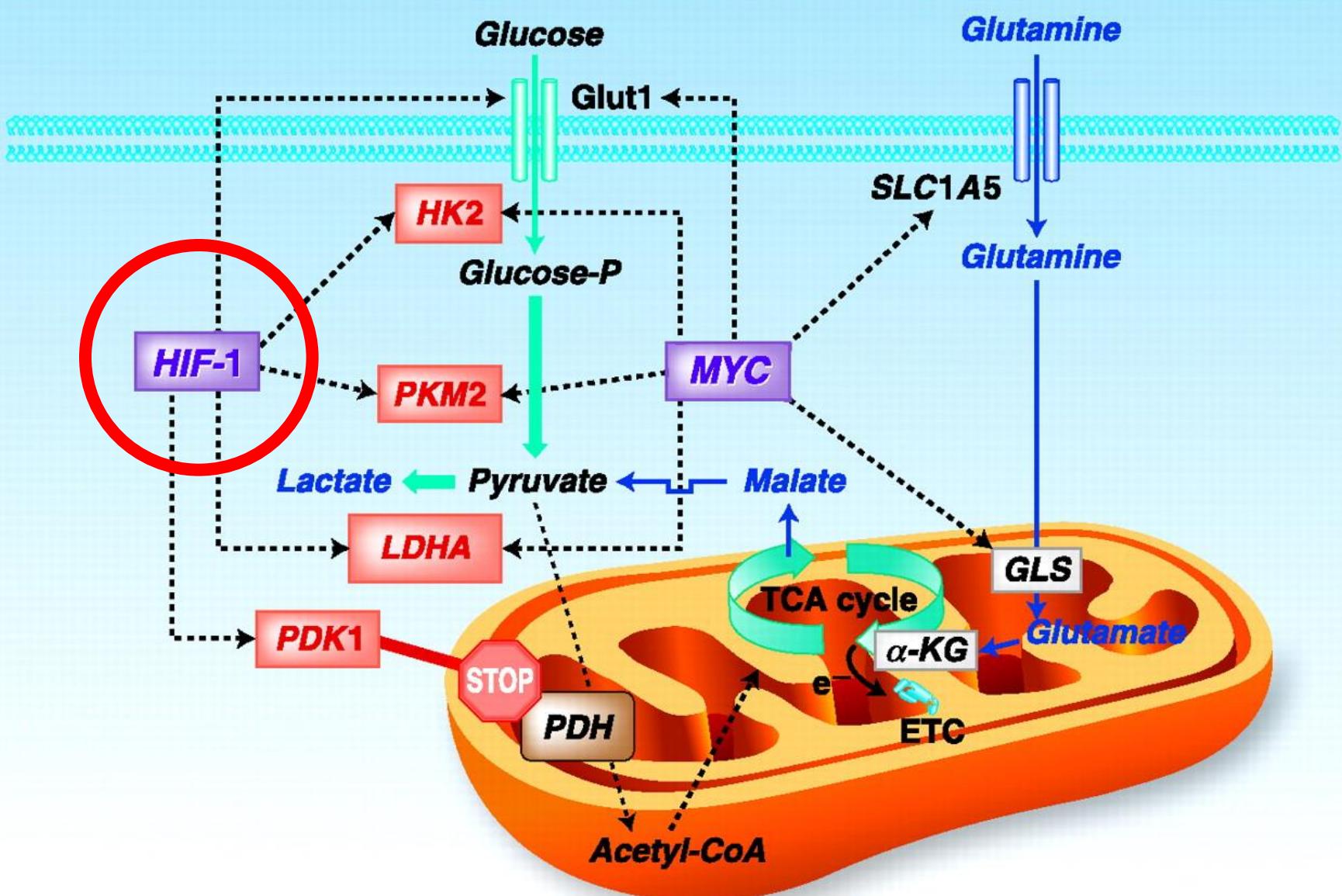
Produkce ROS mitochondriemi



HIF1 - indukuje autofagii mitochondrií

- potlačuje biogenezi mitochondrií => snížení ROS
- potlačuje maturaci mitochondrií





FENOTYP KMENOVÝCH BUNĚK × HYPOXIE

Kmenové buňky

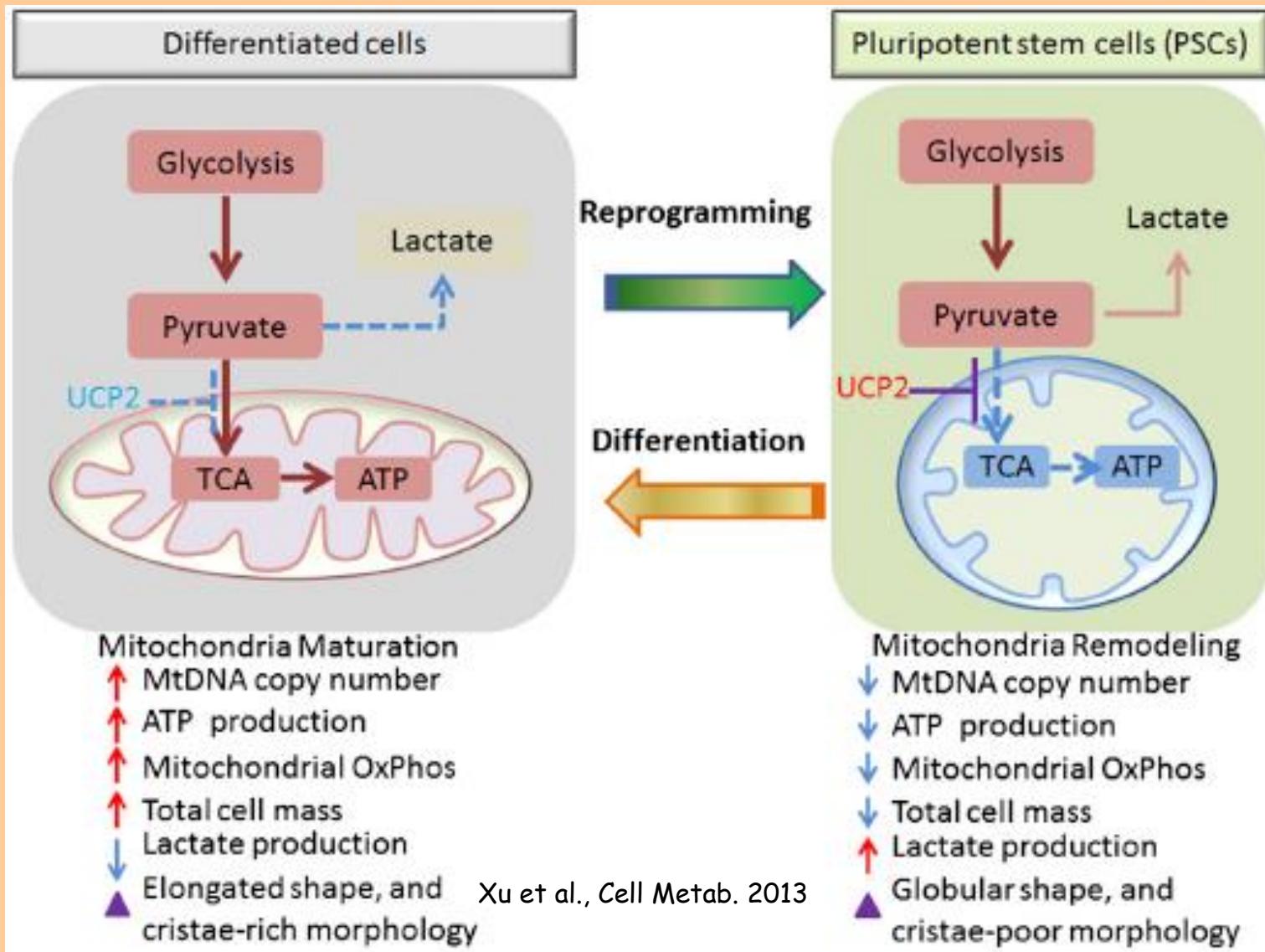
- některé (?) vysoká hladina HIF1, i v normoxii!!!
- některé (?) hypoxicke niche
- Wartburgův efekt = glykolýza nezávisle na dostupnosti O_2
(předpoklad růstu buněk nad energetickým ziskem
 - => intermediální metabolity pro výstavbu buněk)
- potlačená aktivita/zralost a počet mitochondrií
 - => málo ROS
 - => závislost na glykolýze
- hypoxie (1-(3)-5%) podporuje kmenovost
- hypoxie (1-(3)-5%) podporuje reprogramování na iPSC
-

Hypoxie prostřednictvím HIF1

- potlačuje oxidativní fosforylace inhibicí biogeneze a aktivity mitochondrií
=> snížení produkce ROS => podpora kmenovosti
- podporuje glykolýzu
=> nezávislost na mitochondriích a oxidativní fosforylace
- stabilizuje NICD, β -catenin (?)
=> vyší aktivita Notch ~ podpora kmenovosti
=> vyší aktivita „Wnt“ signalizace ~ podpora kmenovosti (?)
- farmakologické inhibitory PHD zvyšují pool quiescentních HSC
a jejich regenerační potenciál po ozážení *in vivo* [Forristal et al., 2013 Blood]

čímž potlačuje diferenciaci a udržuje kmenovost

Mitochondrie a kmenové buňky

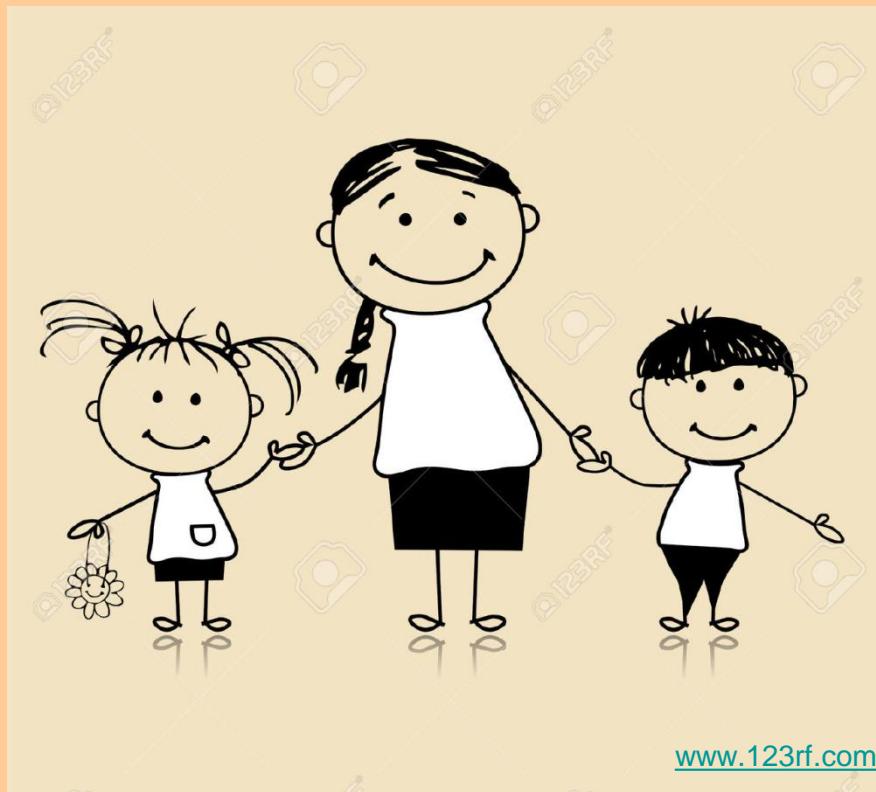


Inhibice maturace a funkce/aktivity mitochondrií (deplecí klíčových enzymů)
= podpora kmenovosti (HSC)

[Yu et al., 2013 Cell Stem Cell; Takubo et al., 2013 Cell Stem Cell]

DIFERENCIACNÍ POTENCIÁL BUNĚK

Jaké typy buněk mohou vznikat z buňky mateřské



Z hlediska schopnosti tvořit další buněčné typy se buňky dělí na:

Totipotentní – mohou z nich vznikat všechny buňky daného živočišného druhu

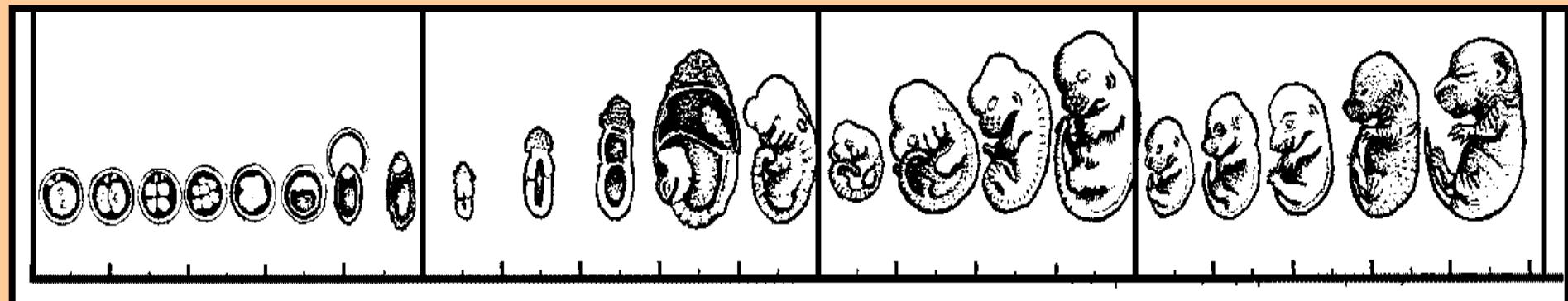
Pluripotentní – mohou dát vznik všem buňkám budoucího jedince (všechny tři zárodečné listy)

Multipotentní – může z nich vznikat větší počet buněčných typů dané buněčné řady

(Oligopotentní – podobné jako multipotentní, ale méně typů)

Unipotentní – dávají vznik jen dvěma typům buněk

Nullipotentní – mohou se pouze dělit, nemění fenotyp

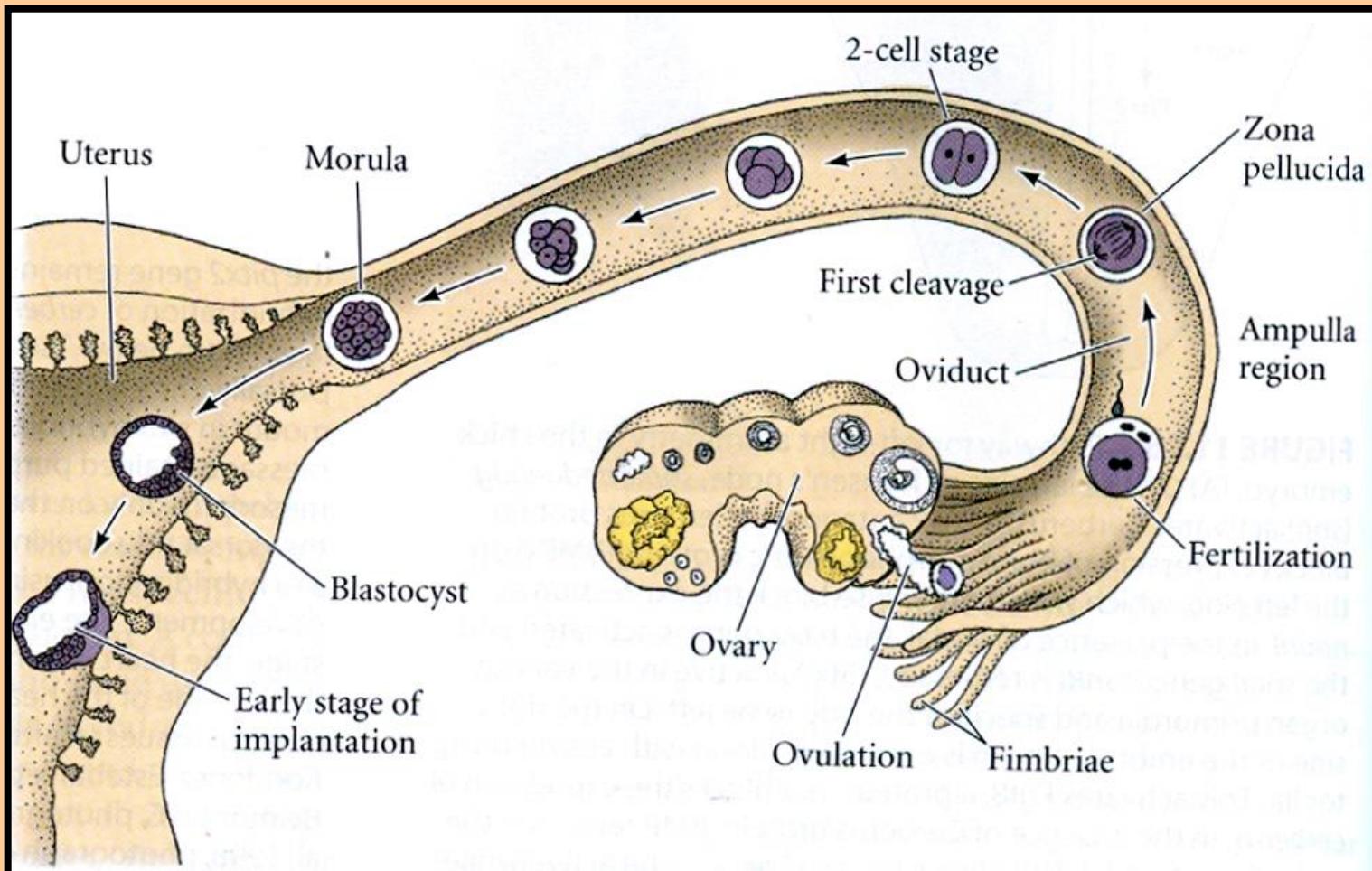


totipotentní
buňky

pluripotentní, multipotentní,
buňky

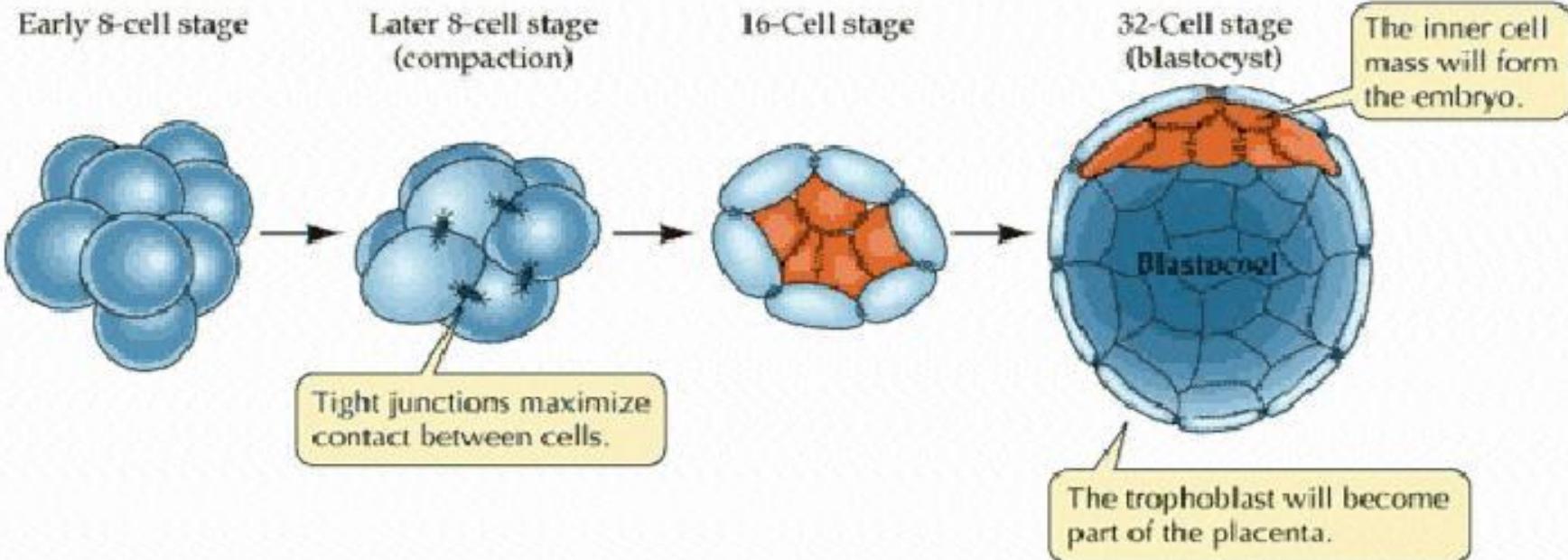
Totipotentní buňky

- 1- až 8-buněčné embryo (= Embryonální nespecifikované - pouze savci)
- Omezené možnosti dělení (neprobíhá transkripce; myš 2/4 b., člověk 8 b.)
- Existují pouze přechodně



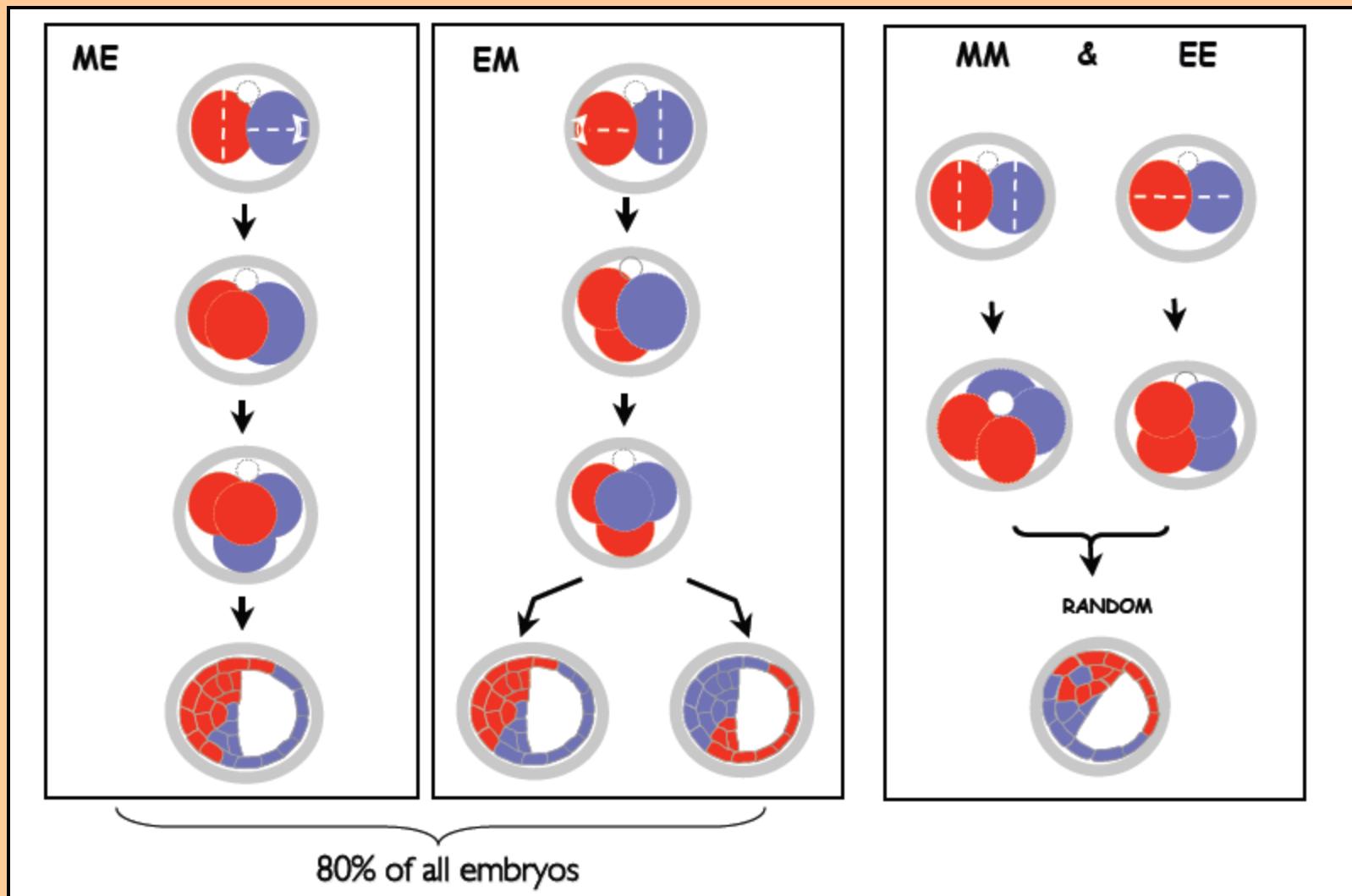
Ztráta totipotence v průběhu časné embryogeneze

- vznik nerovnoměrných podmínek pro růst buněk
- tento proces je irreverzibilní

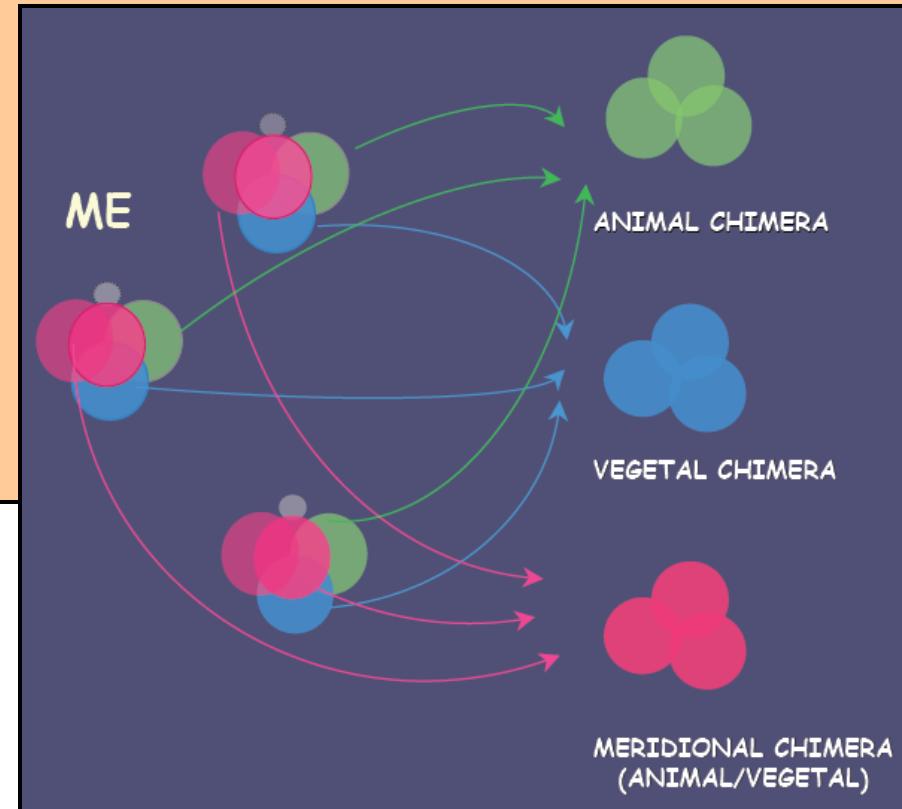
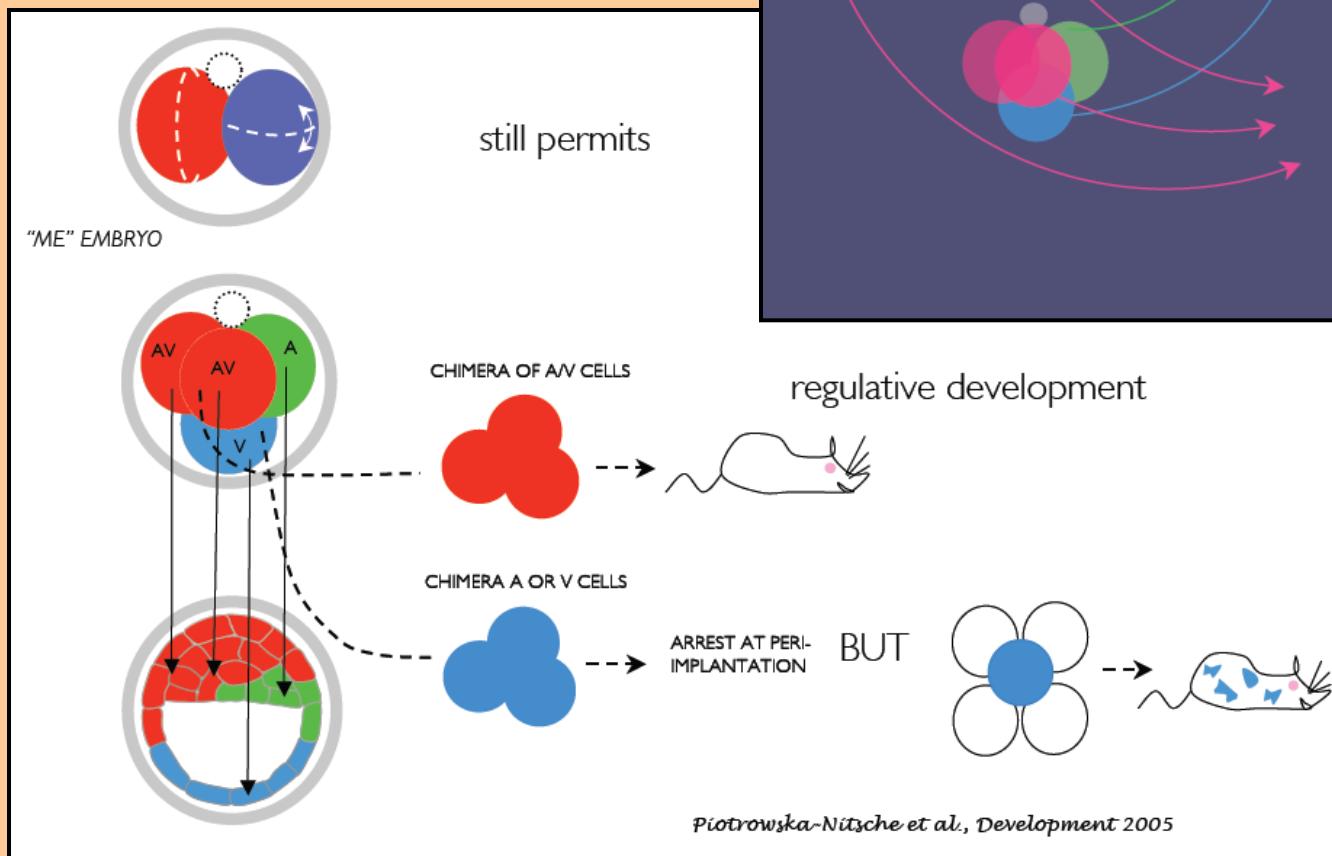


Dělení buněk 2-buněčného embrya, určení polarity a její vliv na další osud blastomer

Magdalena Zernicka-Goetz 2006



Orientace blastomer 4-buněčného embrya a její vliv na zachování absolutní totipotence těchto buněk



Pluripotentní buňky (savci)

a) In vivo:

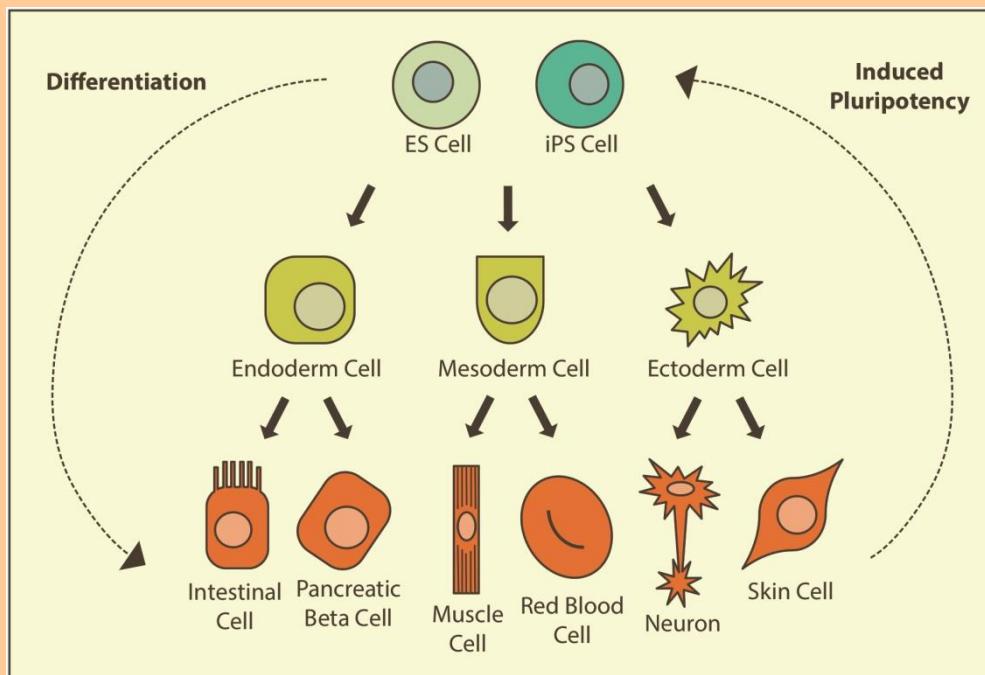
buňky vnitřní buněčné masy /embryoblastu

buňky epiblastu / primitivního ektodermu

(buňky nerální lišty (4tý zárodečný list) - široce multipotentní)

kmenové buňky teratomů (?)

(! (somatické kmenové buňky?))



b) In vitro:

embryonální kmenové buňky

embryonální zárodečné buňky

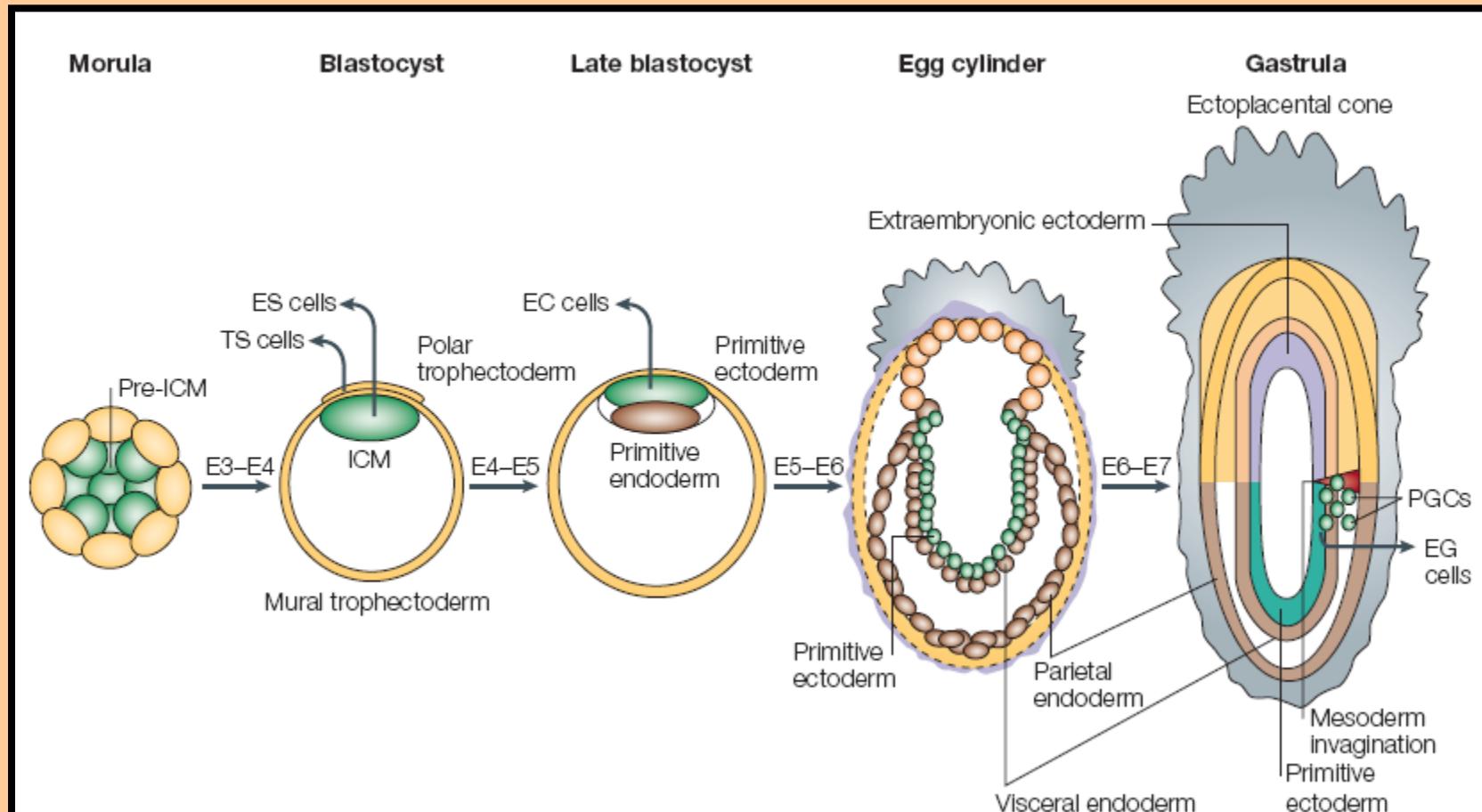
embryonální nádorové buňky
(kmenové buňky teratomů)

indukované pluripotentní kmenové buňky

(buňky nerální lišty (4tý zárodečný list) - široce multipotentní)

(spermatogoniální kmenové buňky)
(z dospělých varlat)

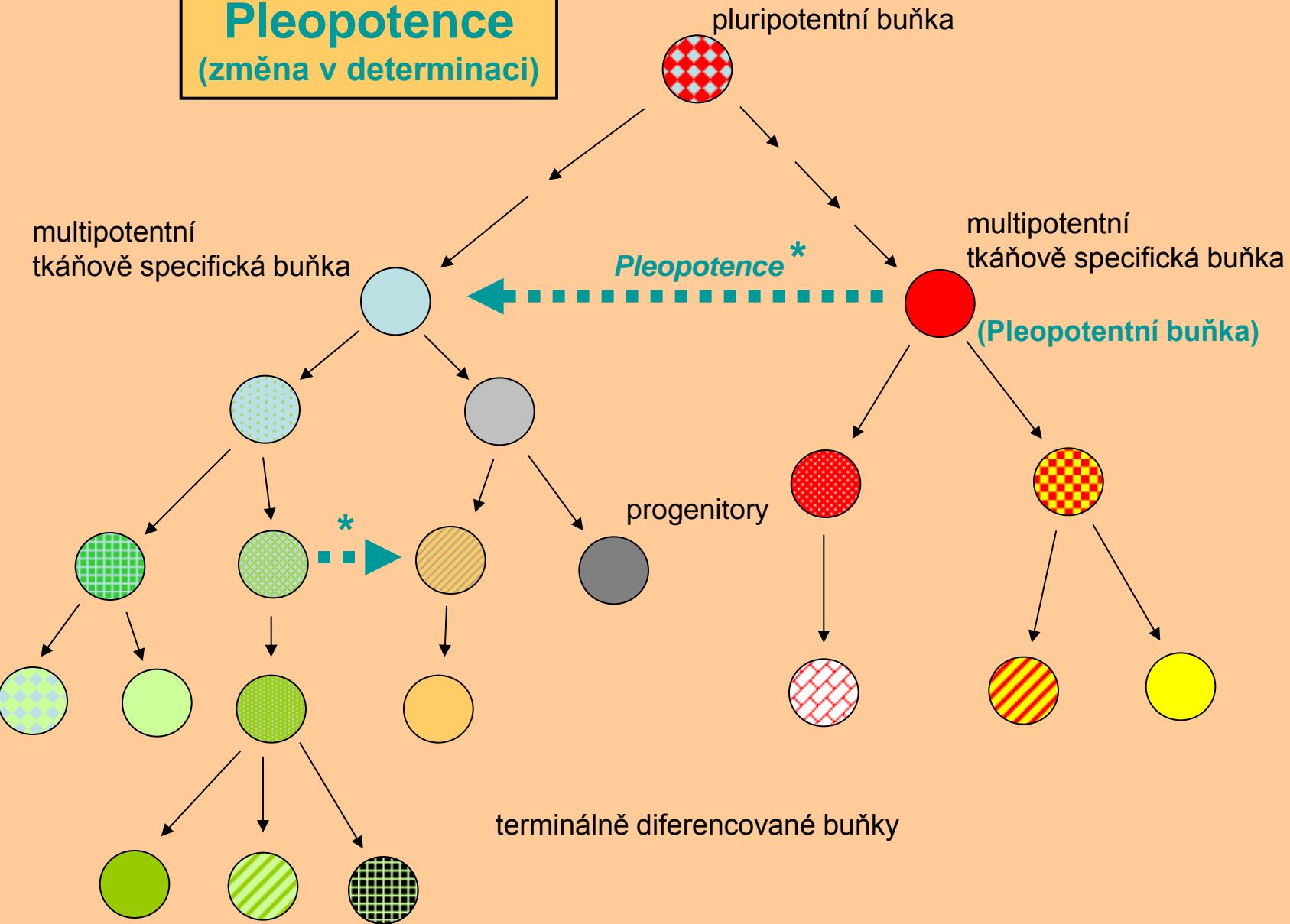
(! (somatické kmenové buňky?))



Boiani & Scholer 2005

Kmenové buňky mohou být pluripotentní, multipotentní,...
ale pluripotentní nebo multipotentní buňky nemusí být kmenové.

Pleopotence (změna v determinaci)



KMENOVÉ BUŇKY

Schopnost sebeobnovy = self-renewal

Schopnost dávat vznik jiným typům buněk = pluripotence / multipotence / => kmenovost = stemness

- Společné znaky s embryonálními a nádorovými buňkami, nezralý fenotyp / relativně nediferencované (= dlouhé telomery / vysoká aktivita telomeráz, specifické proteinové markery, velký jádro / plasmový poměr,...)
= **VYHRAZENÉ (PROFESIONÁLNI) KMENOVÉ BUŇKY**
- Některé somatické, terminálně diferencované buňky si zachovávají schopnost sebeobnovy a v případě potřeby i multipotence, normálně jsou ale quiescentní (spící)
= **FAKULTATIVNÍ KMENOVÉ BUŇKY** (snad některé hepatocyty a buňky plicních epitelů, tkáňové makrofágy / mikroglie, ...)
- Některé diferencované buňky si také dlouhodobě zachovávají schopnost proliferace, sebeobnovování a podílejí se tak na udržení homeostáze v tkáni
= **Sebeobnovující se diferencované buňky** (některé glie, některé lymfocyty...)

KMENOVÉ BUŇKY PRIMÁRNÍ = existují „in vivo“

- dávají vznik buňkám dané buněčné struktury / tkáně / orgánu / (organismu)
- relativně pomalá proliferace
- jsou nejčastěji multipotentní, snad některé i pluripotentní či unipotentní
- jsou základním zdrojem buněk pro regeneraci organismu a homeostázi
- mají schopnost sebeobnovy (**self-renewal**) = *in vivo* asymetrické dělení
- s věkem jich ubývá, ale pravděpodobně nikdy během života jedince úplně nevymizí

profesionální SC

- v tkáni jsou lokalizovány ve specifické oblasti, „niche“ (koutek)
- mají společné znaky s embryonálními a nádorovými buňkami = dlouhé telomery, specifické proteinové markery, velký jádro / plasmový poměr,...
- ???

Somatické kmenové buňky (embryonální a adultní)

Buňky některých zárodečných linií (neurální lišta)
a kmenové buňky trofoblastu

KMENOVÉ BUŇKY ODVOZENÉ/SEKUNDÁRNÍ = existují jen „in vitro“

- jsou připravené z populací pluripotentních embryonálních buněk, ze zárodečných buněk, nebo z progenitorů embryonálních a dospělých tkání, genetickými manipulacemi a speciálními kondicemi i ze somatických buněk
- relativně rychle proliferují
- některé jsou multipotentní (z embryonálních a dospělých tkání), některé pluripotentní (embryonální původ)
- mohou být zdrojem buněk pro regeneraci organismu
- mají schopnost sebeobnovy (**self-renewal**) = „asymetrické/symetrické“ dělení
- mají společné znaky s embryonálními a nádorovými buňkami = dlouhé telomery,
specifické proteinové markery, velký jádro / plasmový poměr,...
- Problémy s jejich udržením - stabilita genotypu/fenotypu
- ???

Embryonální kmenové buňky

-> odvozené z vnitřní buněčné masy

(Kmenové buňky epiblastu)

Embryonální zárodečné buňky

-> odvozené z primordiálních zárodečných buněk

Embryonální nádorové buňky

-> odvozené z kmenových buněk teratomů

Somatické kmenové buňky odvozené

-> odvozené ze somatických kmenových buněk

Indukované kmenové buňky (pluripotentní (iPSC) x somatické)

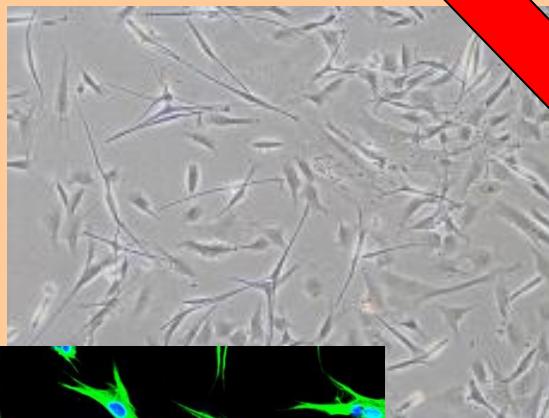
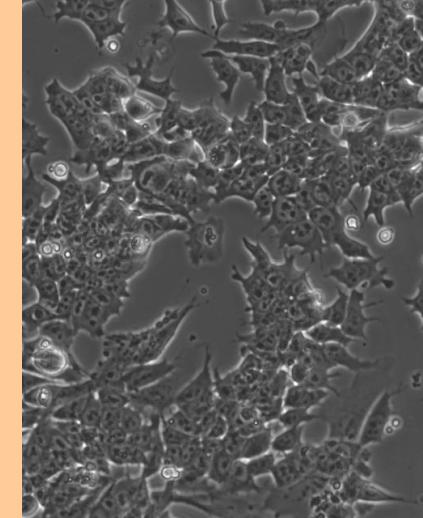
-> připravené ze somatických buněk genetickými manipulacemi a speciálními podmínkami

IDENTIFIKACE KMENOVÝCH BUNĚK

fenotyp x funkce

Fenotyp

- Morfologie
- Exprese specifických genů (qRT-PCR)
- Exprese specifických proteinů (imuno metody)
- funkční testy (vedení vzruchu, stah, sekrece, fagocytóza,...)
=> odpovídající roly!!! (Nejlépe odpovídající tkáně a buňky vzniklé přirozeně)



Funkce

Kmenové buňky musí být schopny tvořit odpovídající potomky, odpovídající buněčné typy v rámci možností své potence (sebeobnova a diferenciace)

Fig. 3

