

## 5 Spojité náhodné veličiny

- spojitá náhodná veličina: hustota, distribuční funkce
- graf hustoty, pst je vyjádřena jako plocha pod křivkou

### 5.1 Normální rozdělení $N(\mu, \sigma^2)$

- $X \sim N(\mu, \sigma^2)$
- Náhodná veličina  $X \sim (\mu, \sigma^2)$  má hustotu

$$f(x) = \frac{1}{\sigma\sqrt{2\pi}} e^{-\frac{(x-\mu)^2}{2\sigma^2}}. \quad (1)$$

- Pro  $\mu = 0$  a  $\sigma^2 = 1$  se jedná o standardizované normální rozdělení, píšeme  $X \sim N(0, 1)$ . Hustota má tvar

$$f(x) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}} e^{-\frac{x^2}{2}}. \quad (2)$$

- $E[X] = \mu, D[X] = \sigma^2$
- `dnorm(x, mu, sigma)`; `pnorm(x, mu, sigma)`

**Příklad 5.1.** Na základě datového souboru obsahujícího osteometrická data klíční kosti (*clavicula*) anglického souboru dokumentovaných skeletů (Parsons, 1916) byla odhadnuta střední hodnota a směrodatná odchylka délky pravé klavikuly u mužů. Střední hodnota  $\mu = 151.74$  mm, směrodatná odchylka  $s = 11$  mm. Za předpokladu, že data pochází z normálního rozdělení vypočítejte, jaká je pravděpodobnost, že délka pravé klavikuly u mužů bude

a. rovná 150 mm;

.....  
.....

```
data <- read.delim('paired-means-clavicle2.txt', header=T)
#head(data)
length.l <- data$length.L
length.rm <- data$length.R[data$sex=='m']

m <- mean(length.rm) # 152
s <- round(sd(length.rm)) # 11
mu <- m
sigma <- 11
0
```

b. menší než 140 mm;

.....  
.....

`pnorm(140, mu, sigma)`

c. větší než 160 mm;

.....  
.....

`1-pnorm(160, mu, sigma)`

d. v rozmezí 140–160 mm.

.....  
.....

`pnorm(160, mu, sigma)-pnorm(140, mu, sigma)`

$X$  .....

$X \sim N(\dots, \dots)$ .

ad a. Pravděpodobnost, že délka pravé klavikuly u mužů bude rovná 150 mm je ....., protože data pochází z normálního rozdělení, což je ..... typ rozdělení a proto  $\Pr(X = 150) = \dots$  .

ad b. Pravděpodobnost, že délka pravé klavikuly u mužů bude menší než 140 mm je .....  
.

ad c. Pravděpodobnost, že délka pravé klavikuly u mužů bude větší než 160 mm je .....  
.

ad d. Pravděpodobnost, že délka pravé klavikuly u mužů bude v rozmezí 140–160 mm je .....  
.

## 5.2 Aplikace Moivrový a Laplaceovy věty

- $X_1, \dots, X_n$  jsou stochasticky nezáv. náh. veličiny,  $X_1 \sim \text{Alt}(\theta), \dots, X_n \sim \text{Alt}(\theta)$ . Pak jejich součet  $Y_n = \sum_{i=1}^n X_i$  má binomické rozdělení  $\text{Bin}(n, \theta)$ . Střední hodnota veličiny  $Y_n$  je  $EY_n = n\theta$ , rozptyl  $DY_n = n\theta(1 - \theta)$ . Podle centrální limitní věty se standardizovaná náhodná veličina  $\frac{Y_n - n\theta}{\sqrt{n\theta(1 - \theta)}}$  asymptoticky řídí standardizovaným normálním rozdělením  $Y_n \sim N(0, 1)$ .

**Příklad 5.2.** Pravděpodobnost výskytu dermatoglyfického vzoru *vír*  $\Pr(\text{vír}) = 0.533$ . Vypočítejte,

I. jaká je pravděpodobnost, že mezi 10 muži bude výskyt dermatoglyfického vzoru *vír*

a. alespoň u 6 mužů;

```
# a)
p <- 0.553
N <- 10
1-pbinom(5, N, p)
# b)
1-pnorm(5, N*p, sqrt(N*p*(1-p)))
```

b. u dvou, tří, čtyř, nebo pěti mužů.

```
# a)
p <- 0.553
N <- 10
sum(dbinom(2:5, N, p))
#pbinom(5, N, p)-pbinom(1, N, p)
# b)
pnorm(5, N*p, sqrt(N*p*(1-p)))-pnorm(1, N*p, sqrt(N*p*(1-p)))
```

II. jaká je pravděpodobnost, že mezi 300 muži bude výskyt dermatoglyfického vzoru *vír*

a. alespoň u 180 mužů;

```
# a)
p <- 0.553
N <- 300
x <- 180
1-pbinom(x, N, p)
# b)
1-pnorm(x, N*p, sqrt(N*p*(1-p)))
```

b. u 160–180 mužů.

```
# a)
p <- 0.553
N <- 300
sum(dbinom(160:180, N, p))
#pbinom(180, N, p)-pbinom(159, N, p)
# b)
pnorm(180, N*p, sqrt(N*p*(1-p)))-pnorm(159, N*p, sqrt(N*p*(1-p)))
```