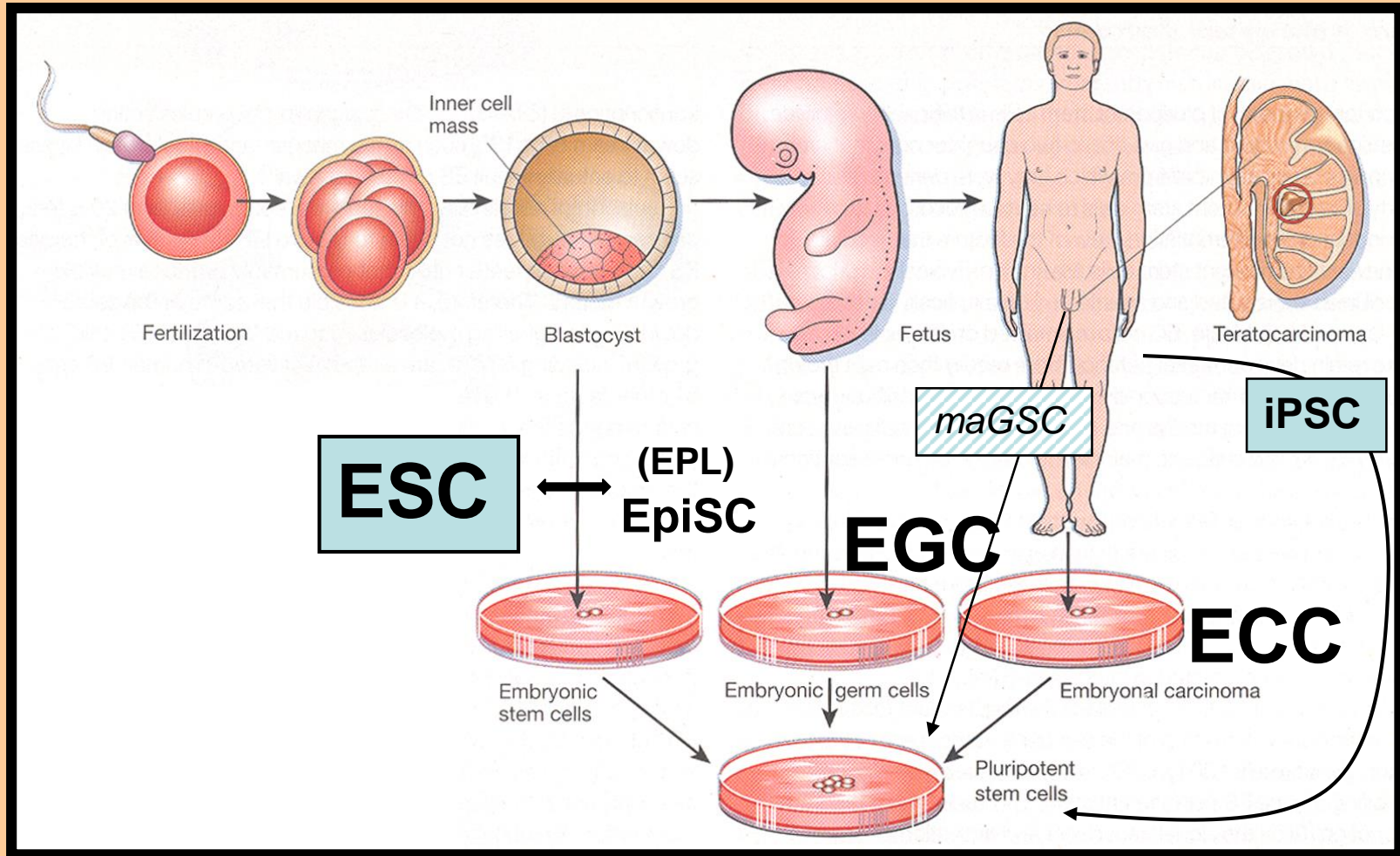


Pluripotentní, odvozené kmenové buňky



Embryonální kmenové buňky (Embryonic stem cell – ESC)

Embryonální zárodečné buňky (Embryonic germ cell – EGC)

Embryonální nádorové buňky (Embryonal carcinoma cell – ECC)

Kmenové buňky epiblastu (Epiblast stem cell – EpiSC)

Early-primitive ectoderm-like – EPL

Indukované pluripotentní kmenové buňky (Induced pluripotent stem cell – iPSC)

(Multipotentní dospělé zárodečné kmenové buňky – maGSC)

Embryonální kmenové buňky (Embryonic stem cell) ESC

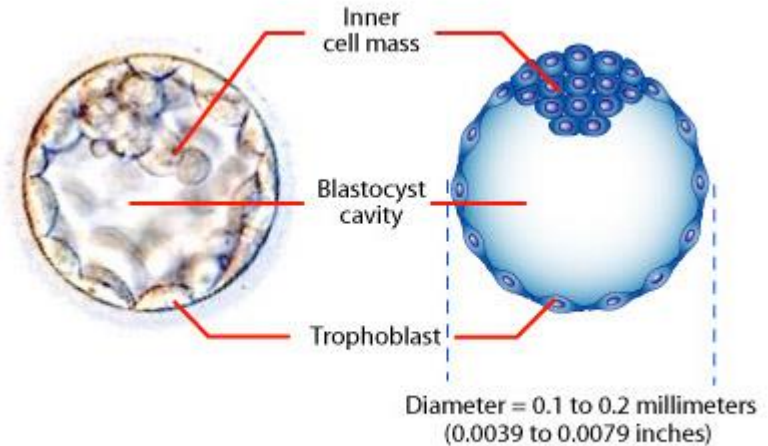
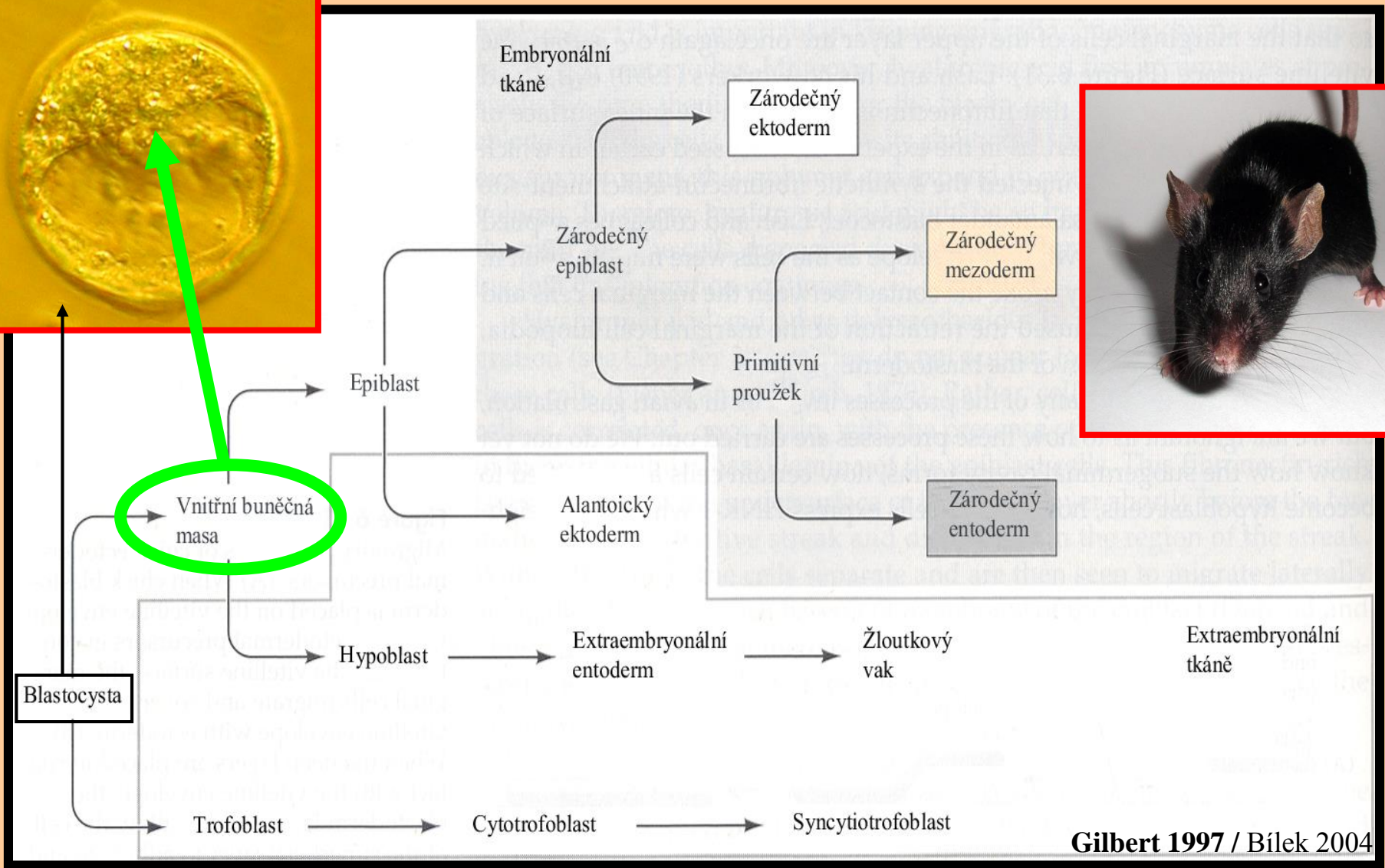
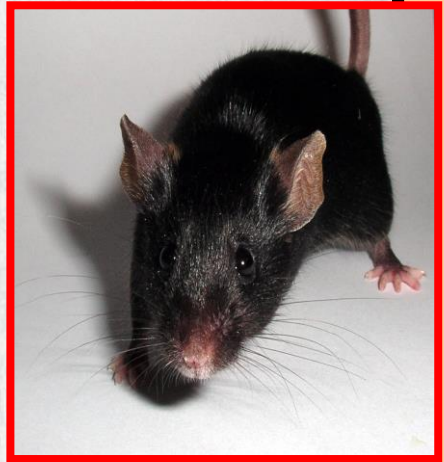


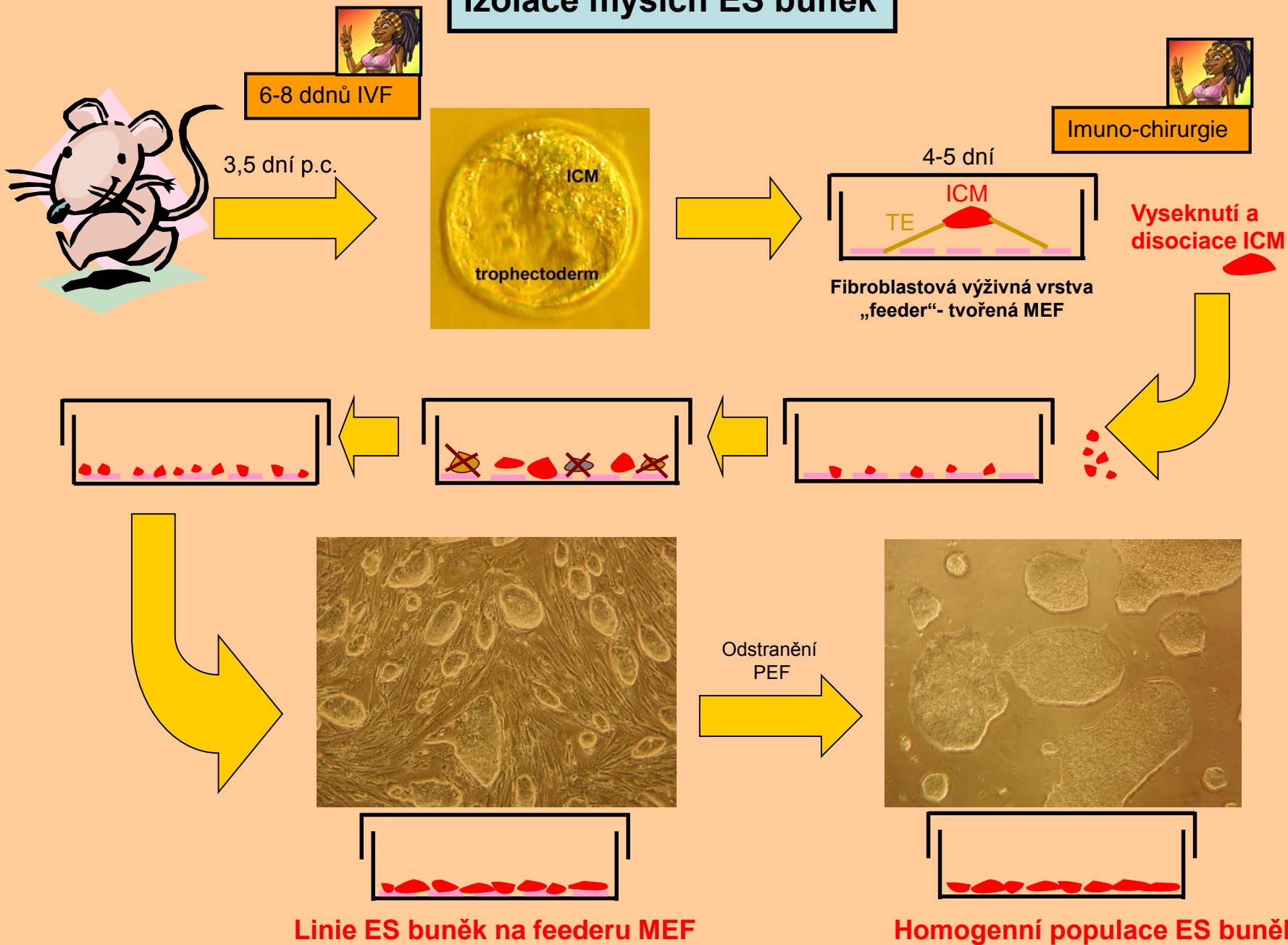
Illustration by [Cell Imaging Core](#) of the Center for Reproductive Sciences.

- jsou odvozené z vnitřní buněčné masy blastocysty
- fenotypem odpovídají přibližně buňkám vnitřní buněčné masy (mESC, ICM – inner cell mass) nebo epiblastu (hESC, EpiSC)
- jsou pluripotentní
- přirozeně neexistují, pouze *in vitro*
- jsou nesmrtelné
- mají schopnost si udržet stabilní genotyp (!?)
- po injikaci do imunitně tolerantního organismu tvoří teratomy (důkaz pluripotence)
- po injikaci do blastocysty mají schopnost tvořit kompletní chiméry (známo jen u mESC (ale také u mECC, mEGC a miPSC), důkaz pluripotence)

Ontogeneze a diferenciační potenciál buněk vnitřní buněčné masy



Izolace myších ES buněk



Linie ES buněk na feederu MEF

Homogenní populace ES buněk

TERATOM

Nádor, který obsahuje buňky více jak jednoho zárodečného listu, většinou všech tří. Tyto buňky mohou být fenotypu od časných stádií až po terminálně diferencované

Teratomy jsou typické nádory původem ze zárodečných buněk (ovariální a testikulární teratomy). Teratomy jsou jak benigní, tak maligní (teratokarcinom)

Kmenové buňky teratokarcinomu = embryonální nádorové buňky
(Embryonal carcinoma (EC) cells)



CHIMÉRA

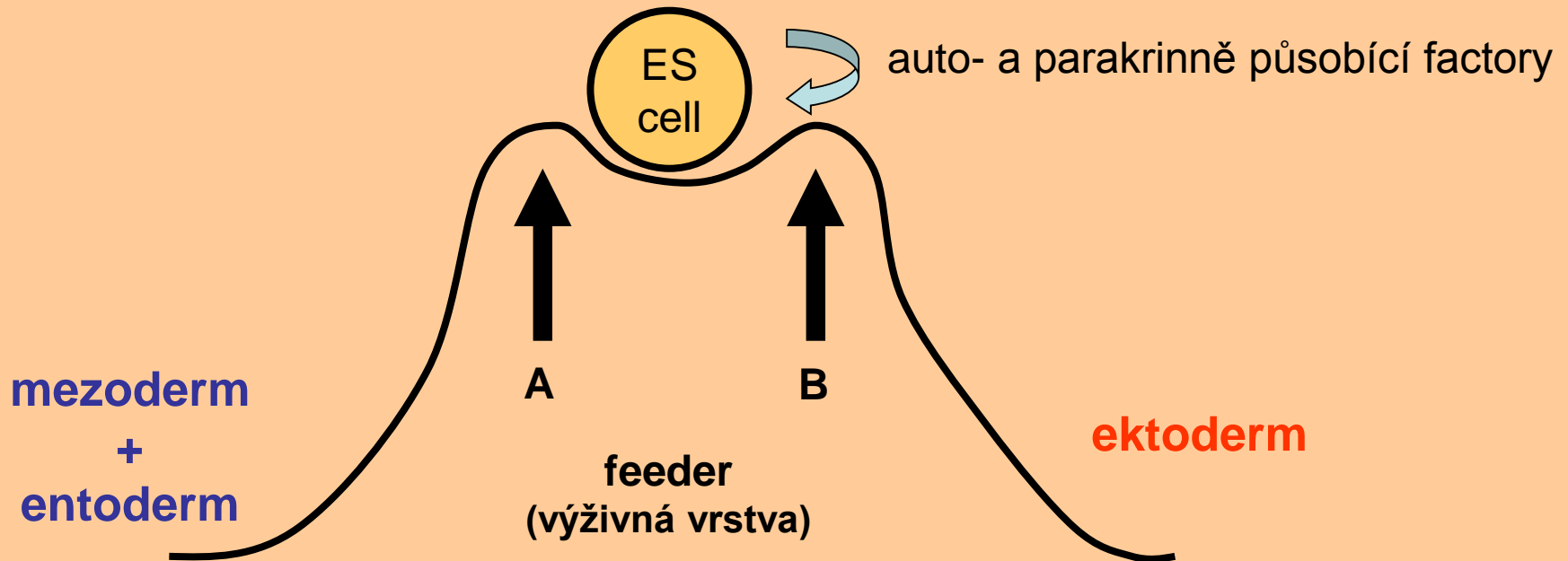
Organismus je směsí geneticky odlišných buněk / tkání / orgánů

Chimeričtí jedinci vzniklí injikací ES buněk (dárce) do blastocysty (příjemce) jsou směsí geneticky odlišných buněk na úrovni všech tkání, a tak také vytváří pohlavní buňky s genotypem jak dárce, tak příjemce!

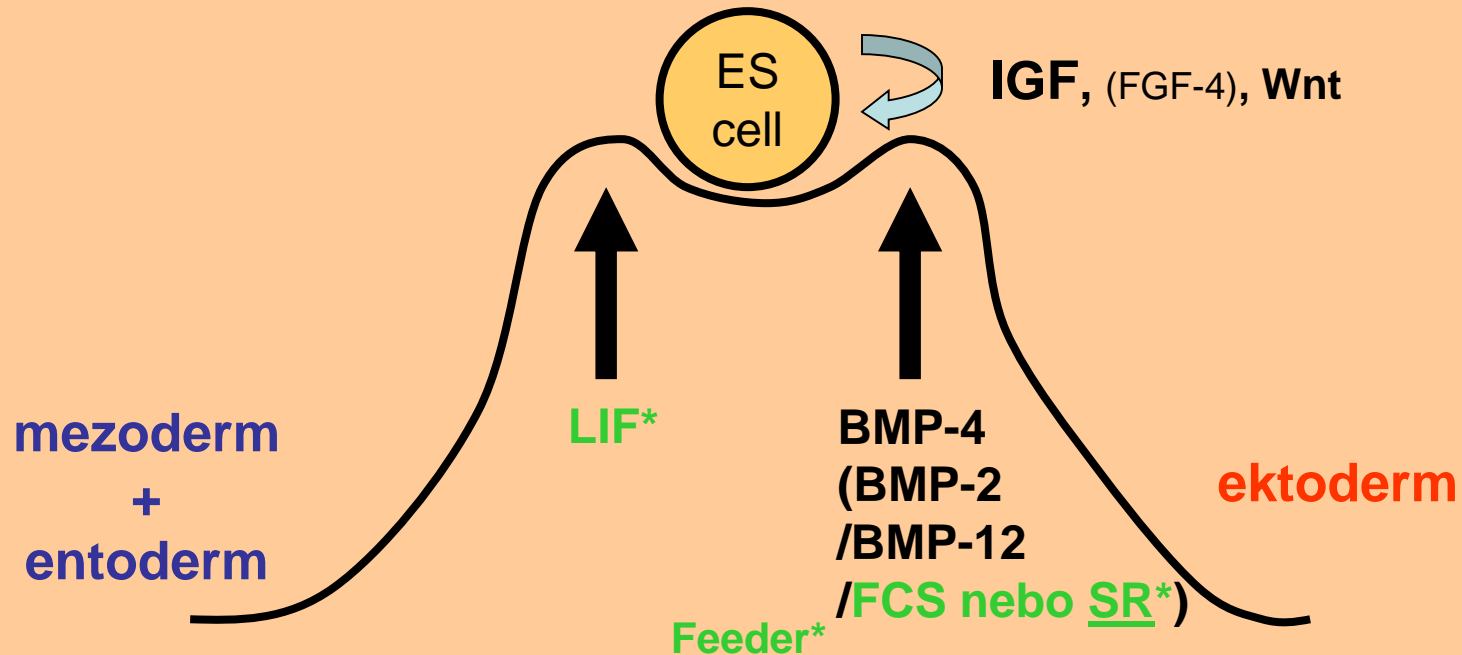


Obecný model inhibice diferenciacie ES buněk

- ES buňky spontáně diferencují, v kultuře je třeba této diferenciaci zabránit
- diferenciacie je často spojená s apoptózou
- vhodnými kultivačními podmínkami, lze diferenciaci inhibovat
- faktory inhibující diferenciaci ES buněk se částečně liší u různých druhů, ale existují výjimky i v rámci jednoho druhu!



Model inhibice diferenciace myších ES buněk



- existují i linie mES buněk nezávislé na LIF
- zdá se, že z LIF závislé linie, lze vyselektovat LIF nezávislou (!?)
- mES buňky pěstované bez „feederu“ ztrácí schopnost tvořit chiméry *in vivo*
- některé linie nelze bez „feederu“ pěstovat vůbec

⇒ vlastnosti mES buněk jsou ovlivněny genotypem imbredního kmene myši z kterého byly izolovány!

LIF – leukemia inhibitory factor

BMP-2,4,12 bone morphogenetic protein 2,4,12

FCS – fetal calf serum

FGF-4 – fibroblast growth factor

SR – serum replacement

*ABSOLUTNÍ OPTIMUM

Růst a kultivace ES buněk

PROLIFERACE – DIFERENCIACE - APOTÓSA

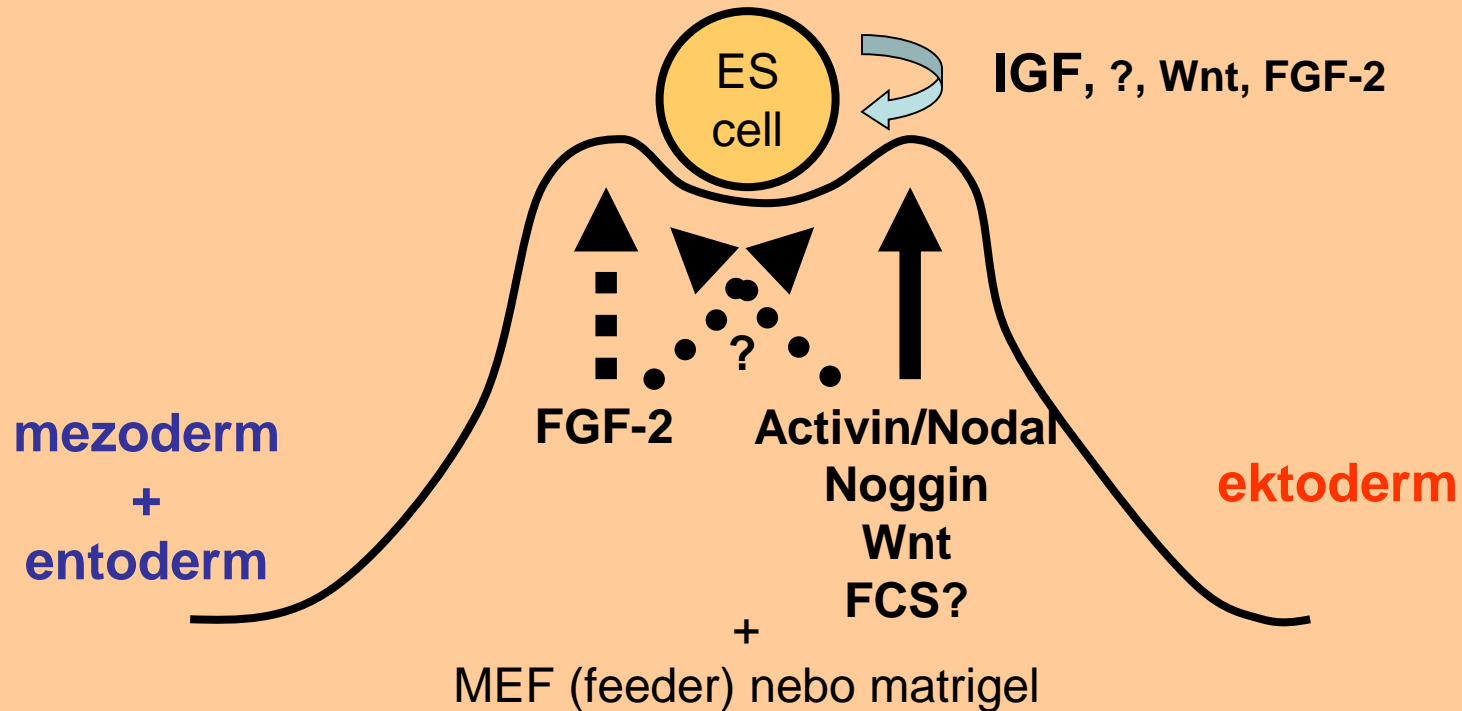
Existence a charakter ES buněk je udržován kombinací účinků vnějších (**extrinsic**) a vnitřních (**intrinsic**) faktorů. Vnější faktory si ES buňky částečně syntetizují samy, ale ve větší míře musí být dodávány. Významným zdrojem těchto faktorů je výživná vrstva na které se ES buňky kultivují = **FEEDER**. Vnitřní faktory si ES buňky nesou jako pozůstatek svého embryonálního původu.

FEEDER

- výživná vrstva = zdroj růstových faktorů (cytokiny, ECM, ..) a vhodný podklad
- nejčastěji se používají myší embryonální fibroblasty (13d p.c., MEF (PEF))
- bez „feederu“ z MEF = definované podmínky, ale horší ES buňky
- tendence používat druhově identické MEF = snížení rizika přenosu virů, ...
- MEF lze nahradit i jinými typy fibroblastů případně jinými buňkami
- MEF lze částečně nahradit komponenty ECM, specifickými cytokiny a přísadami, matrigelem, ..., obecně definovanějšími preparáty

Důležitou komponentou kultivačního média pro ES jsou také nedefinované faktory séra, které lze nahradit dodáváním specifických růstových faktorů. Často se také používá tzv. Serum-replacement = lépe definovaná náhražka séra (patentované složení).

Model inhibice diferenciace lidských ES buněk



FCS – obsahuje jak diferenciaci indukující, tak diferenciaci inhibující faktory. Kvalitu FCS také ovlivňuje titr protilátek a složek kplementu. FCS se liší mezi jednotlivými šaržemi = je třeba je testovat. Lépe je používat náhrady FCS se sníženou koncentrací negativně působících látek na kultivaci ES buněk, např. Serum-Replacement (fy. Invitrogene-Gibco)

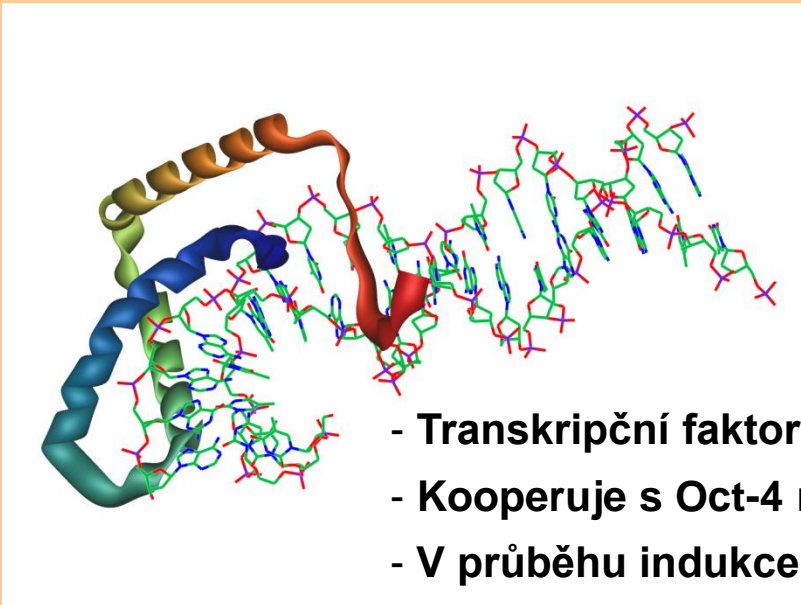
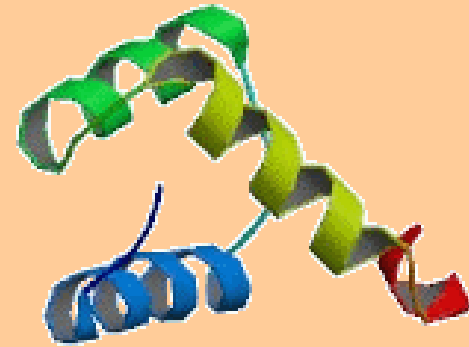
Základní vnitřní faktory charakterizující / regulující ES buňky (pluripotentní embryonální buňky)

Oct-4 (Oct-3/4, Oct-3, *Pou5f1* – master of pluripotency)

- **transkripční faktor, homeoprotein**
- **exprimuje se již u 2/4 (myš – aktivace transkripce) buněčného embrya**
- **ve stádiu moruly je jeho exprese výrazně zvýšena**
- **ve stádiu blastocysty je pouze v buňkách ICM**
- **později jeho exprese vymizí, zachovává se pouze v PGC (a později v zárodečných buňkách)**
- **(nebyl nalezen u kuřat)**
- **reguluje expresi FGF-4 (Oct-4/Sox-2), PDGF α ,**
- **v průběhu diferenciaci za snížení jeho exprese odpovídá GCNF(germ cell nuclear factor, RA (retinoic acid),...**
- **v primitivním ektodermu je exprese Oct-4 podporována LRH-1 (liver receptor homologue 1)**
- **speciální varianta vzniklá alternativním sestřihem, se ale exprimuje i u M Φ**

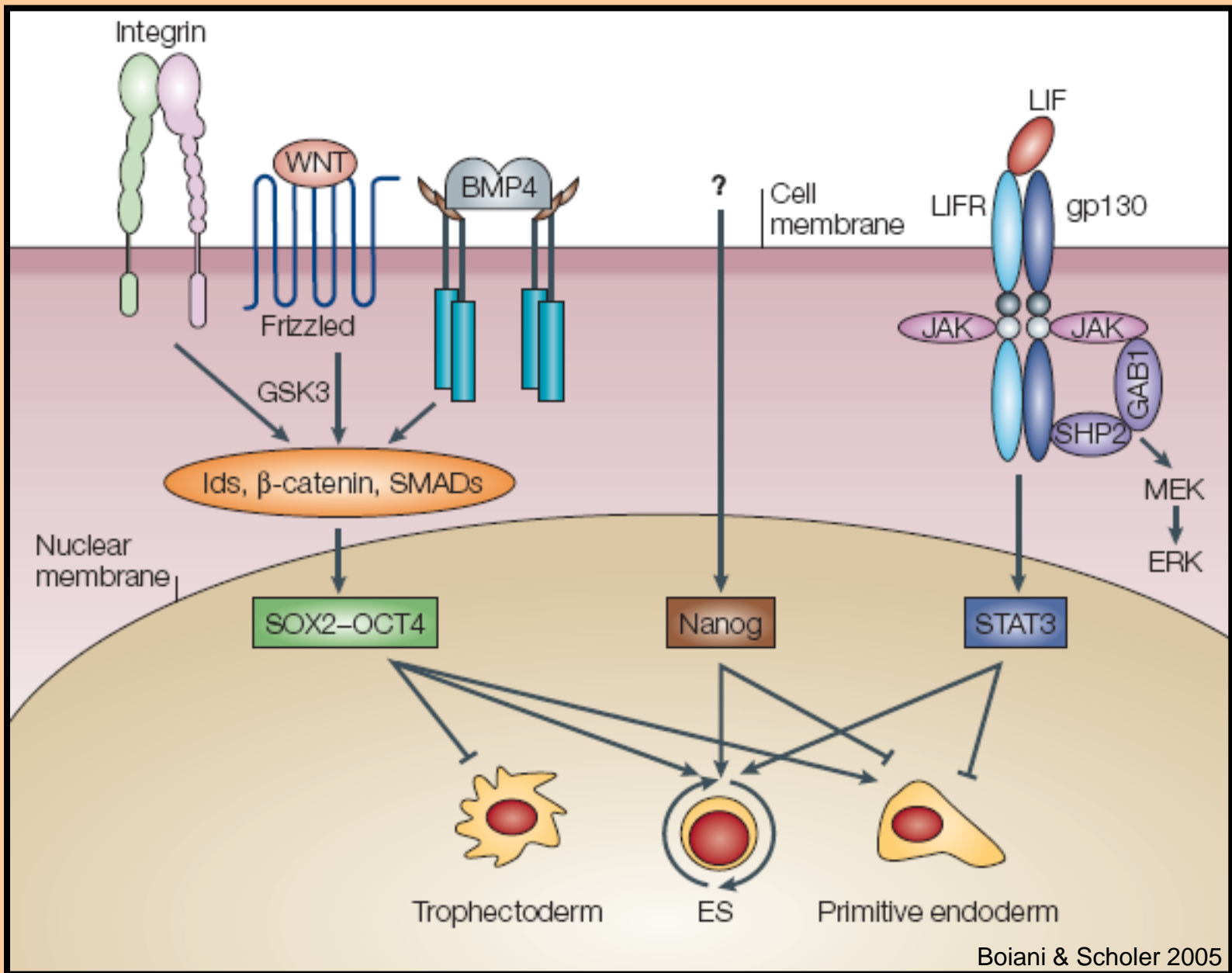
Nanog

- transkripční faktor, homeoprotein
- jeho exprese vede k udržení vysoké hladiny Oct-4
- objevuje se již ve vnitřních buňkách moruly
- později se zdá být nezbytný zejména pro specifikaci PGC!
- (výskyt i u některých progresivních nádorů (?!))



Sox-2

- Transkripční faktor Sry-rodiny (sex-determining region Y protein)
- Kooperuje s Oct-4 na vlastní expresi
- V průběhu indukce neurální diferenciace se jeho exprese zvyšuje



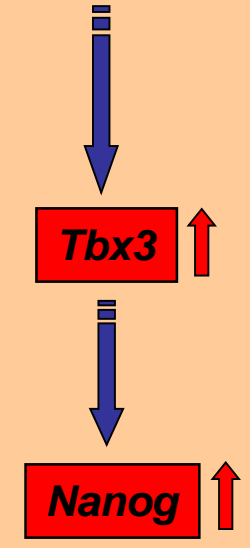
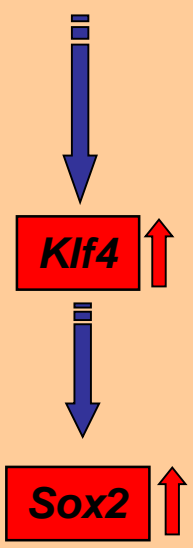
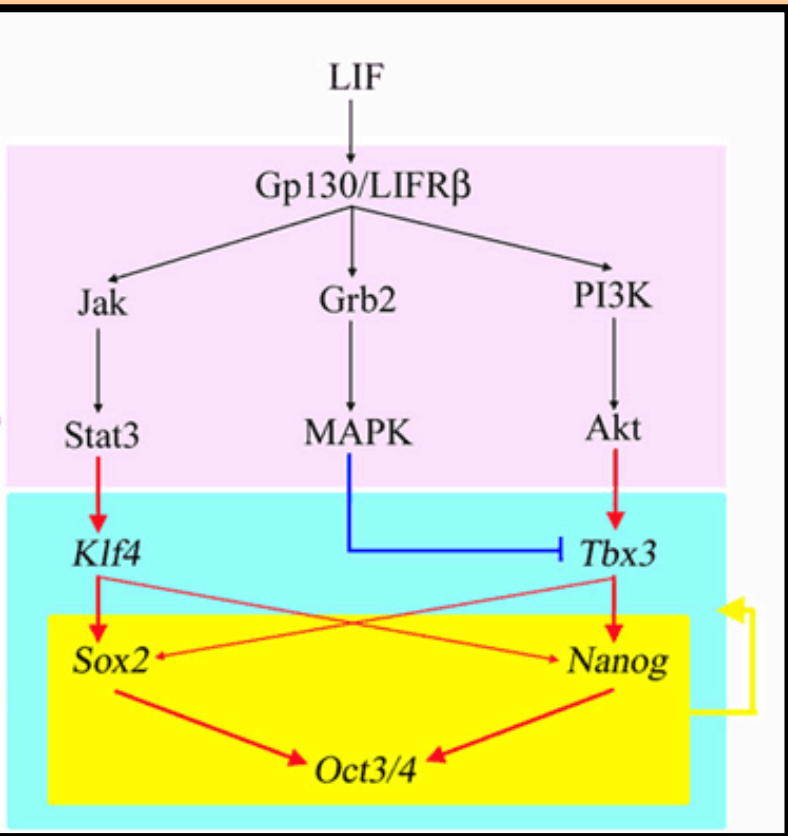
Potencionální mechanismus účinků LIF u mES buněk

LIF/gp130/LIFR

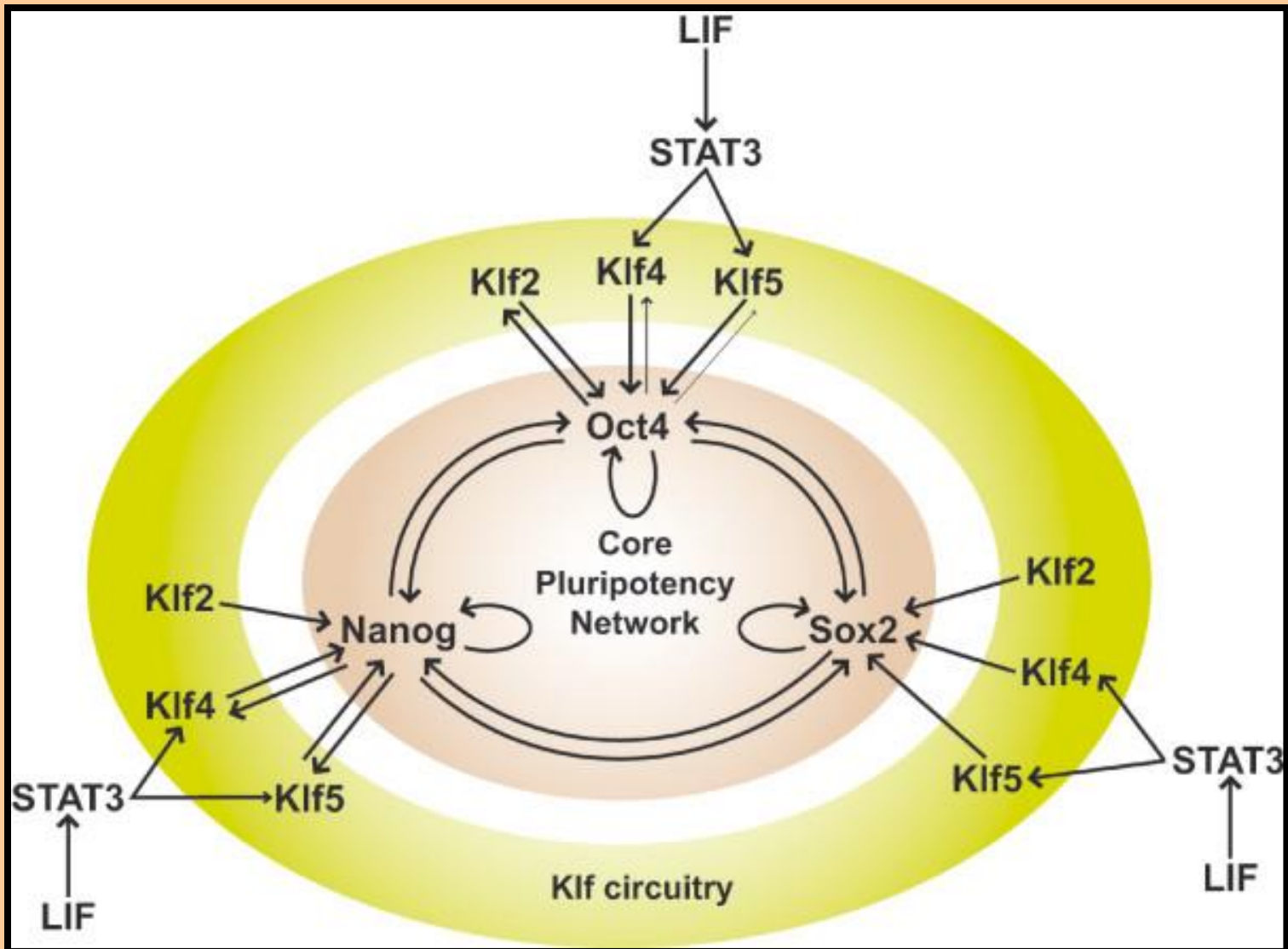
Jak2/STAT3

PI3K/Akt + Erk

Transcription factors Signal transduction



Niwa 2009

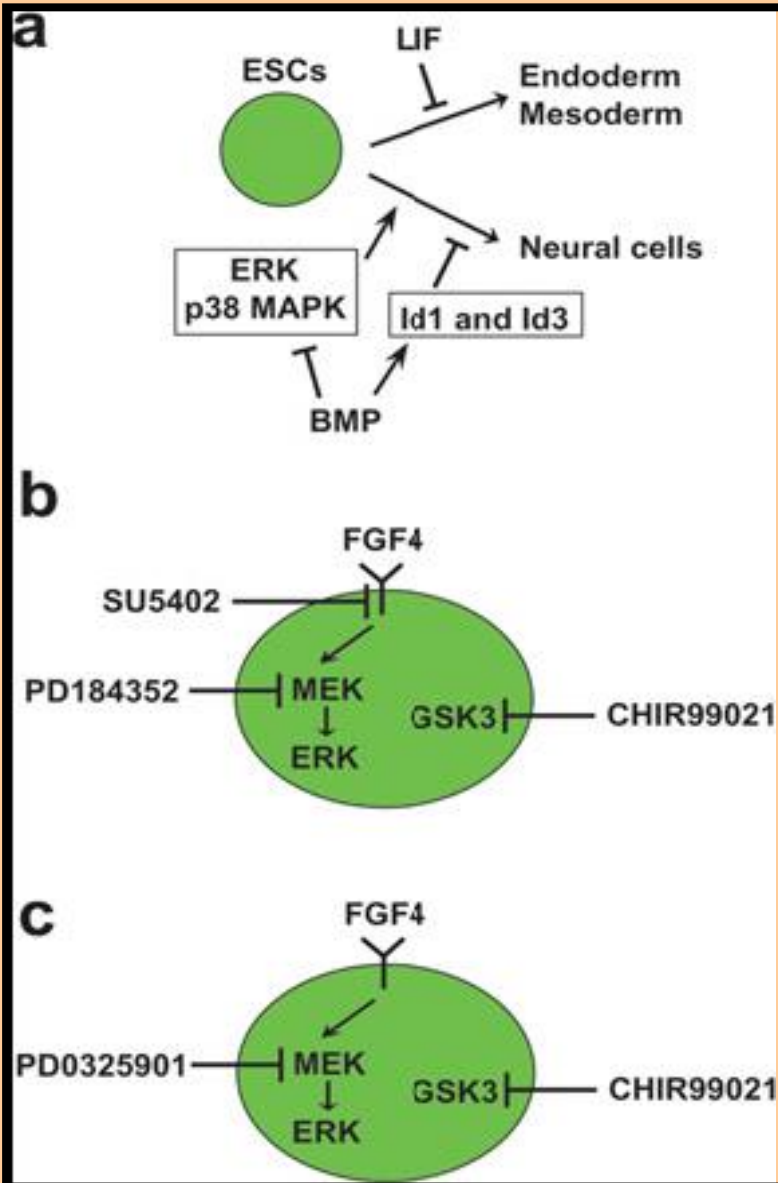


[Krüppel-like transcription factors and control of pluripotency.](#)

Bourillot PY, Savatier P.
 BMC Biol. 2010 Sep 27;8:125

Alternativní kultivace mES protocol 2i/LIF, 3i/LIF

(A. Smith laboratory)



a) standard protocol

b) 3i/LIF protocol

c) 2i/LIF protocol

LIF

(indukce STAT3)

SU5402

(inhibice FGF-R)

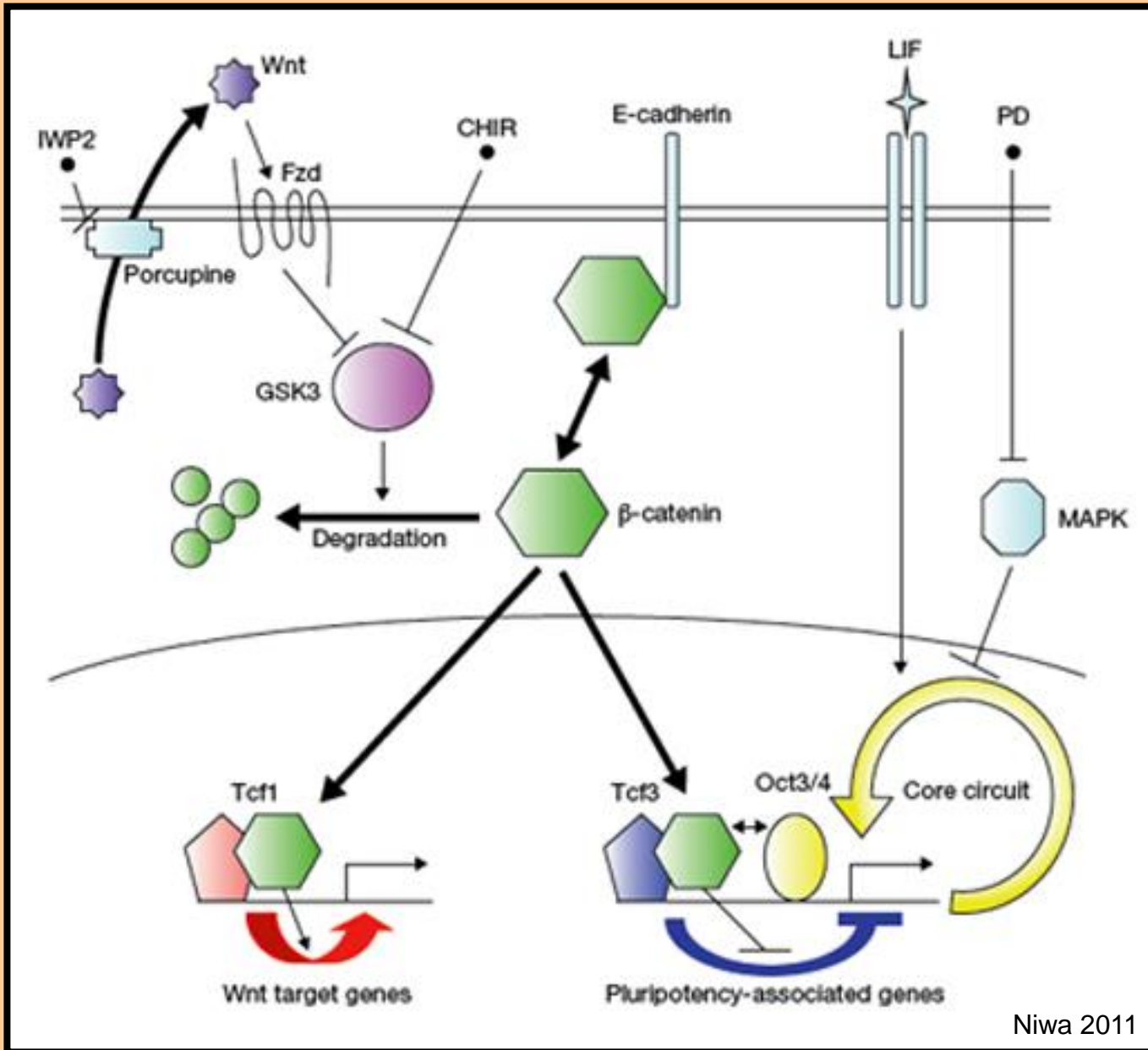
PD0325901 / PD184352

(inhibice Erk signalizace)

CHIR99021

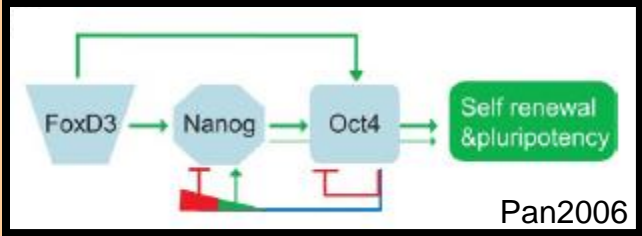
(inhibice GSK3, aktivace Wnt signalizace)

Wnt a mES

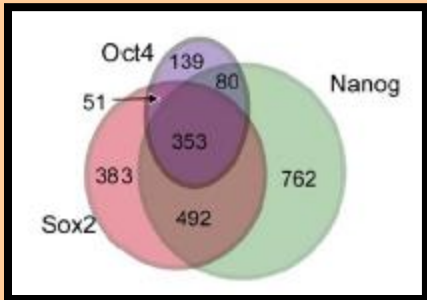


Regulace transkripce faktory Oct-4, Nanog a Sox-2

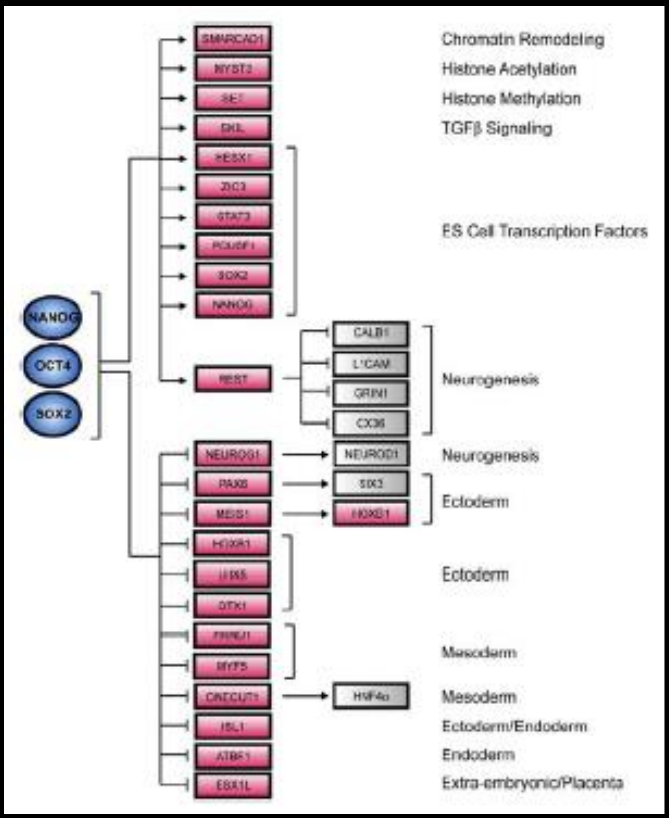
Předpokládaný model vzájemné regulace exprese FoxD3, Nanog a Oct-4 u mES. FOxD3 není exprimován u hES.



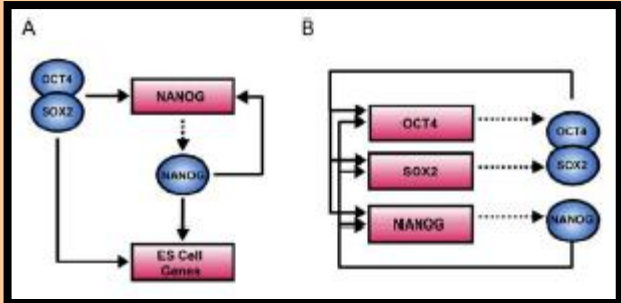
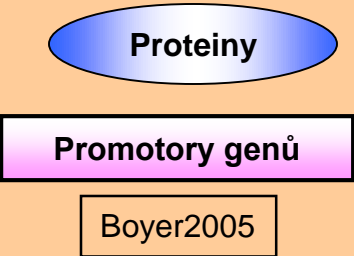
Vzájemná regulace Oct-4 a Nanog není dosud plně objasněna. Je však již jasné, že Oct-4 řídí transkripci Nanog přímou vazbou v jeho promotoru (společně se Sox-2), jak u mES tak hES. Pro self-renewal ES buněk je klíčové zachovat rovnováhu v hladinách Oct-4 a Nanog (viz. níže).



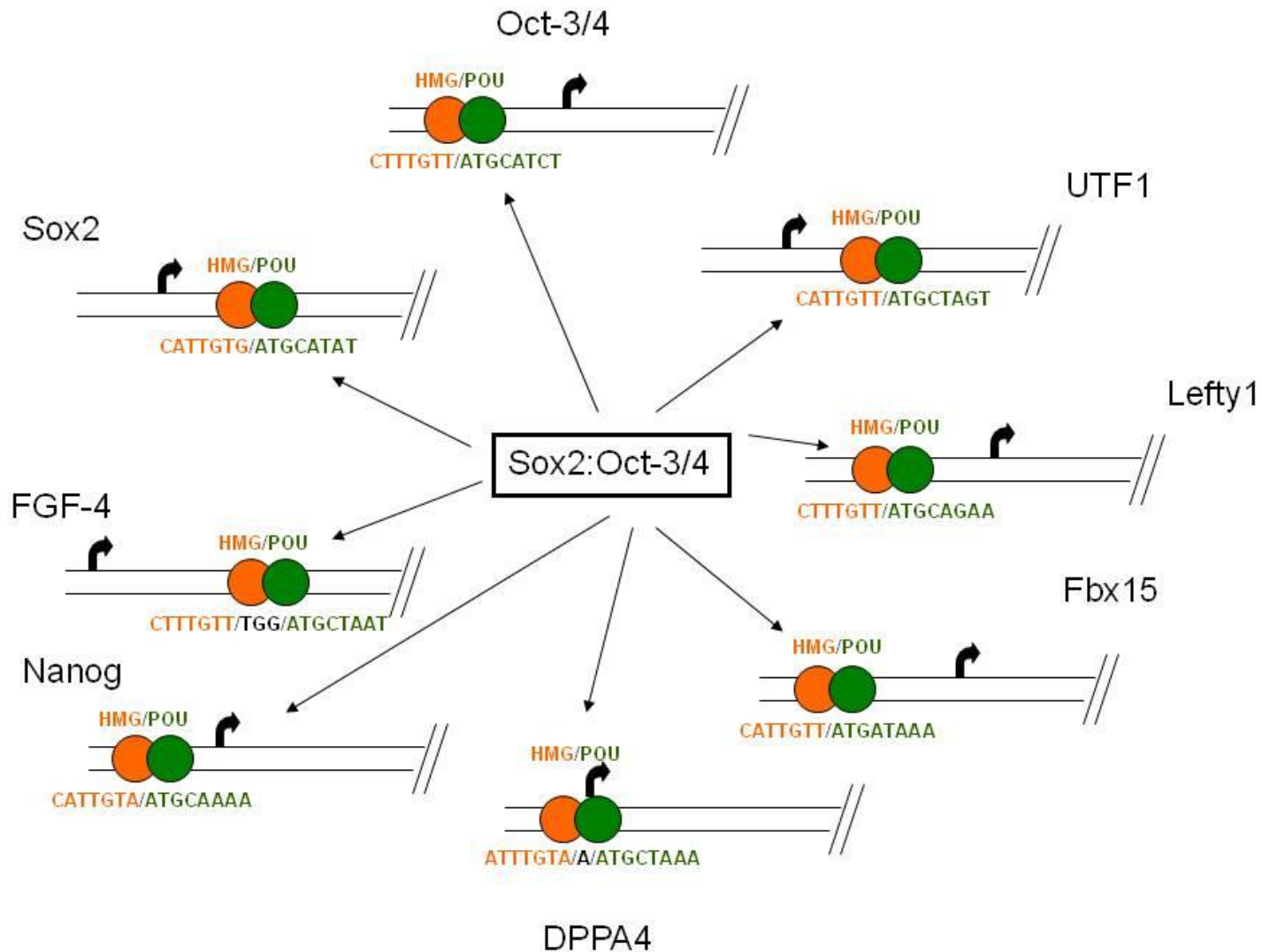
Promotorové sekvence rozpoznávané Oct-4, Nanog a Sox-2 u hES.



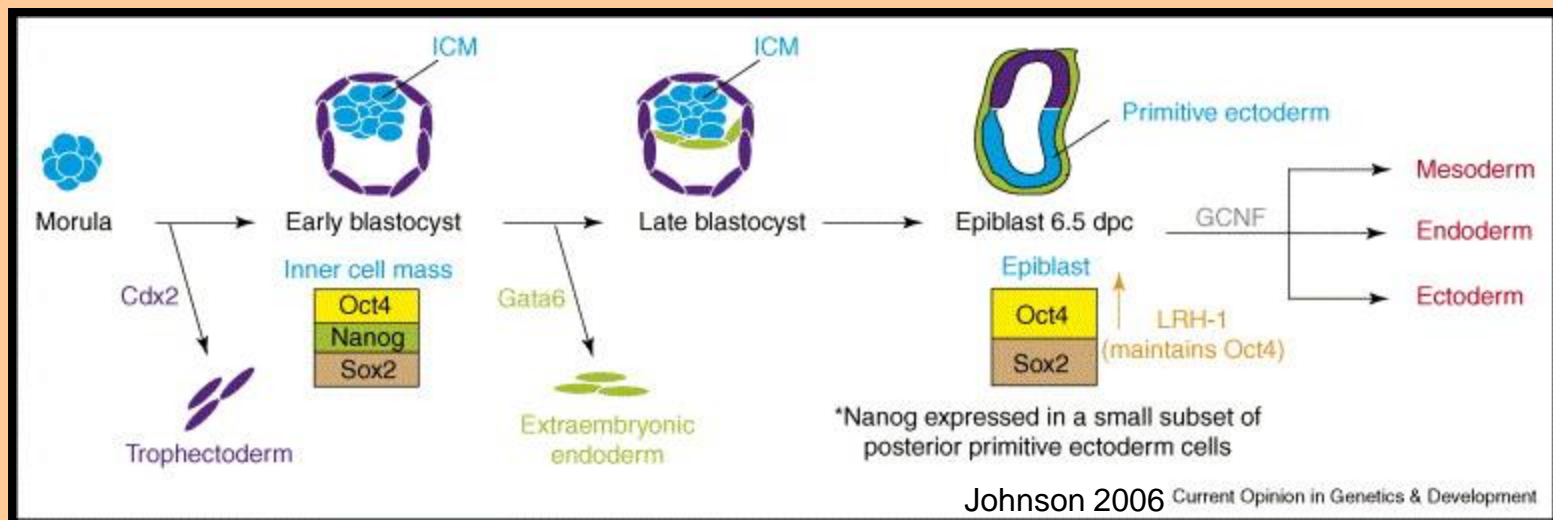
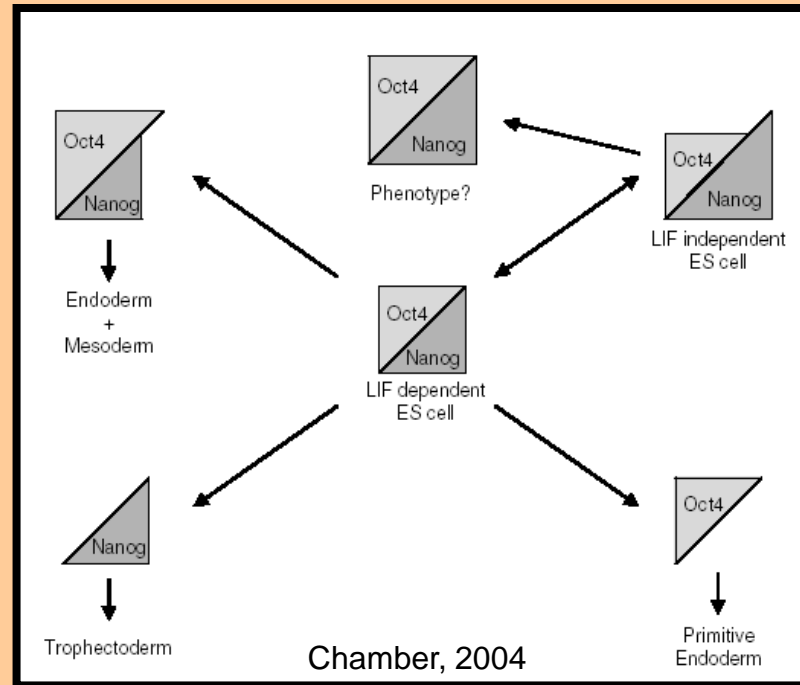
Model vzájemné regulace Oct-4, Nanog a Sox-2 a některé jimi řízené geny u hES.



Příklady vývojově významných genů pod kontrolou heterodimeru Oct4/Sox2



Ztráta pluripotence u ES buněk v důsledku deregulace rovnováhy mezi hladinou Oct-4 a Nanog



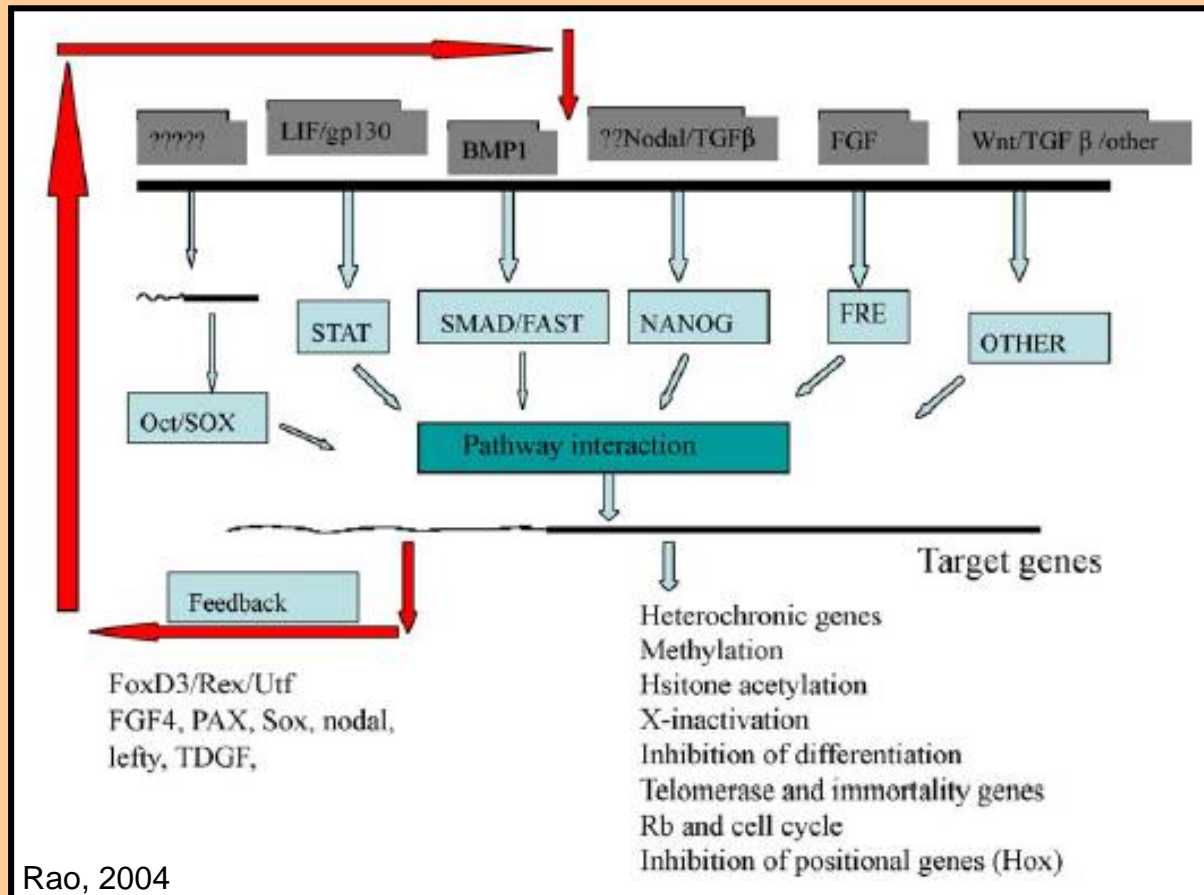
ES BUŇKY

a) myši ES (mES)
(LIF / gp130* / STAT3 dependent)

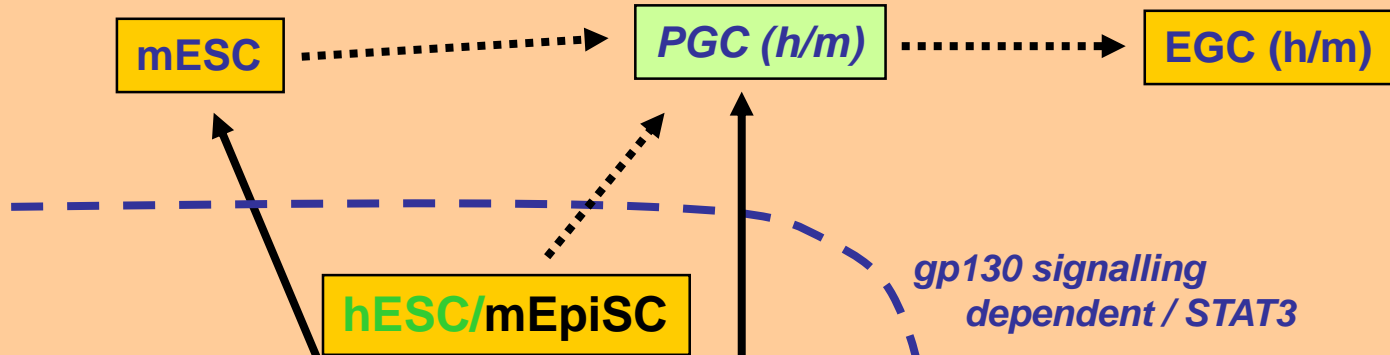
x

b) lidské ES (hES)
(LIF / gp130* / STAT3 independent)

Toto rozdělení je pravděpodobně dáno možností některých živočišných druhů mít skrytou březost ve stádiu blastocysty (embryonální diapauza).

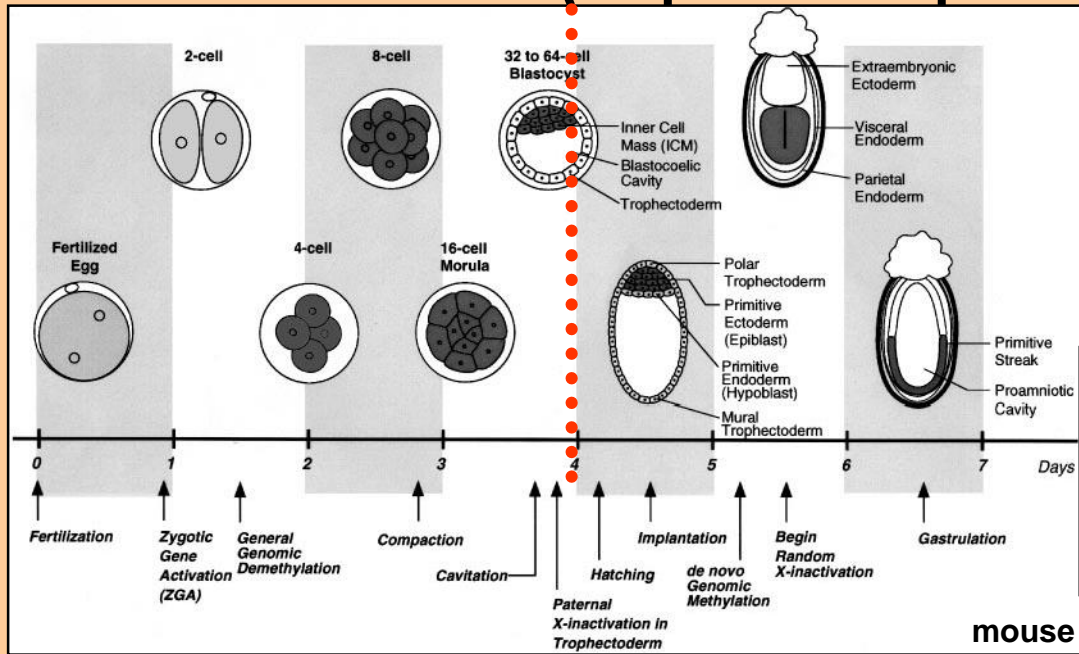


Signální dráha gp130 -> STAT3 ve vztahu k pluripotentním buňkám u člověka a myši



gp130 signalling dependent / STAT3

embryonální diapauza (myš / lasicoviti)



pluripotent

multipotent a méně

Současné studie však ukazují, že za regulaci diapauzy je odpovědná zejména matka => u každé blastocysty lze navodit diapauzu !?
(G.E. Ptak et al., PLOS One 2012)

Některé charakteristické znaky myších a lidských ES buněk

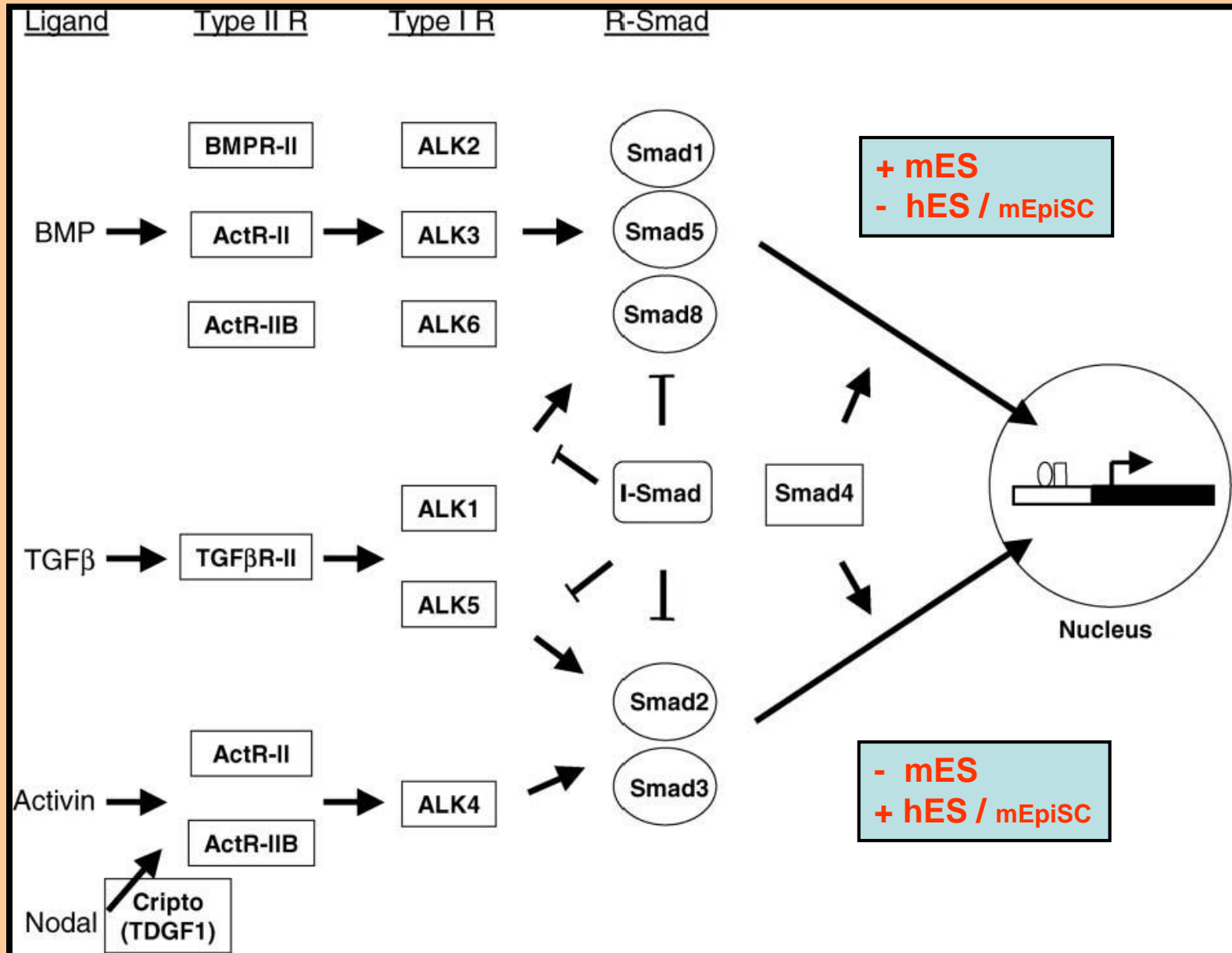
	Mouse ES	Human ES
Alkaline Phosphatase	+	+
SSEA-1	+	-
SSEA-3	-	+
SSEA-4	-	+
TRA-1-60	-	+
TRA-1-81	-	+
OCT 3/4	+	+
SOX 2	+	+
<u>REX 1</u>	+	+
TERT	+	+
<u>FGF4</u>	+	+
UTF-1	+	+
<u>FOXD3</u>	+	-
CX45	+	+
CX43	+	+
BCRP-1	+	+
<u>LIFR</u>	+	+
gp130	+	+
STAT3	+	+
Nanog	+	+

Table 1 | **The best-characterized ESC markers***

Undifferentiated state marker	Mouse	Human
Cell-surface and nuclear antigens		
SSEA1 [‡]	+	–
SSEA3/4 [‡]	–	+
TRA1–60/81 [§]	–	+
TRA2-54	–	+
GCTM-2 [§]	–	+
TG343 [§]	?	+
TG30 ^l	?	+
CD9 ^l	+	+
CD133/prominin	+	+
OCT4	+	+
NANOG	+	+
SOX2	+	+
Enzymatic activities		
AP	+	+
Telomerase	+	+
In vitro culture requirements		
Feeder-cell dependent	+	+
LIF dependent	+	–
FGF4	+	–
Growth characteristics		
Ability to form trophoblast	–	+
Teratoma formation <i>in vivo</i>	+	+
Growth characteristics <i>in vitro</i>	Form tight, rounded, multi-layer clumps; can form EBs	Form flat, loose aggregates; can form EBs
Ability to form germ cells <i>in vitro</i>	+	NR

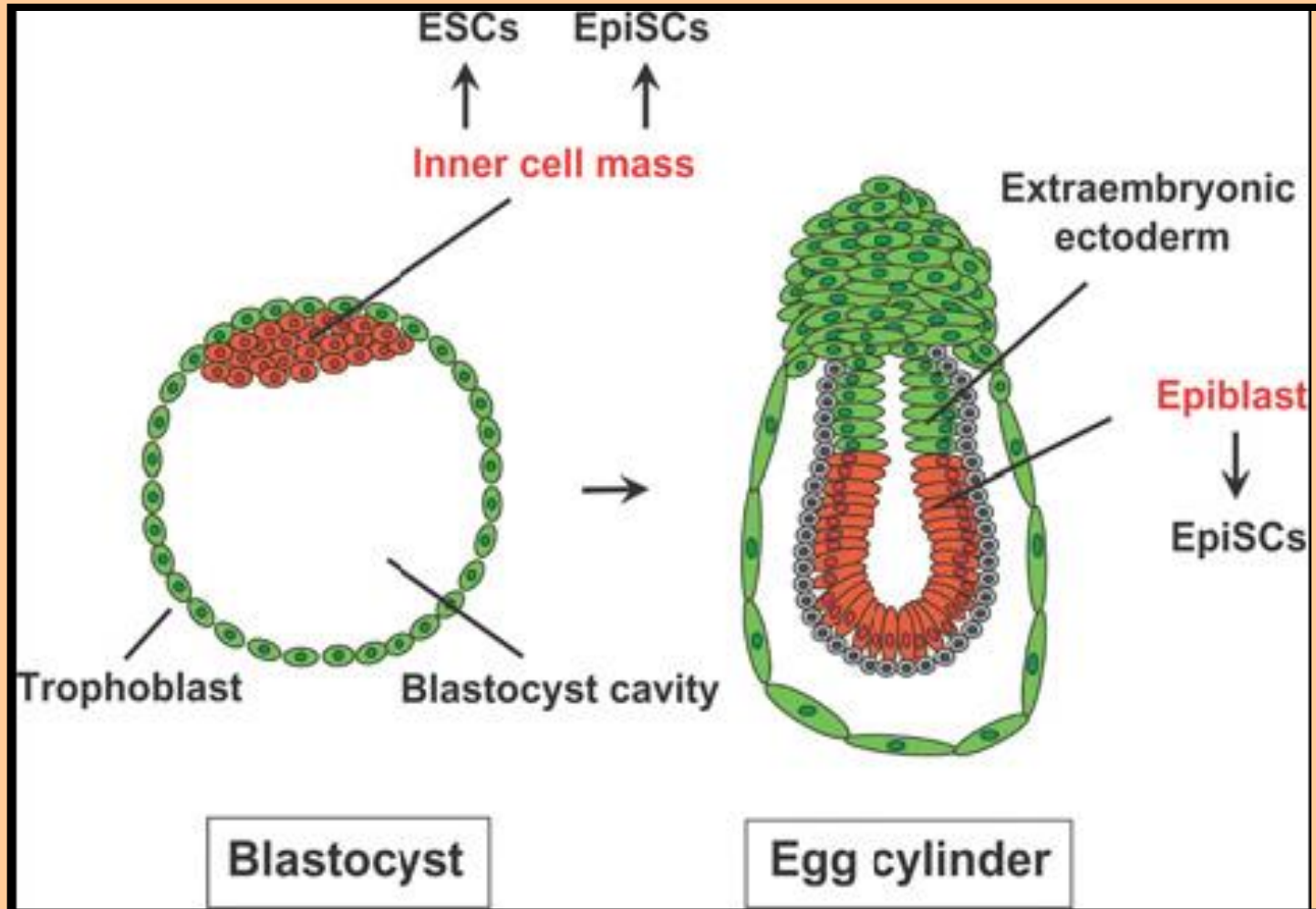
[‡]Glykolipidy, [§] Keratan chondroitin sulfát proteoglycan, ^lTetraspannin transmembránové proteiny, AP – alkalická fosfatáza, EB – embryoidní tělísko, ESC – embryonální kmenové buňky, SSEA – vývojově specifický embryonální antigen (stage-specific embryonic antigen), TRA – antigen odmítnutí nádoru (tumor-rejection antigen), NR – nestudováno (not reported)

Signální dráha TGFbeta / BMPs u ES buněk



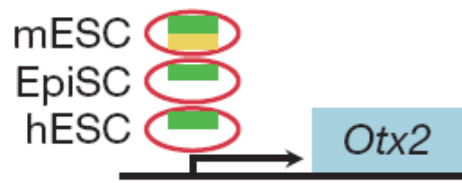
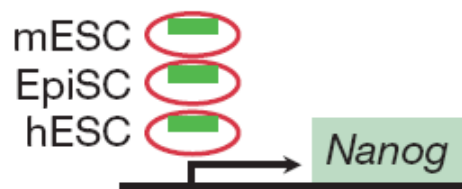
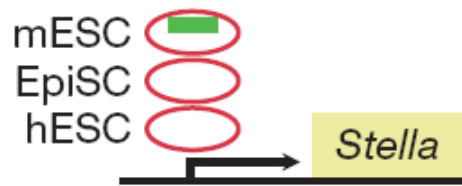
Kmenové buňky epiblastu – EpiSC (Epiblast stem cell)

Brons, 2007 & Tesar, 2007



Histone methylation

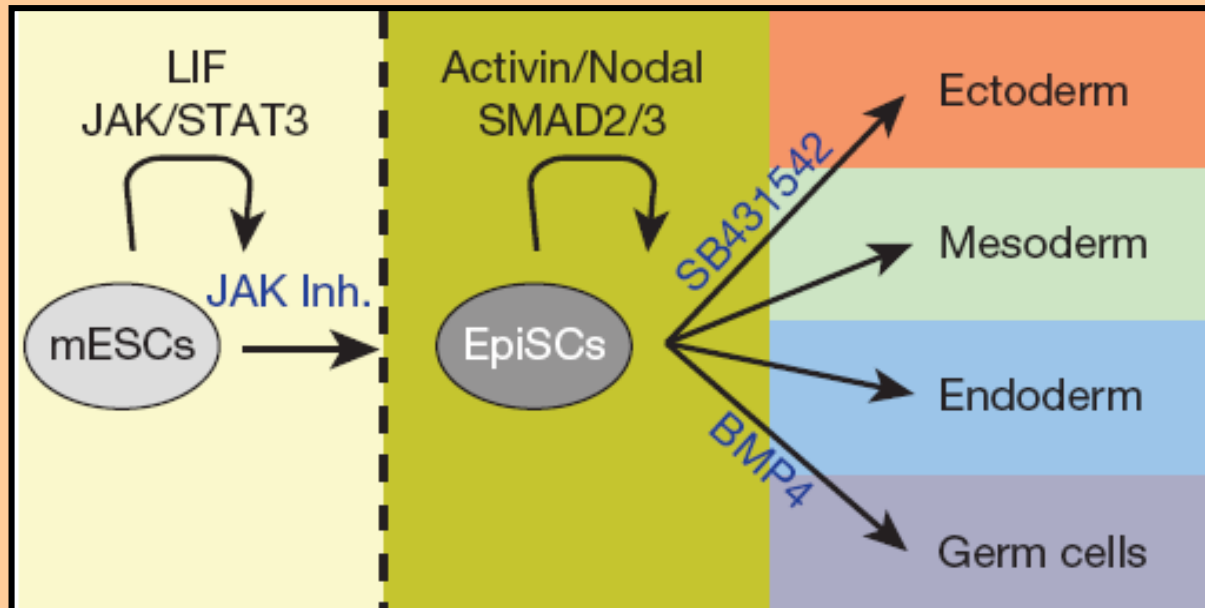
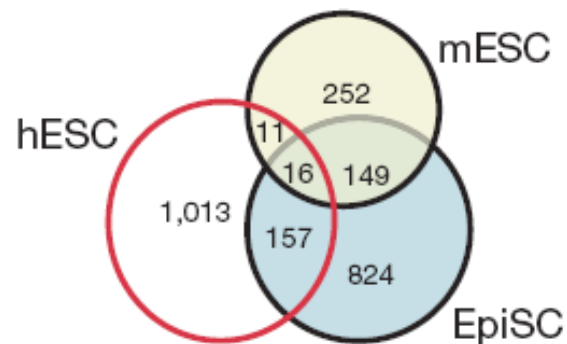
■ H3K4me3
■ H3K27me3



EpiSC

- neintegrují se do moruly a blastocysty => rozdíl s mES
- netvoří kompletní chiméry
- nebyla detekována aktivní alkalická fosfatáza (AP)
(mES, hES, EC, EG, PGC, mají aktivní AP)
- EpiSC částečně vysvětlují rozdíly mezi mES a hES

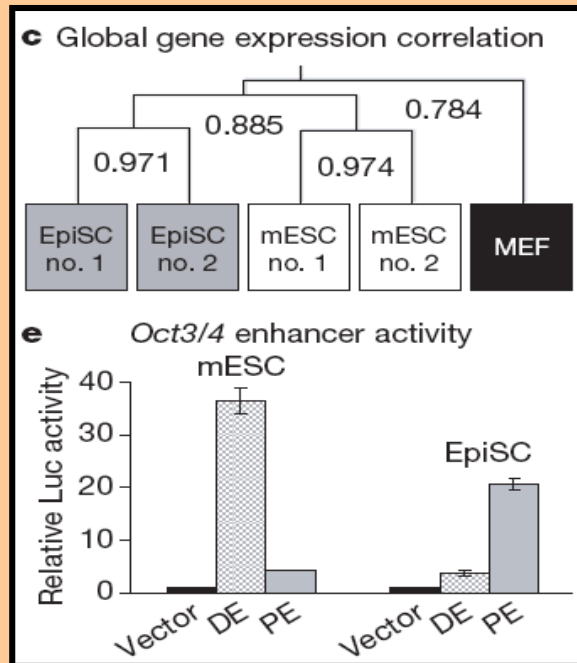
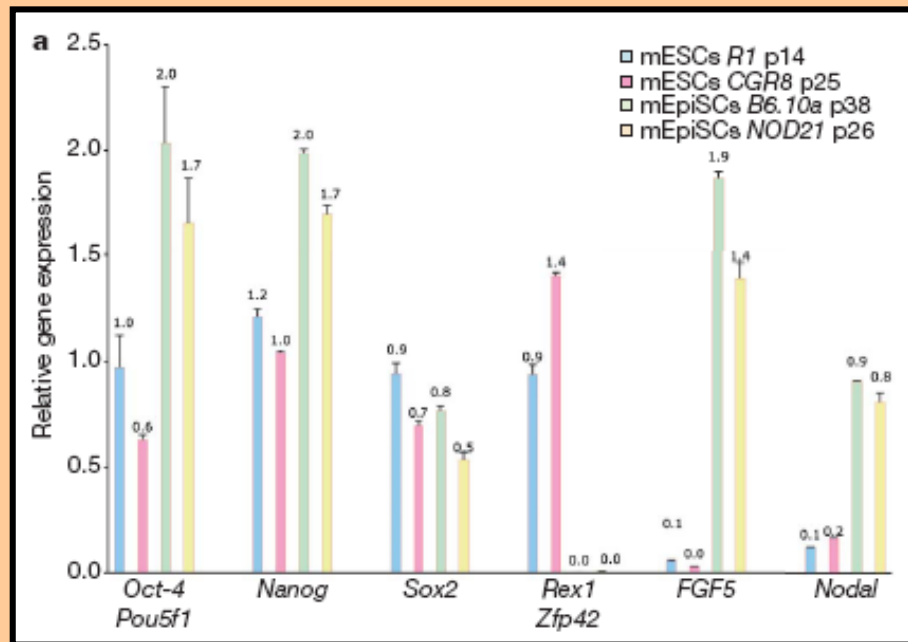
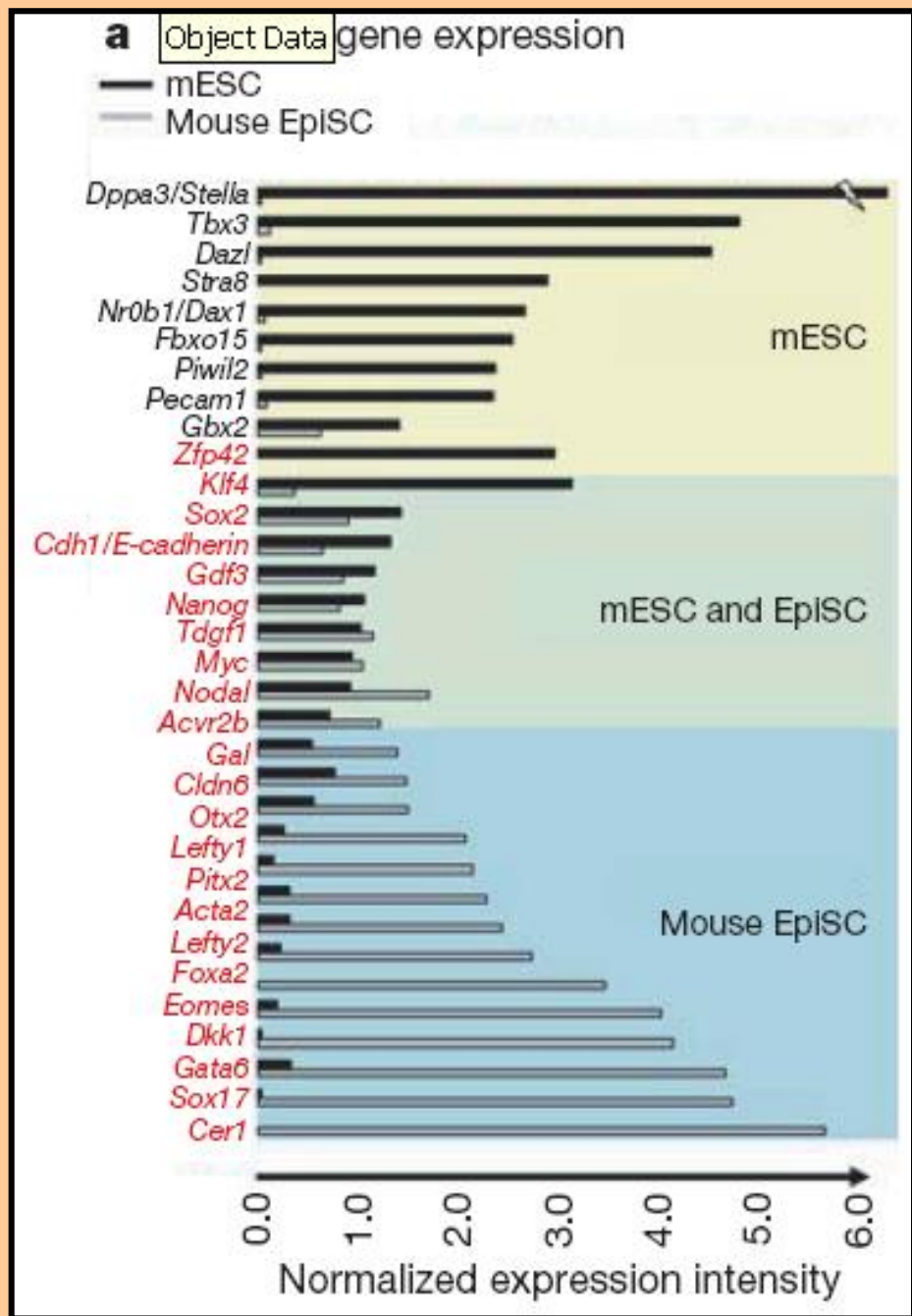
Genes bound by Oct3/4



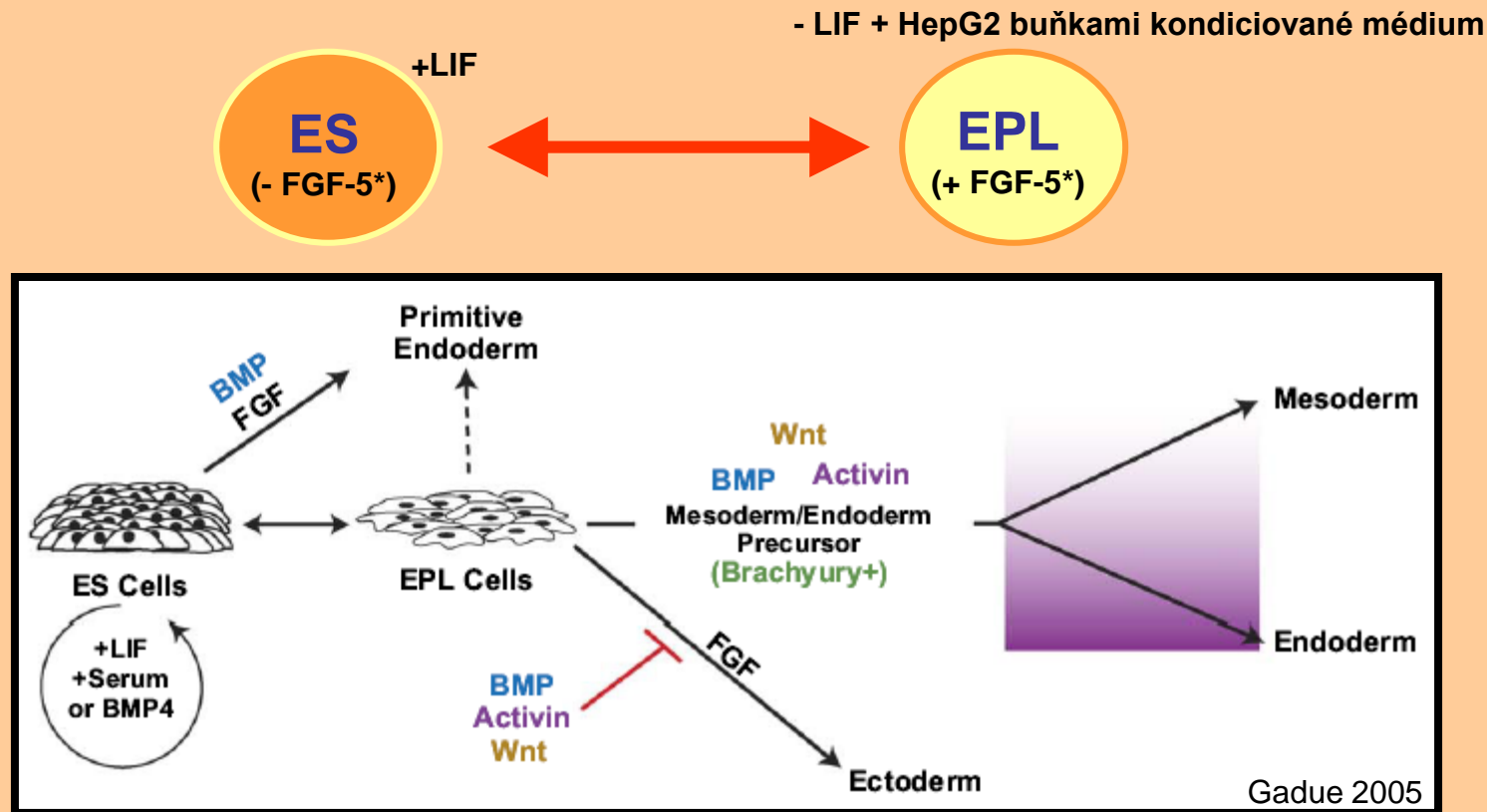
Kmenové buňky epiblastu – EpiSC (Epiblast stem cell)

Brons, 2007 & Tesar, 2007

Kmenové buňky epiblastu – EpiSC (Epiblast stem cell)
Brons, 2007 & Tesar, 2007



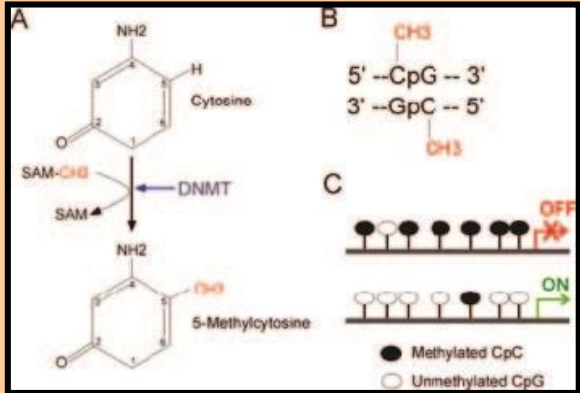
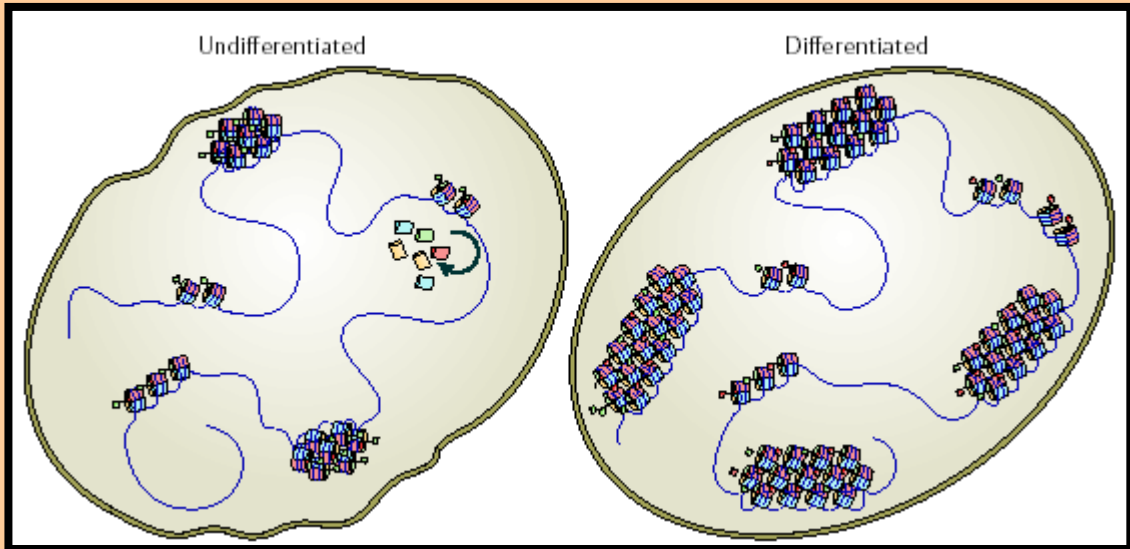
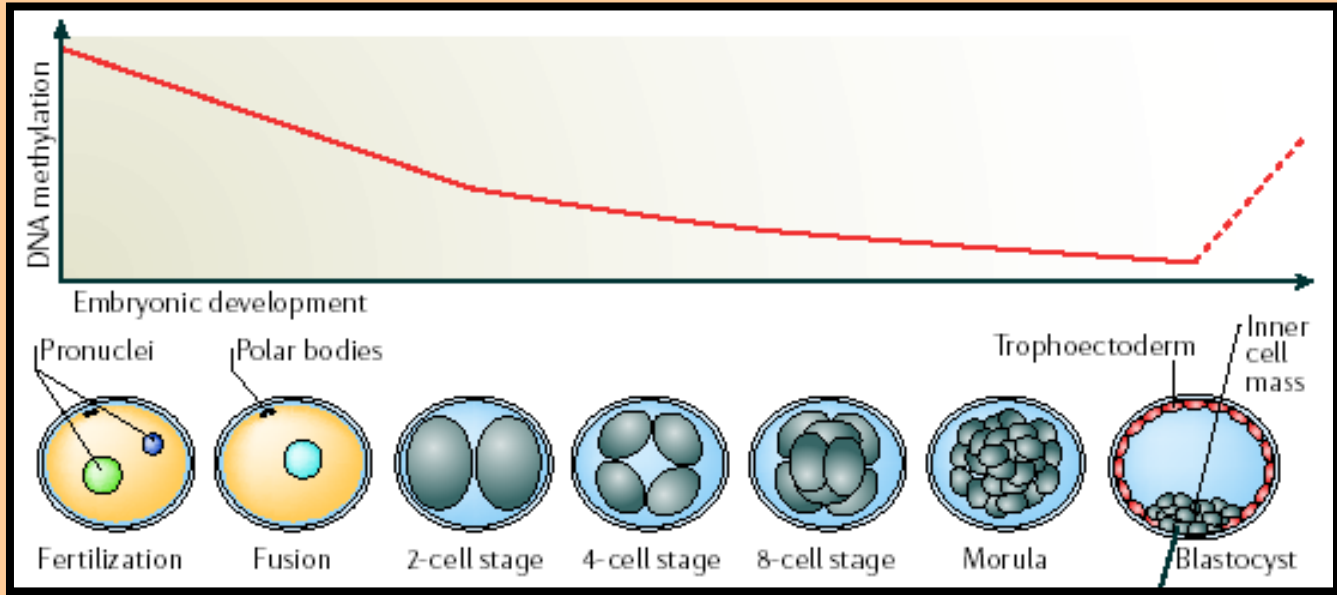
mES je možno reverzibilně převést na buňky připomínající buňky primitivního ektodermu tzv. EPL (early-primitive ectoderm-like) buňky. Tyto buňky již nemají podobně jako buňky primitivního ektodermu schopnost tvořit buňky parietálního entodermu. Také některé jejich další schopnosti diferencovat, jsou oproti ES buňkám pozměněny (Pelton 2002) .



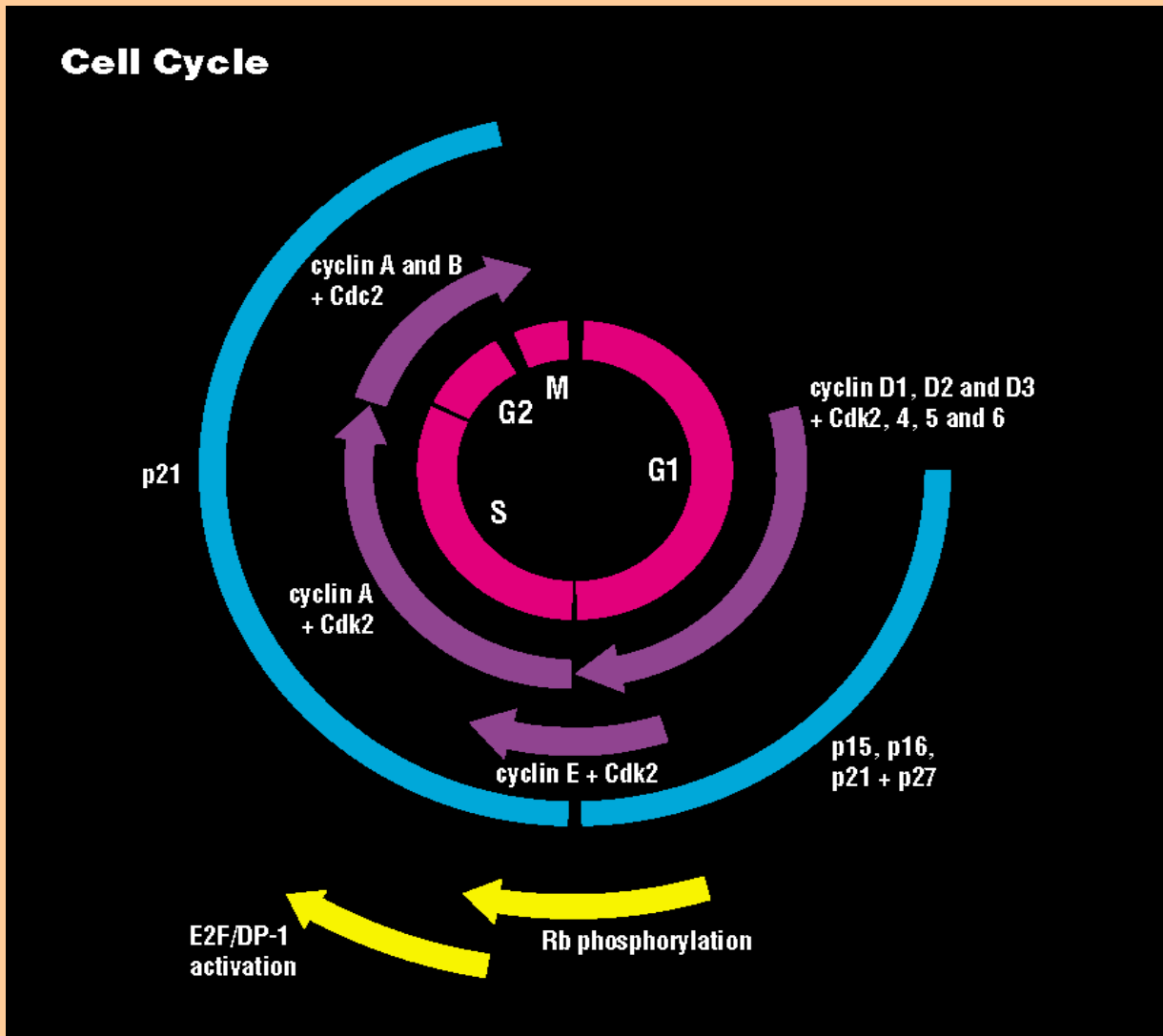
*EPL buňky jsou podobně jako buňky primitivního ektodermu exprimují FGF-5 na rozdíl od ES buněk, které exprimují zejména FGF-4 (platí pro myš)

Epigenetika ES buněk

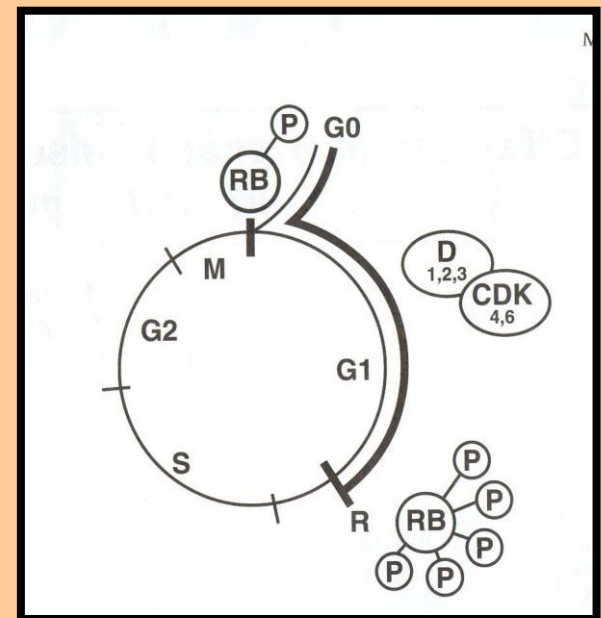
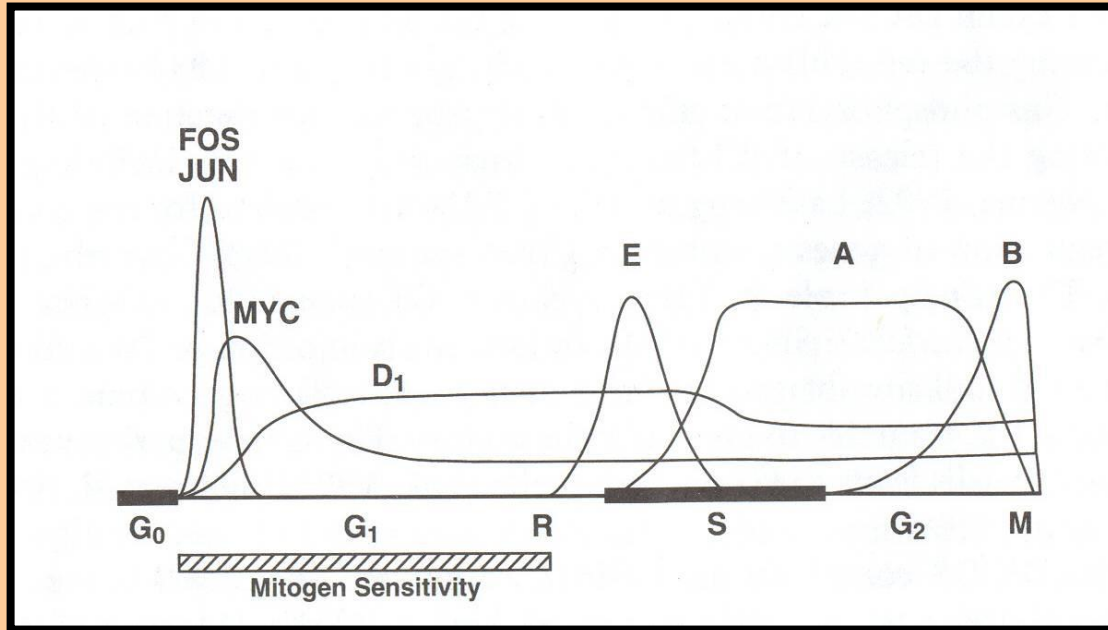
Metylace DNA a kondenzace chromatinu u ES buněk



Proliferace ES buněk



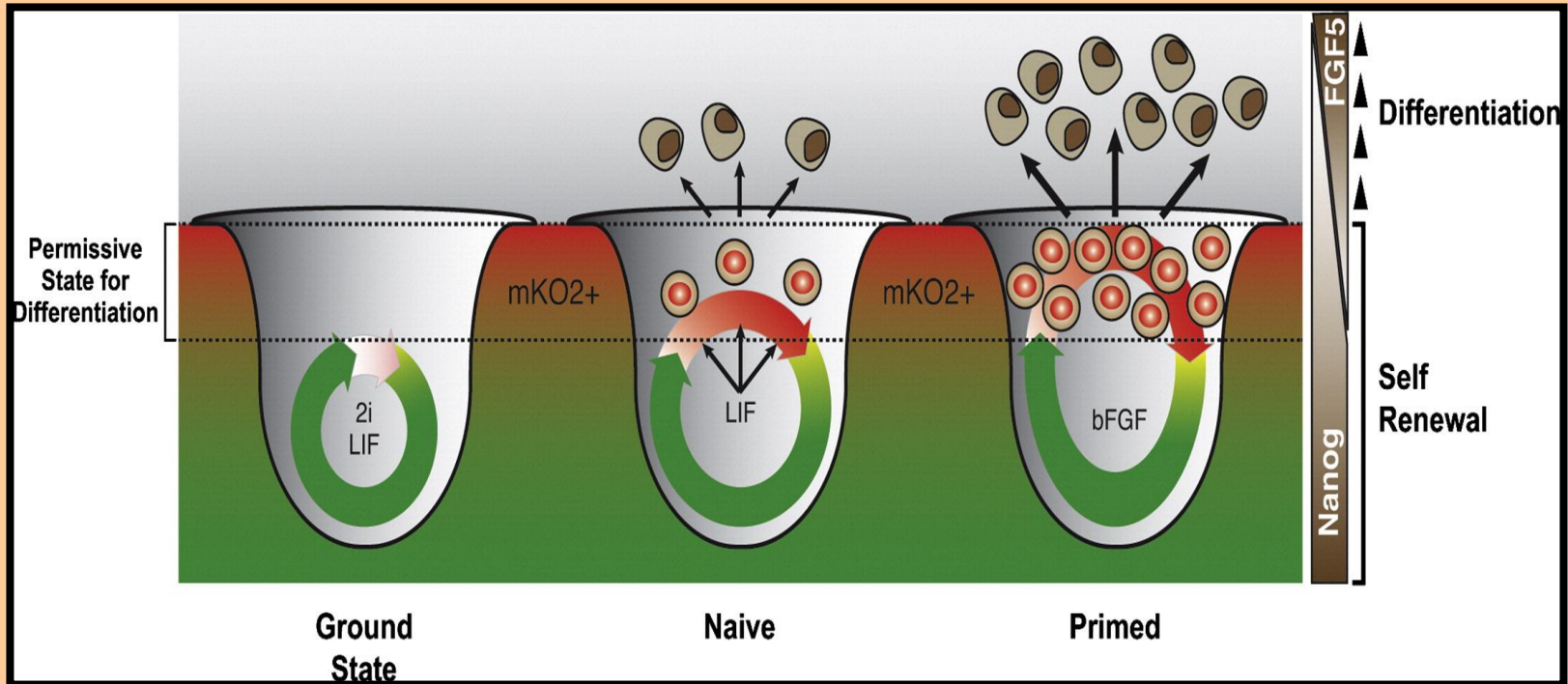
S laskavým nedovolením z katalogu Santa Cruz Biotechnology, Inc.



- ES buňky relativně intenzivně proliferují (podobné nádorovým buňkám)
- G₁ fáze buněčného cyklu je krátká (u mES ~ 1.5 h), zdá se, že chybí G₁-checkpoint*
- velké procento buněk je v S fázi buněčného cyklu (mES > 60%, hES > 50%)
- doubling time mES ~ 10-12h, hES ~ 18-20h
- specifická charakteristika regulace buněčného cyklu (odolnost k p16, nízká hladina cyklinů D, vysoká hladina cyklinu E, není potřeba proteinů rodiny Rb)
- inhibice proliferace, prodloužení G₁ fáze (suboptimální podmínky) vede k diferenciaci a apoptóze, diferenciaci a apoptóza ES buněk, však nemusí vést ke snížení proliferace jako takové

*tzv. kontrolní bod R, o průchodu tímto bodem rozhodují zejména mechanismy rozpoznávající integritu/neporušenost genomu, buňky s poškozenou DNA jsou za normálních okolností v tomto bodě zastaveny. Porucha tohoto kontrolního mechanismu je typická pro nádorové buňky.

Zpomalení proliferace a prodloužení G1 fáze vede k diferenciaci ES buněk

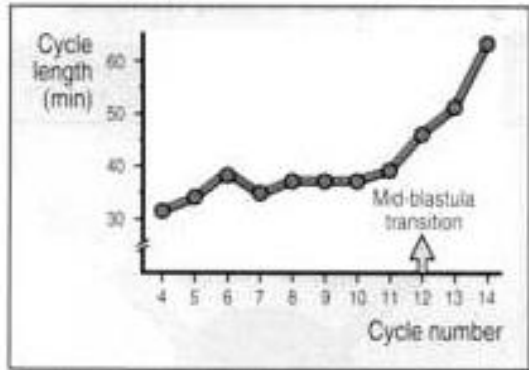
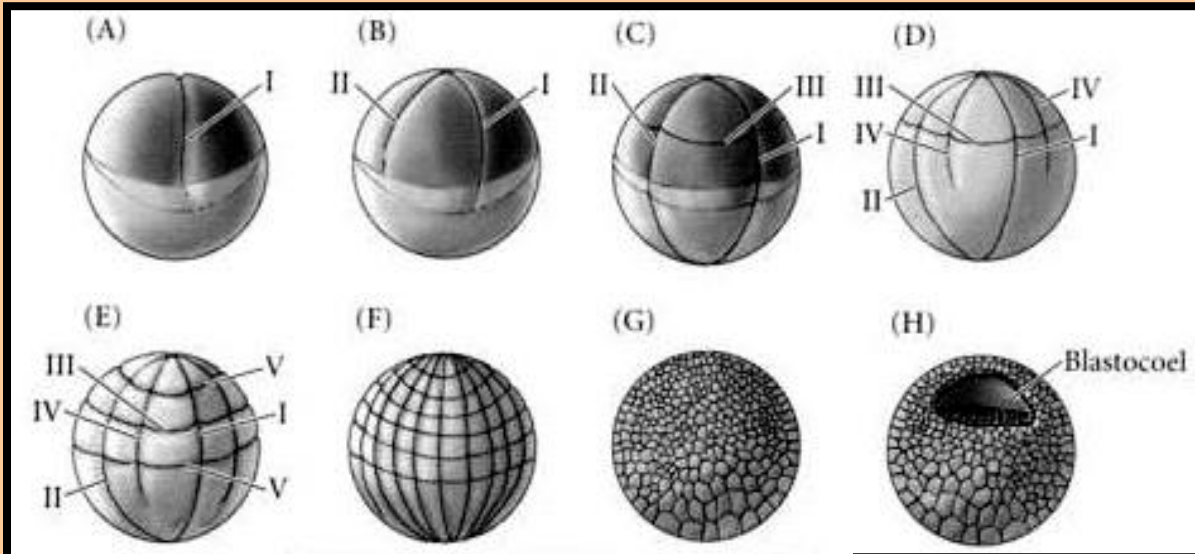


[A short G1 phase is an intrinsic determinant of naïve embryonic stem cell pluripotency.](#)

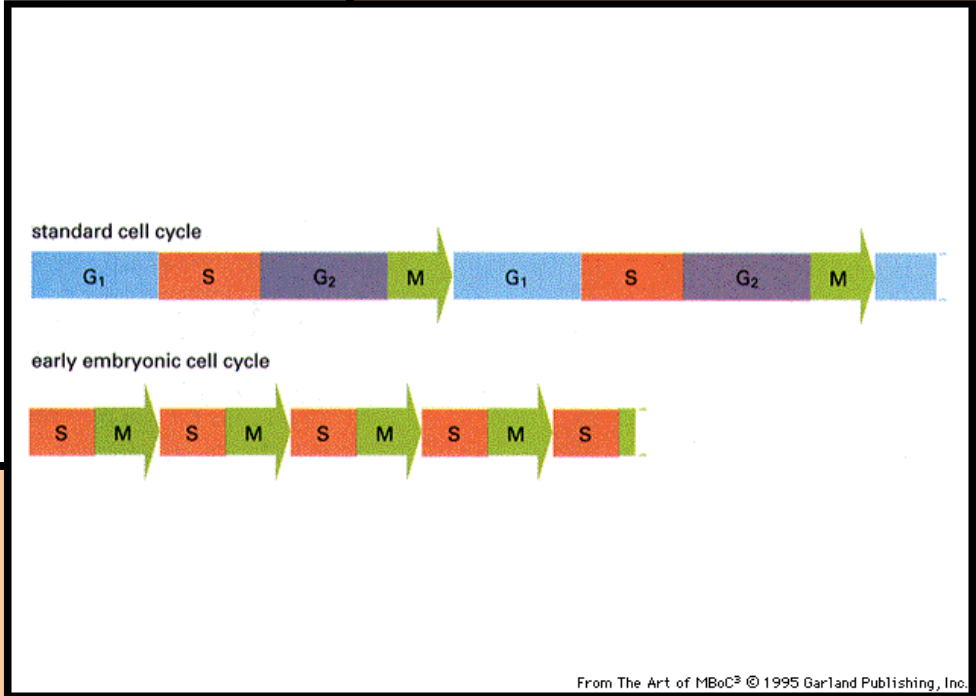
Coronado D, Godet M, Bourillot PY, Tapponnier Y, Bernat A, Petit M, Afanassieff M, Markossian S, Malashicheva A, Iacone R, Anastassiadis K, **Savatier P.**

Stem Cell Res. 2013 Jan;10(1):118-31

Rozdílné proporce v jednotlivých fázích cyklu u časných embryonálních buněk



Timing of the cell cycle during cleavage in *Xenopus*.



Chromosomální stabilita a ES buňky

Draper, 2004; Hanson, 2005

- dlouhodobá kultivace ES buněk vede k selekci odolnějších klonů a subpopulací
- menší rezpozivnost na vnější signály, rychlejší proliferace, menší nároky na kultivaci, klíčové znaky často zachovány (Oct-4, Nanog, příslušné SSEA,...)
- u myši snížena schopnost tvorby chimér a zřejměna germline u těchto chimér
- často spojeno s genetickou manipulací (knock-out, -in ES linie)

- nestabilita chromosómů, polyploidie, trizomie, zlomy a přeskupování genů
=> adaptace na *in vitro* podmínky

- hES, primární je trizomie chromozomu 12 nebo 17, vzácněji chromosomu 14 a 20
- často dochází i ke zdvojení dlouhého raménka chromosomu 17 a k translokaci této kopie na dlouhé raménko chromosomu 6 => posílení exprese genů na chromosomu 17 (Survivin - proti apoptóse, STAT3 - self-renewal mES a nadbytek u většiny nádorů, GRB2 a 7 (growth factor receptor bound protein, viz. signální transdukce))
- na chromosomu 12 je lokalizován *nanog* (Nanog)
- časté i změny malých oblastí na chromosomech 1, 8, 18 a 20
- u mES se jedná o změny zejména chromosomů 8 a 11
(myší chromosom 11 je z části ekvivalentní k lidskému chromosomu 17)

Apoptická kontrola nestability karyotypu a ES buňky

Checkpoint-apoptosis... of karyotypic instability. Mantel, 2007

- u zdravých somatických buněk při poruchách mitotického aparátu během jejich dělení a tak vznikající chyby v mitóze vedou k jejich přechodu do senescentního stavu nebo k indukci apoptósy
- **ES buňky mají zvýšenou toleranci k poruchám mitózy, menší citlivost tzv. SAC** (SAC - spindle assembly checkpoint)

=> akumulace aneuploidních

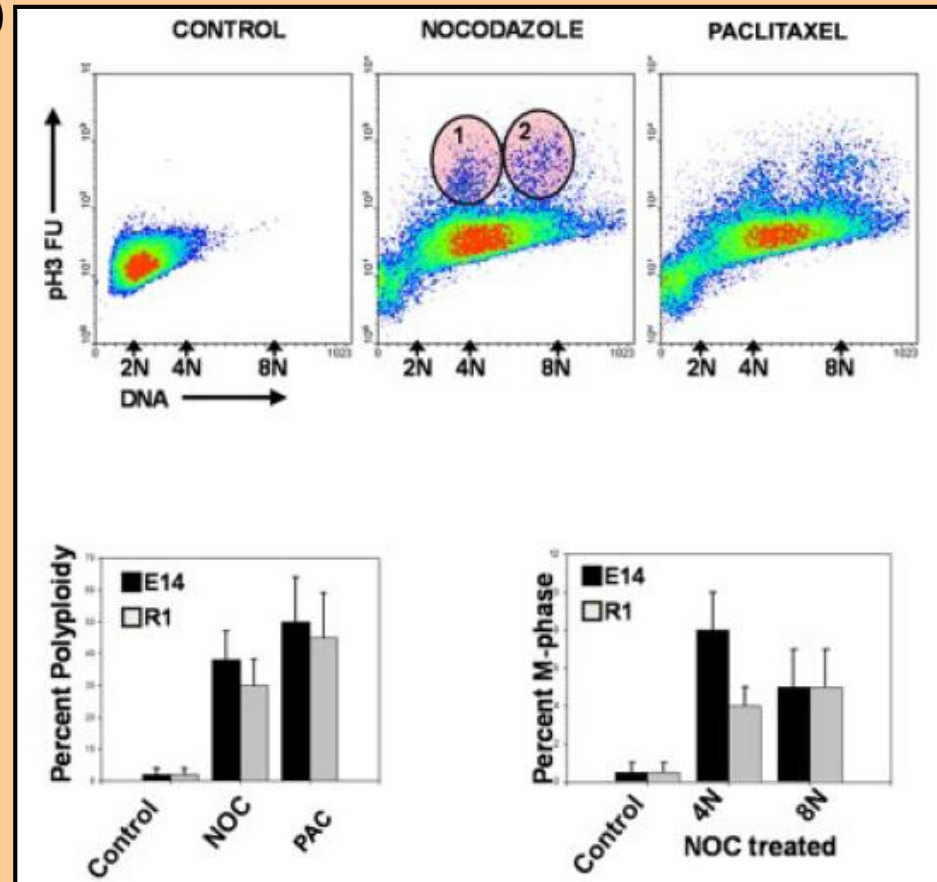
a polyploidních buněk v populaci

- indukci diferenciaci lze tyto buňky částečně eliminovat (apoptósa)

- tetraploidní buňky (blastomery) mohou tvořit jen trofoblast

=> G_1 MTA/tetraploidity checkpoint

=> využití při tvorbě embryí plně ES původu



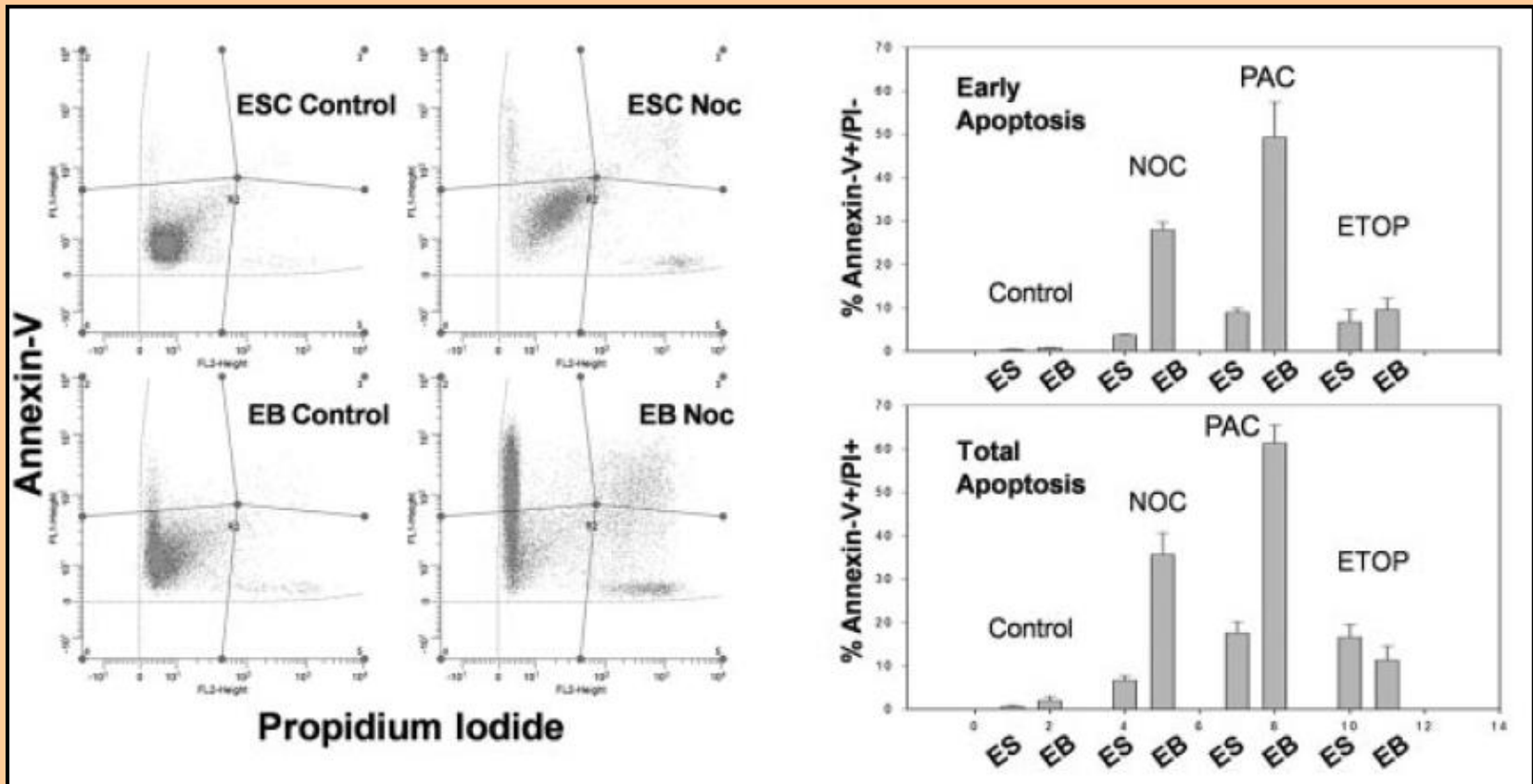
Příklad nárůstu apoptózy s diferenciací a poškozeným mitotickým aparátem

ES - embryonální kmenové buňky

EB - ES diferencovaná formou embryoidních tělísek

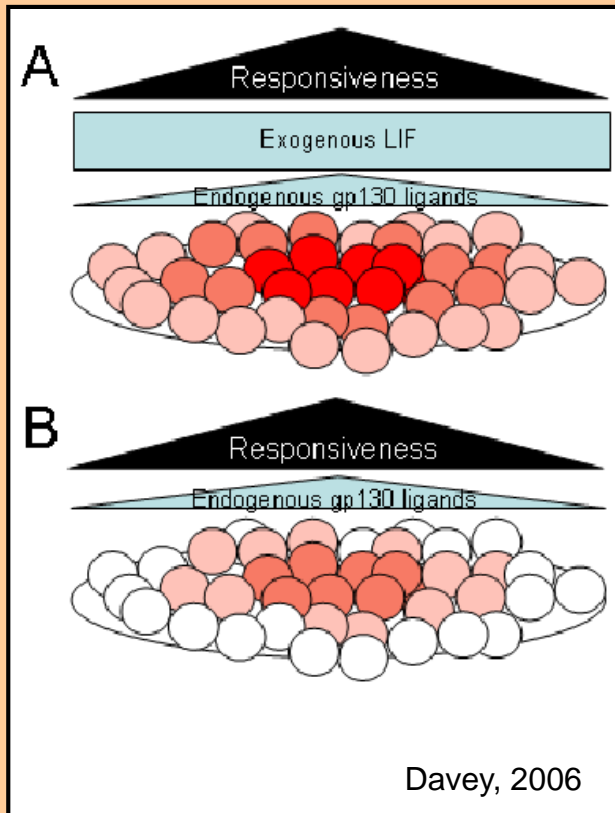
Noc/NOC - nocodazol

PAC - paclitaxel



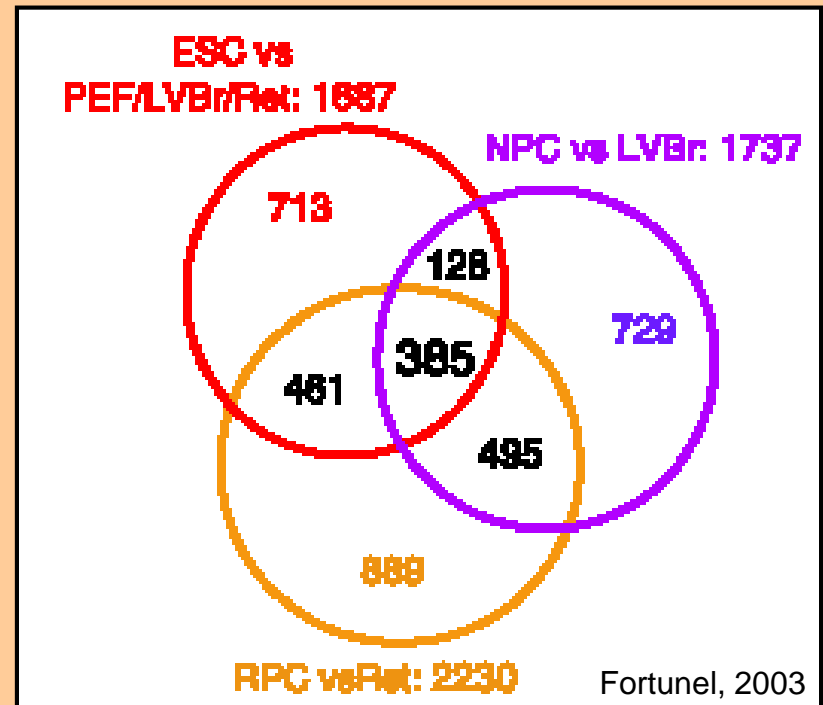
Jak vypadá správná ES buňka?
Jsou všechny ES buňky v kultuře stejné?

LIF -> STAT3 aktivita u mES buněk



↓ pokračování

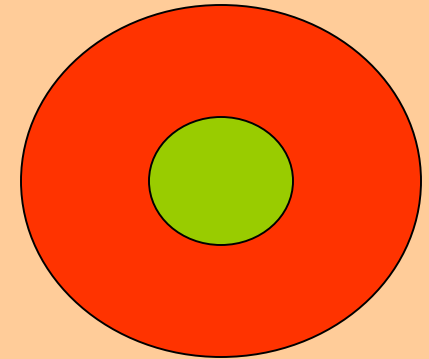
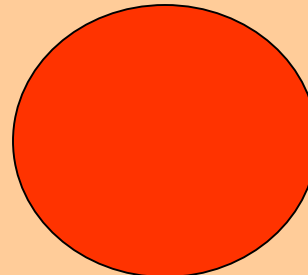
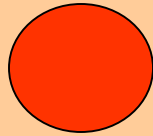
Microarray analýza exprese „stemness“ genů



↓ pokračování

**Model narůstající heterogenity v rostoucí kolonii ES buněk
za dodržení známých optimálních kultivačních podmínek**

Myší ES



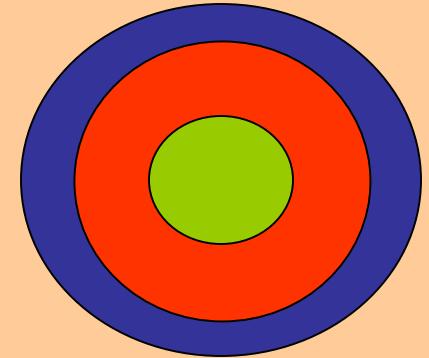
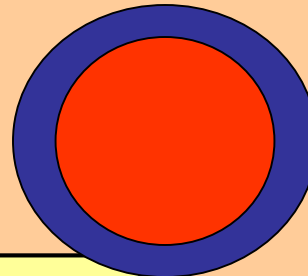
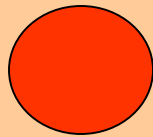
30<*

50<*

100<*

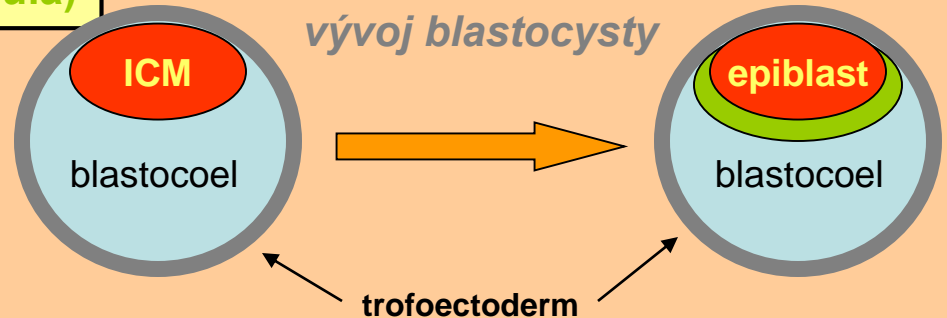
růst kolonie ES buněk

Lidské ES



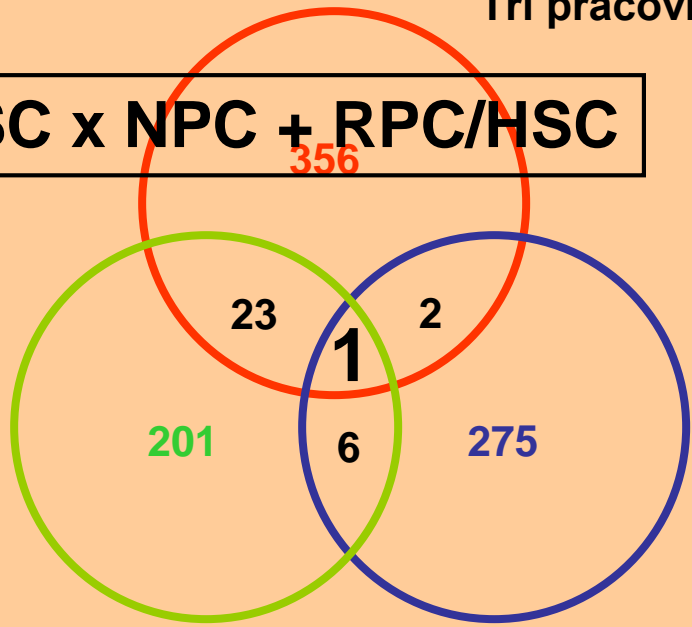
Buňky odpovídající buňkám ICM/epiblastu
Časného neuroektodermu
Buňky primitivního entodermu
(morphologicky navíc tvoří také malá granula)

*orientační počet buněk v kolonii

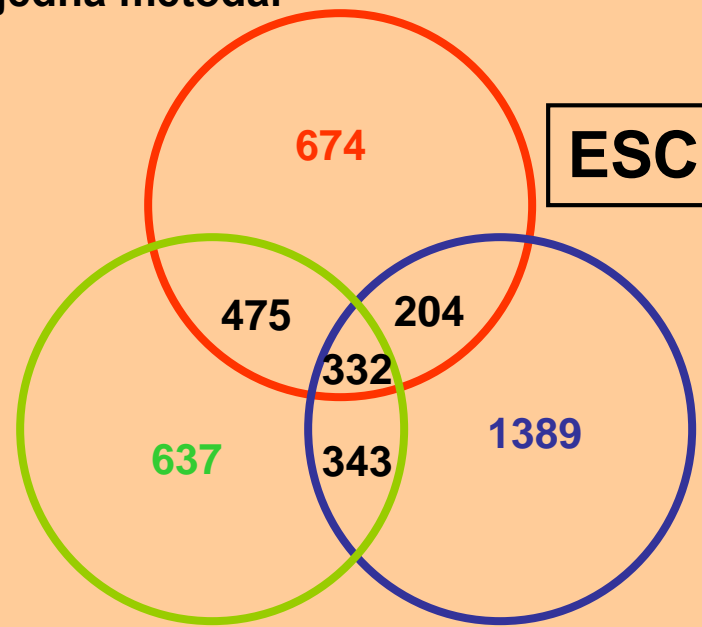


Variabilita v analýze transkripčního profilu u ES buněk (ESC), neurálních progenitorů (NPC), progenitorů retiny (RPC) a hematopoetických kmenových buněk (HSC) u myši.
 Tři pracovní skupiny, jedna metoda.

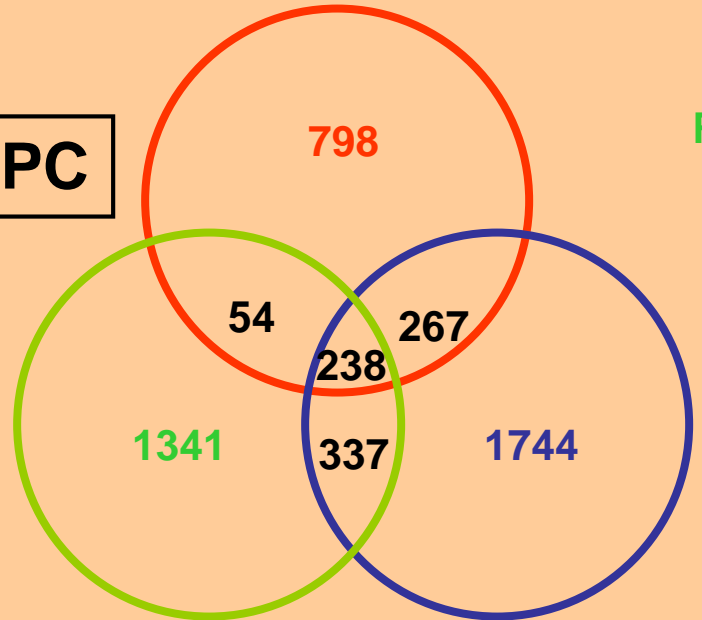
ESC x NPC + RPC/HSC



ESC

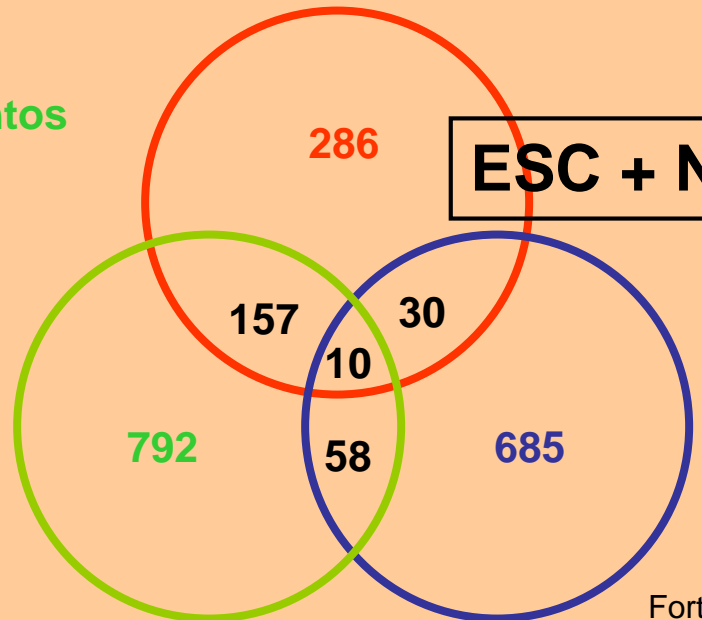


NPC



Fortunel
 Ramalho-Santos
 Ivanova

ESC + NPC



Existují geny kmenovosti, tzv. „stemness geny“ ?

Vývojově specifické geny

=> potenciál buněk

+

Příslušné signální dráhy, specifický patern jejich aktivit

=> regulace diferenciacce, proliferace, sebeobnovy

VYUŽITÍ ES BUNĚK

1. Biologický a biomedicínský výzkum

- Příprava geneticky modifikovaných organismů
- Studium mechanismů časně embryogeneze / diferenciace
- Studium mechanismů kancerogeneze
- Studium embryotoxicity
- Testování farmak

2. Lékařství

- Buněčné a tkáňové terapie
- Příprava biologicky aktivních preparátů
- Nosiče biologicky aktivních látek (*pathotaxe*)

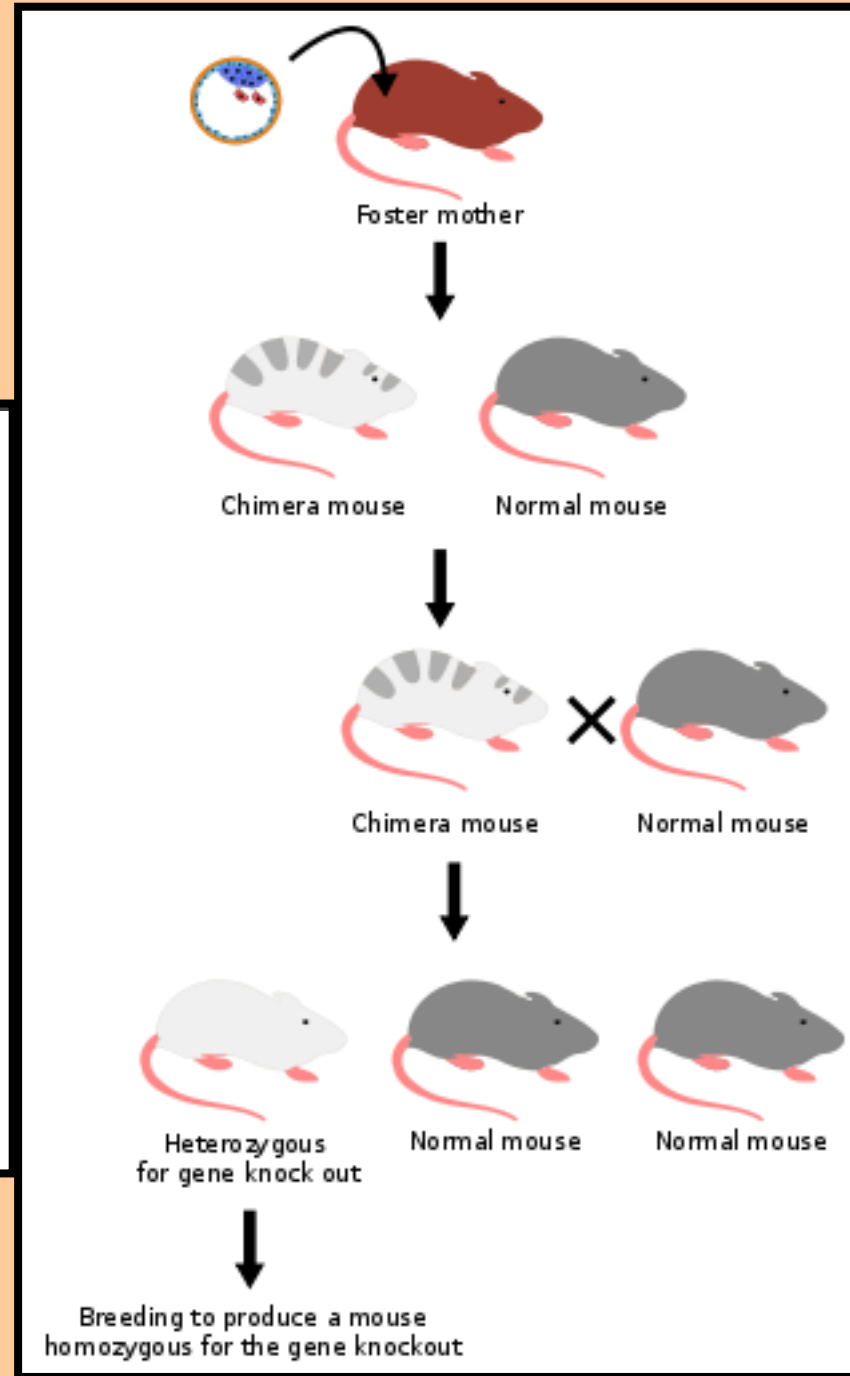
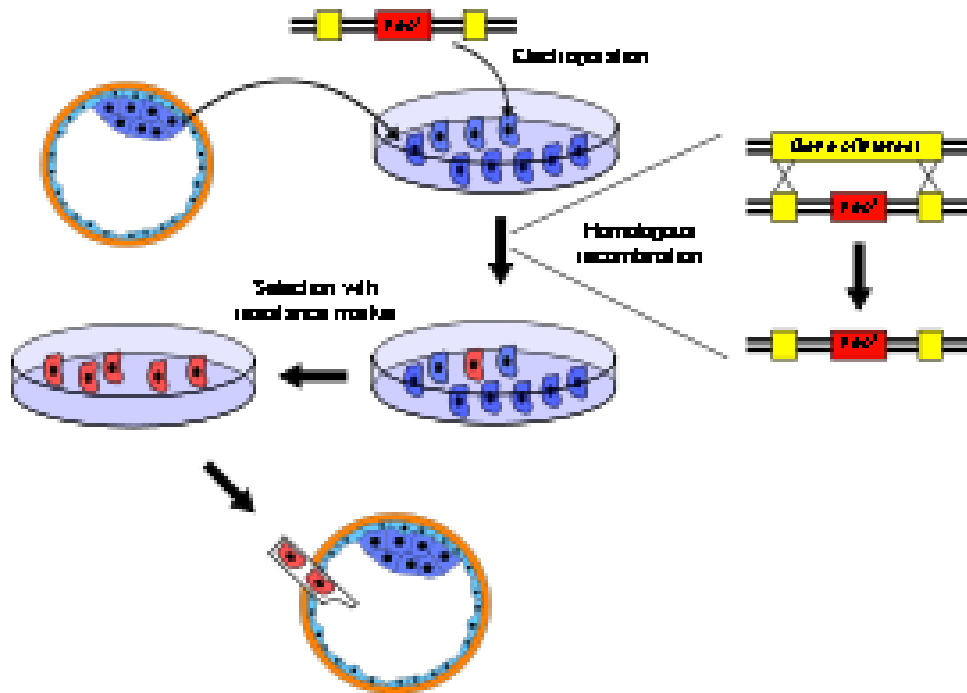
Příprava geneticky modifikovaných organismů - GMO

Pro vytvoření linie *GMO* je potřeba, aby požadovaná genetická modifikace byla obsažena i v pohlavních buňkách. Tuto modifikaci je tedy potřeba provést na buňkách toti- nebo pluripotentních.

- Náhodným nebo cíleným(?) vložením požadované DNA do zygoty
- **Náhodným nebo cíleným vložením požadované DNA do ES buněk**

- Díky prakticky neomezené možnosti kultivace ES buněk, lze mít prováděnou genetickou modifikace plně pod kontrolou, a také ji můžeme velice přesně naplánovat!!!
- ES buňky jsou pluripotentní, po zpětné injikaci do blastocysty a vložení této blastocysty do dělohy pseudo-pregnantní myši, blastocysta pokračuje ve vývoji a vzniklý jedinec je chimérou buněk původní ICM a injikovaných ES na úrovni všech tkání, tedy i zárodečné.

Příprava KO/l myši



ES buňky v buněčné terapii

In vitro fertilization

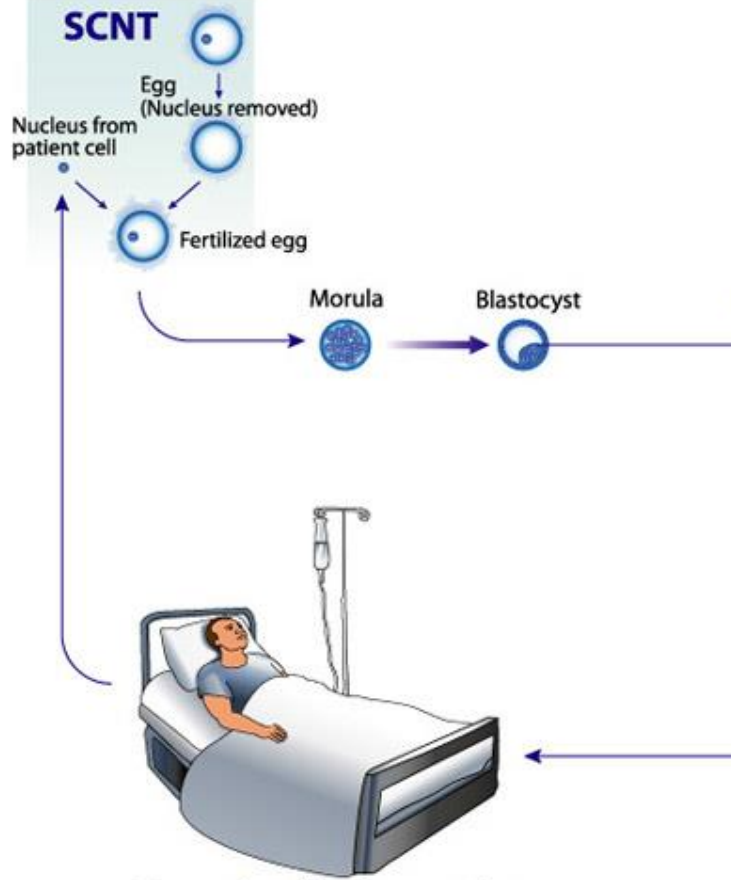
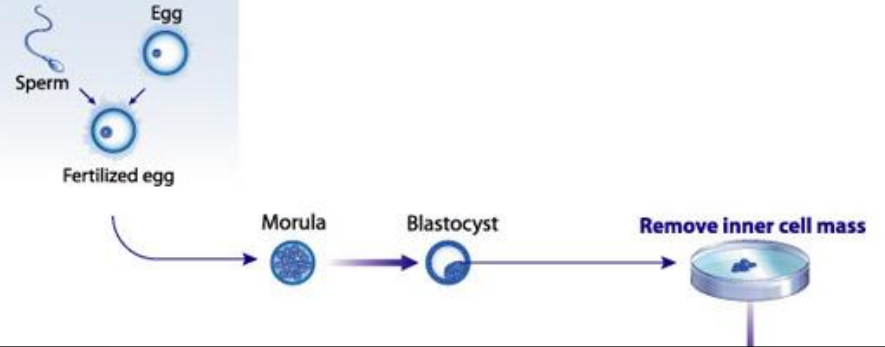
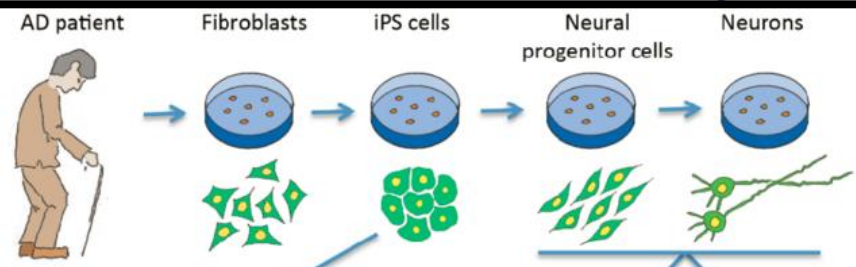
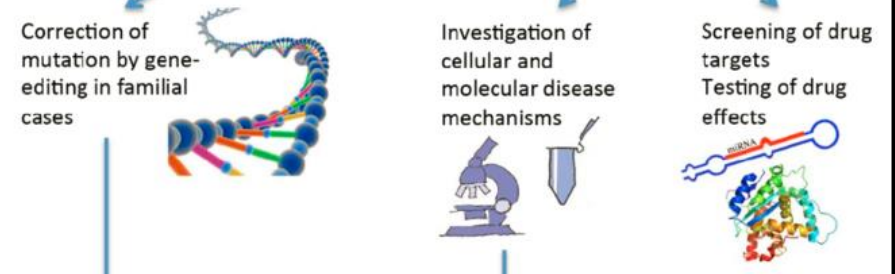


Illustration by [Cell Imaging Core](#) of the Center for Reproductive Science

A
Derivation of patient material



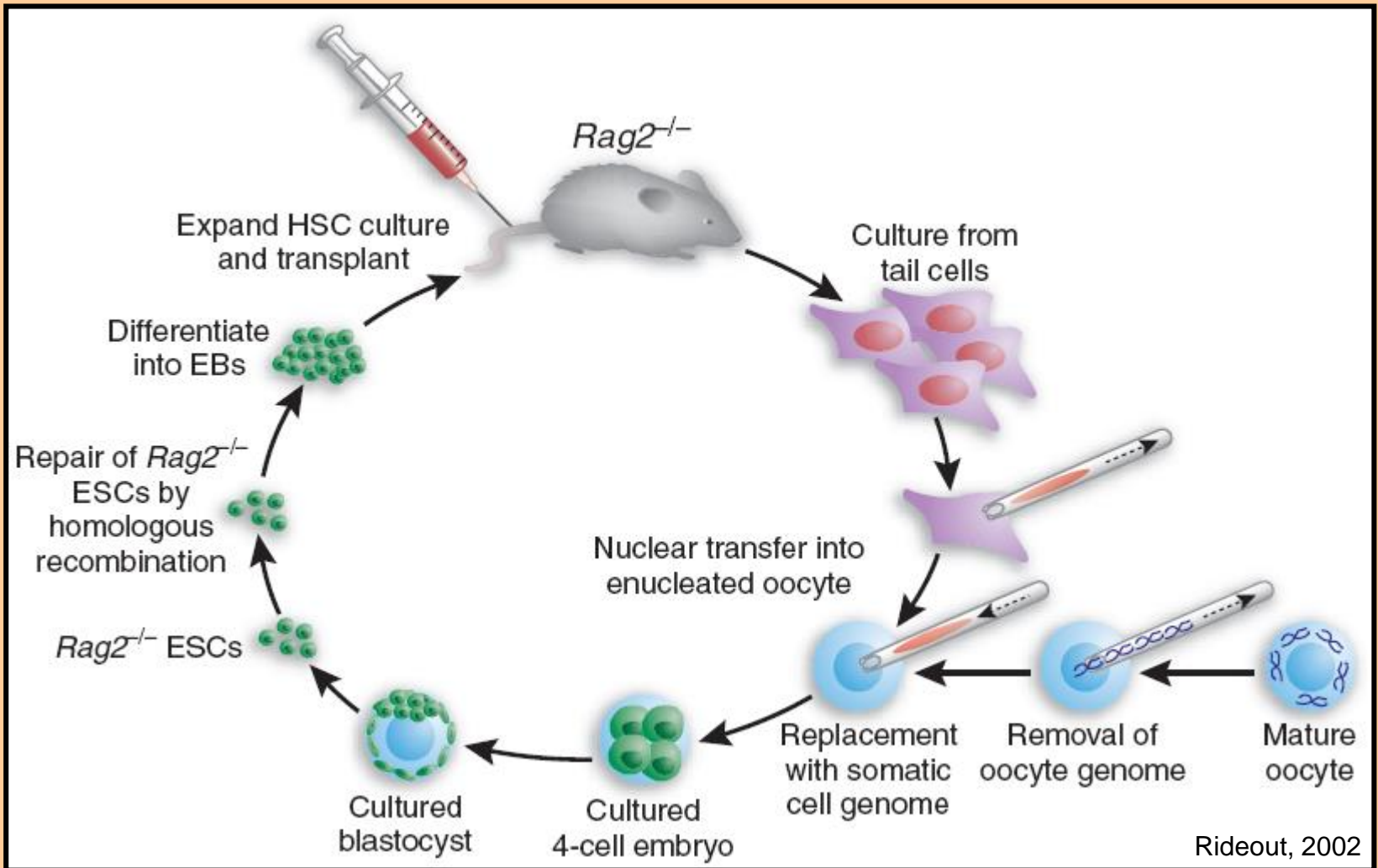
B
Molecular and cellular technologies



C
Benefits for the patients



Model regenerace poškozené hematopoiesy v důsledku mutace $Rag2^{-/-}$ s použitím ES buněk, genetických manipulací a jaderného reprogramování



Diferenciace ES buněk

a) *In vivo*

- teratomy: injekce suspenze ES buněk do vaskularizované tkáně imunitně tolerantního zvířete, popřípadě do zvířete s farmakologicky potlačenou imunitní odpovědí
- chiméry: injekce ES buněk do blastocysty, navrácení takové blastocysty do pseudo-pregnantní myši = vznik chimerického jedince

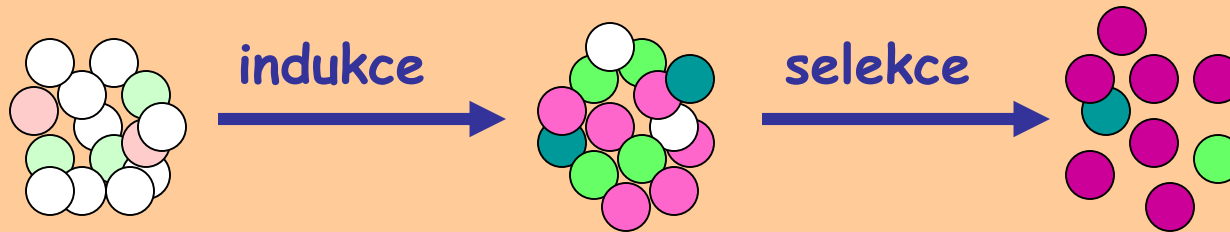
b) *In vitro*

- metodiky korespondující s ontogenezí
- metodiky získané empiricky (kopírující ontogenezi?)

Musí buňka diferencující z ES buňky vždy kopírovat ontogenezi aby dosáhla určitého stavu?

In vitro diferenciace ES buněk

kultivace

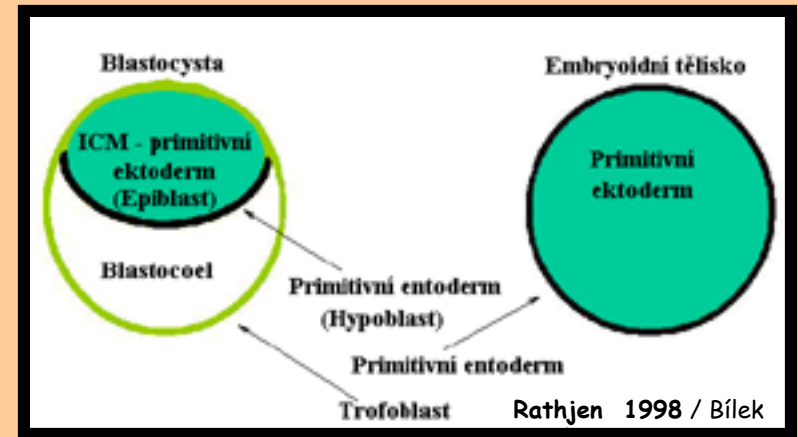


a) Embryoidní tělíska (Embryoid bodies - EB)

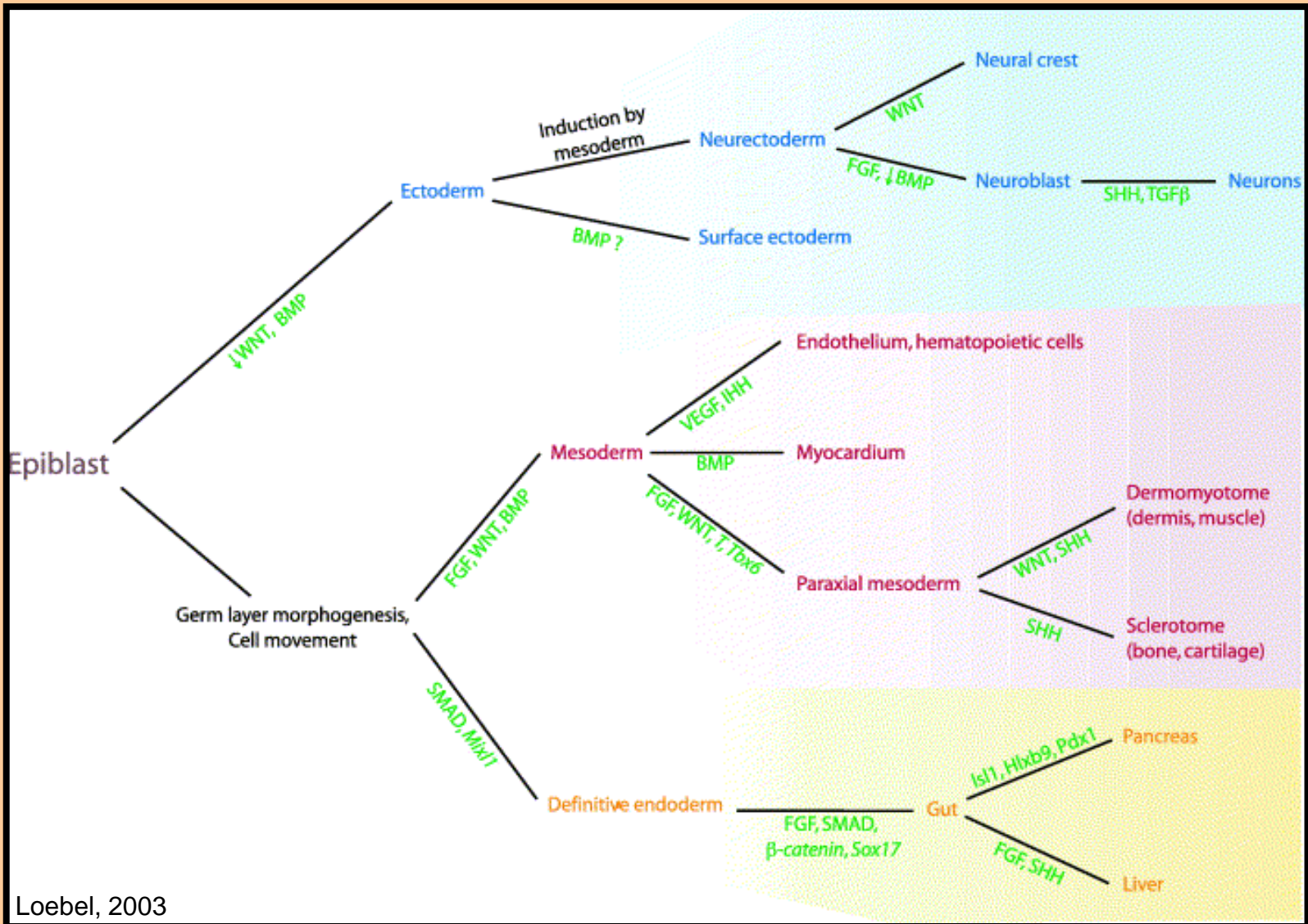
- + jednoduché, více buněčných typů
- + tolerující genotyp
- špatně definované podmínky

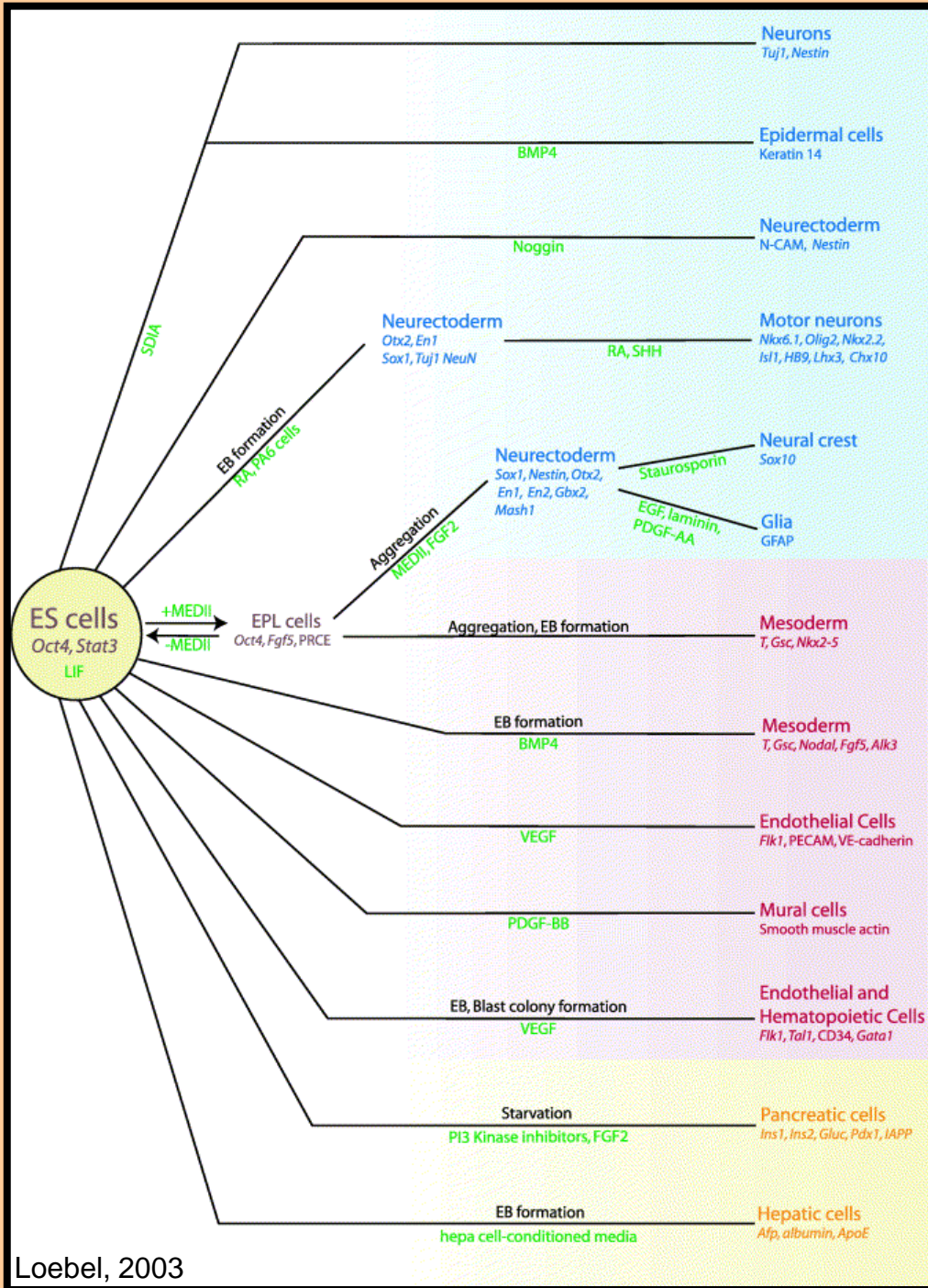
b) V monovrstvě

- + dobře definované podmínky
- malá efektivita (většinou)
- může být silně závislé na genotypu



Úloha specifických růstových faktorů v ontogenezi myši



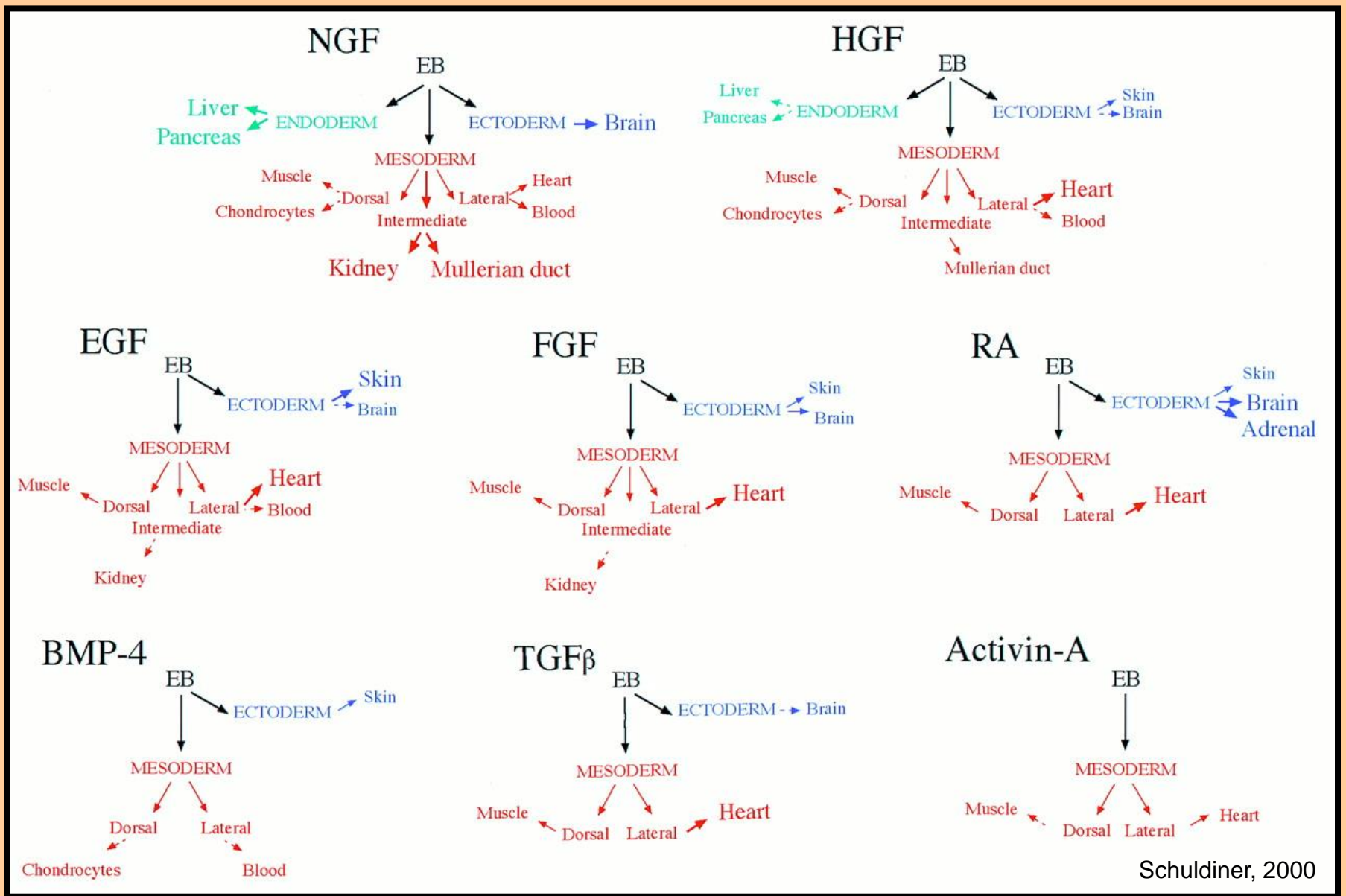


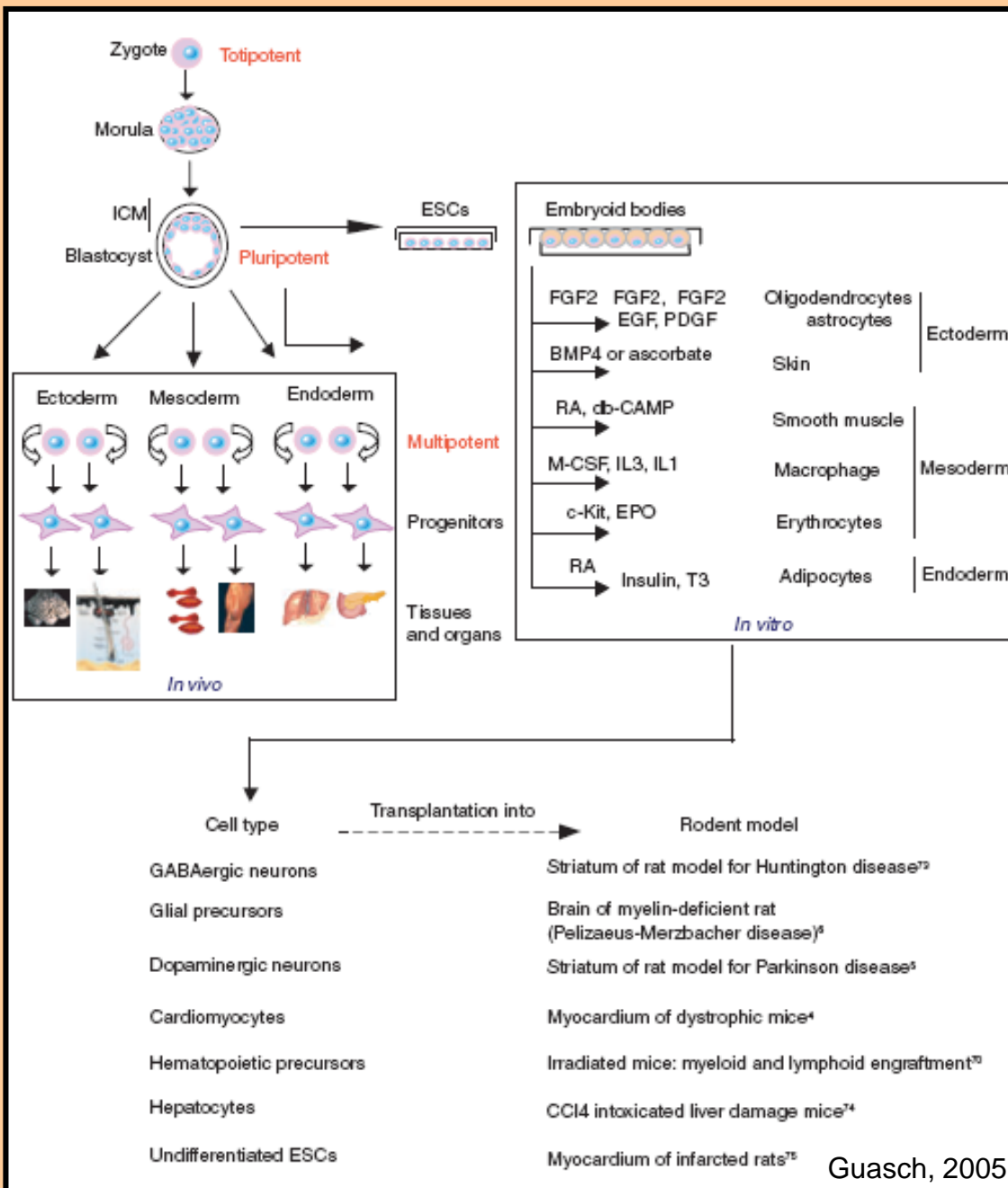
Příklady diferenciaci myších ES buněk kombinací typu jejich kultivace a specifických růstových faktorů s porovnáním úlohy těchto faktorů v myší ontogenezi



pokračování

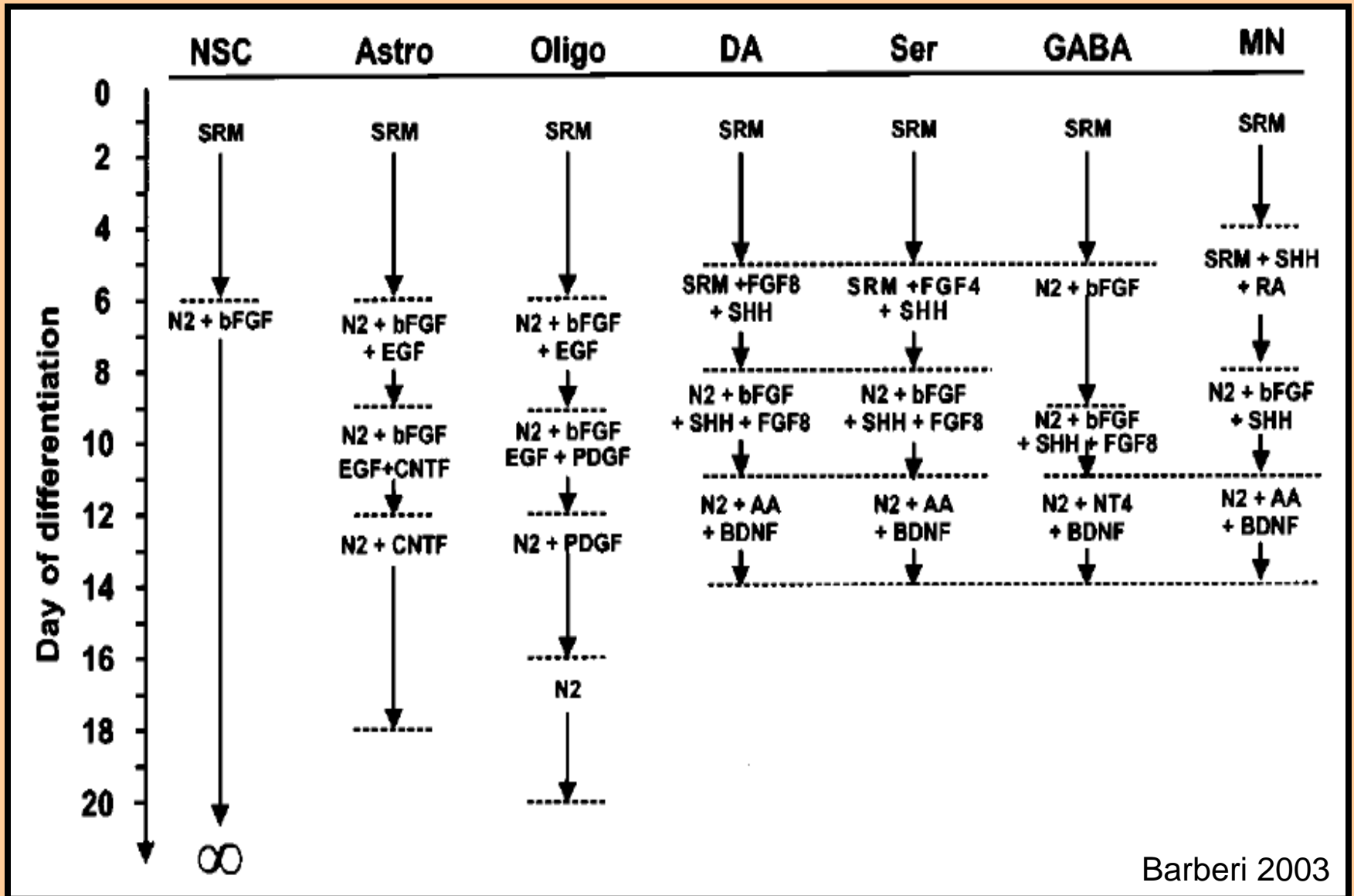
Příklad účinků jednotlivých specifických růstových faktorů na indukci diferenciace u lidských ES buněk v kombinaci s tvorbou embryoidních tělísek



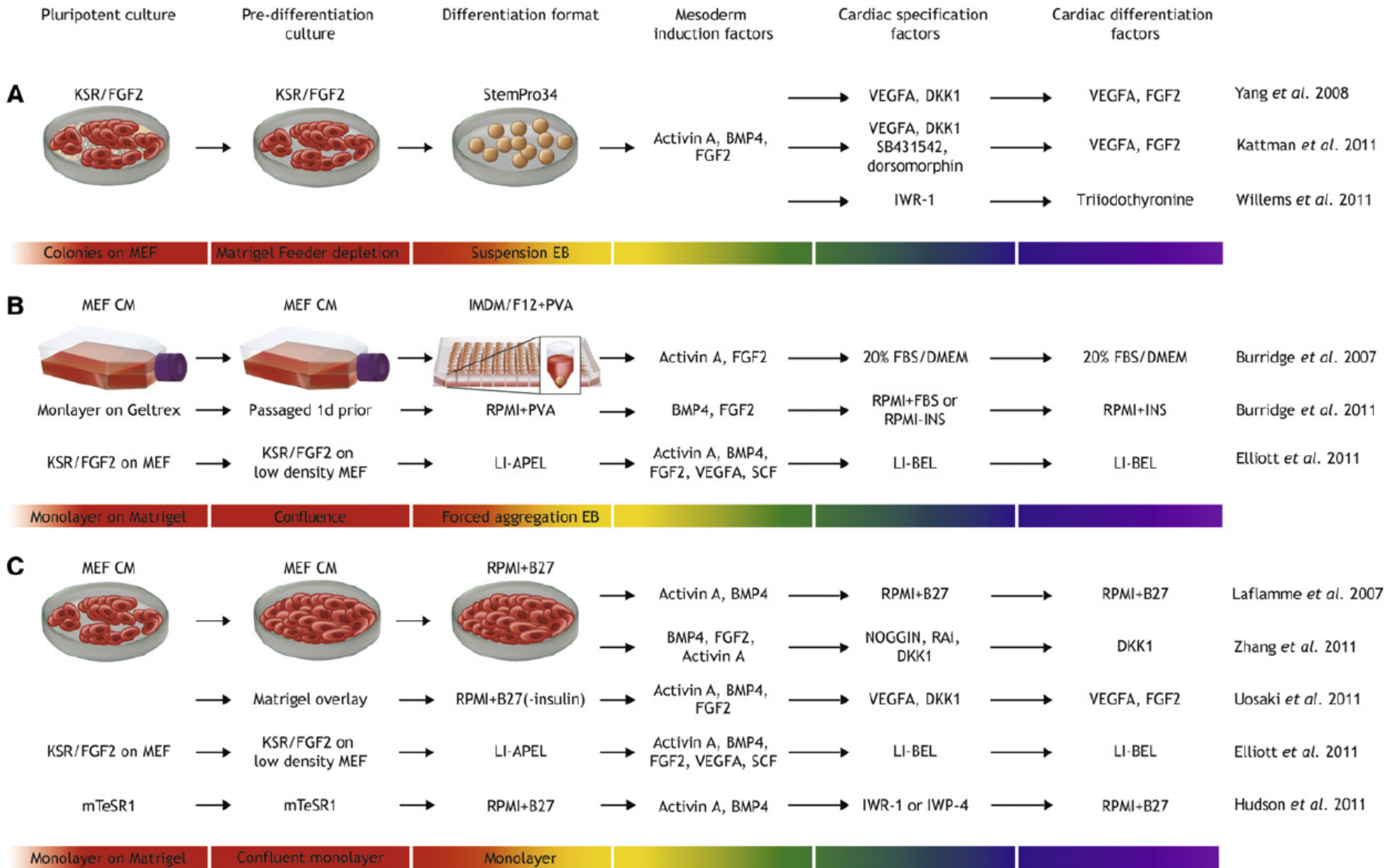


Příklad diferenciace ES buněk do různých typů neurálních buněk

NSC – neural stem cell, DA/Ser/GABA – dopaminergní/serotonergní/gabanergní neurony,
MN - motoneurony



Příklady diferenciacie lidských pluripotentních buněk do kardiomyocytů



SOUČASNÉ PROBLÉMY S VYUŽITÍM ES BUNĚK V TERAPII



- hES se nedaří dlouhodobě kultivovat beze změn v genotypu / fenotypu
- dlouhodobá kultivace za sub-optimálních podmínek vede k dosud neznámým, epigenetickým změnám snižujícím schopnost pluripotence (ireverzibilními i pro cytoplasmu zygoty, Amano 2006)
- dosud není spolehlivě vyřešen potenciaální vznik teratomů
- biologie a diferenciační potenciál ES buněk nejsou dosud dobře prozkoumány
- kultivace ES buněk je stále závislá na nedefinovaných faktorech

Částečně vyřešeno za využití iPSC:

- vliv pohlaví, inaktivace X chromosomu x aktivace genů na Y chromosomu (variabilita v odpovědi na stimuly diferenciace, stabilitu vlastností..)
- etika získávání nových lidských ES linií (různé státy, různé pohledy na věc)
- finance, přes velice atraktivní potenciál, který v sobě ES buňky mají, není jisté, jestli současná společnost bude mít dost prostředků na jejich využití např. v buněčné terapii

Primordiální zárodečné buňky - PGC (primordial germ cell)

- PGC se u myši objevují již 6 dpc, pravděpodobně je jejich vznik indukovaný v průběhu gastrulace, a to vnějšími signály, zejména BMP (na rozdíl od žab, *Drosophily* a *C. elegans*).
- 6 - 7.5 dpc migrují vně vlastní embrya, později (8.5 dpc <) migrují podél zadního střeva embrya do vytvořené zárodečné lišty.
- PGC zanikají po usazení v zárodečné liště (10-13 dpc u myši), stávají se z nich zárodečné buňky. Prodělají ještě 2-3 mitózy a u samců vznikají prospermatogonie zastavené v G0/G1 fázi mitózy. U samic vstupují do meiotické profáze (obojí > 12.5 dpc).
- Podobně jako ICM a ES buňky mají vysokou hladinu alkalické fosfatázy (ale ne TNAP, ale GCAP/TNAP), také exprimují *Oct4*, *Nanog*, ..
- Významné (pro specifikaci) jsou zdá se zejména *Stella*, *Fragilis*, *Nanog*,....
- PGC nejsou pluripotentní, jsou unipotentní!
- PGC mají omezený počet dělení, u myši napočítáno kolem 1000 buněk, rozdíly v závislosti na imbrední lini (případně metodě 😊)

Další klíčové geny ve specifikaci PGC

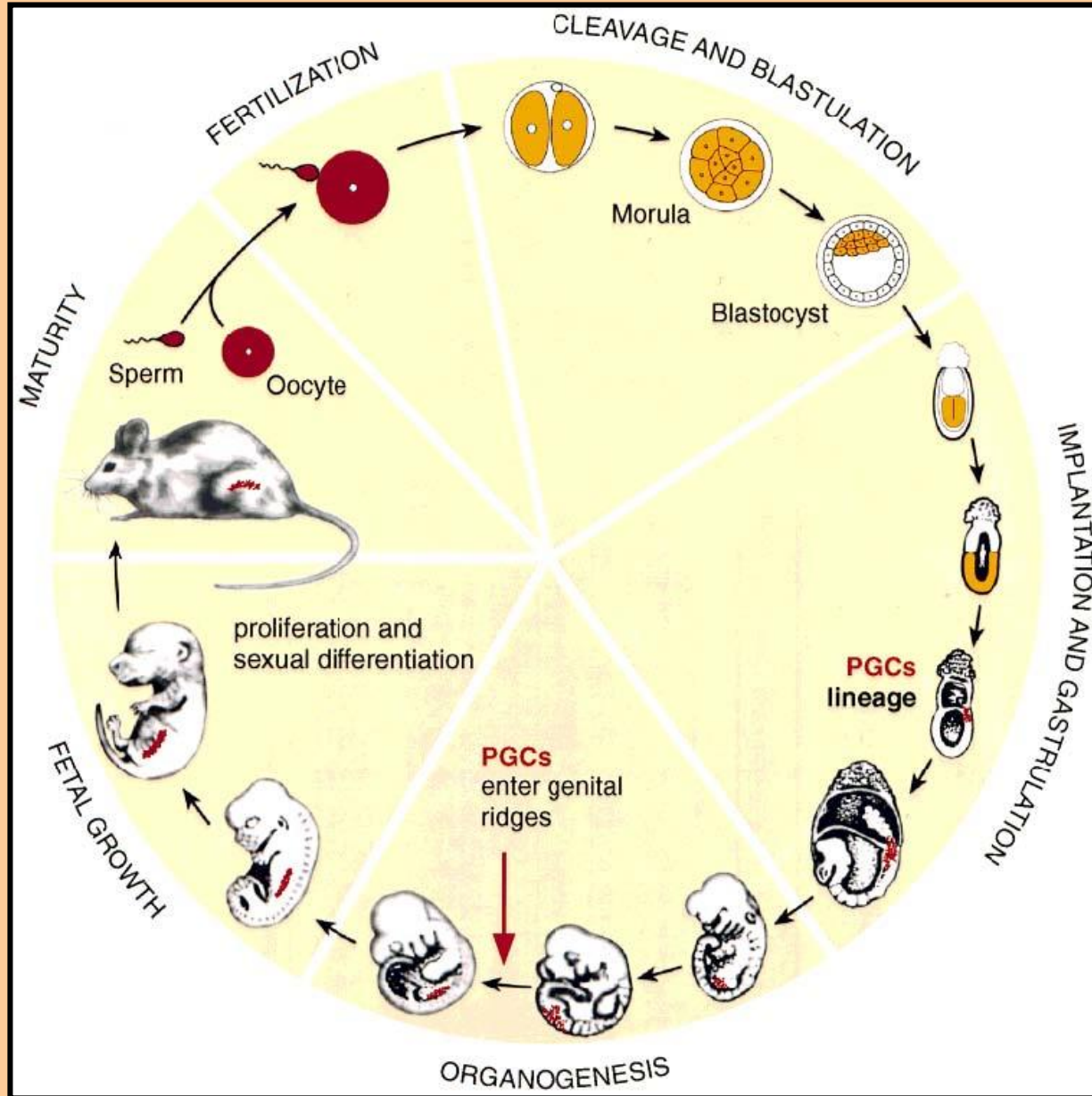
Stella (DPPA - developmental pluripotent associated 3)

Od oocyty (maternalní) po epiblast, později jen u PGC, podílí se na udržení jejich fenotypu, po jejich usazení v zárodečné liště jeho exprese vymizí. Také u ES buněk a některých nádorů. Represor transkripce. PCG protein, regulace methylace genomu.

Fragilis (IFITM3 - Interferon induced transmembrane protein 3)

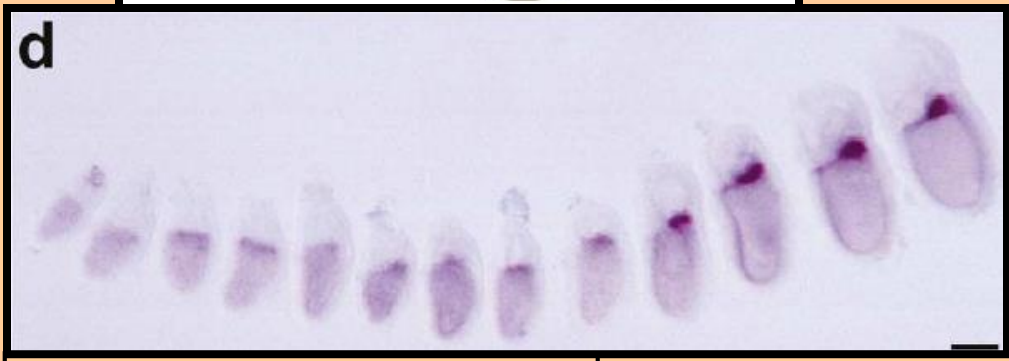
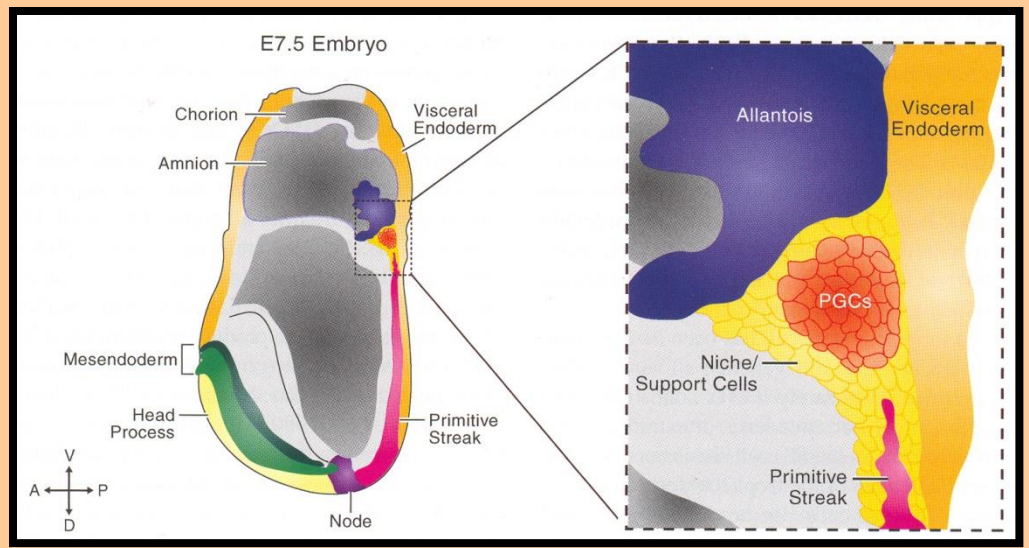
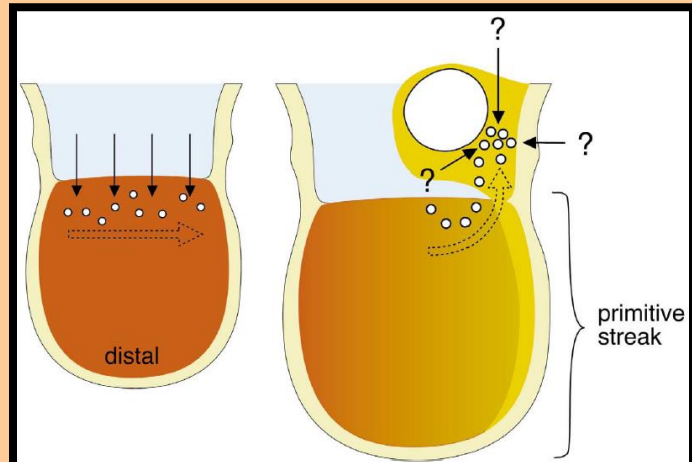
Z rodiny IFN indukovaných genů, je silně exprimován při formování PGC, s jejich migrací jeho exprese klesá. Transmembránový protein, narušuje intracelulární metabolismus cholesterolu a tím modifikuje vlastnosti buněčných membrán.

Cyklus zárodečných buněk u myši



PGC

primordiální zárodečné buňky

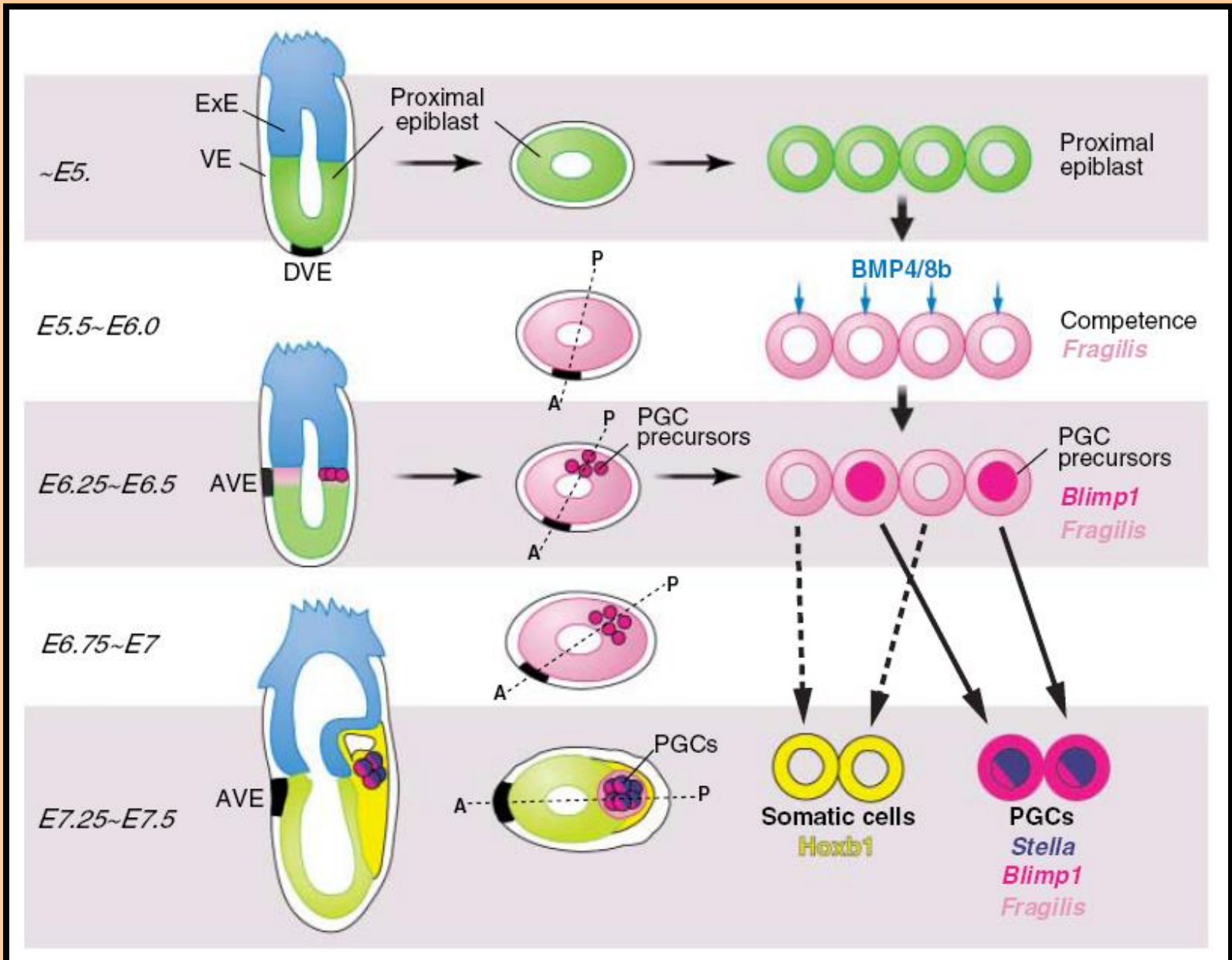


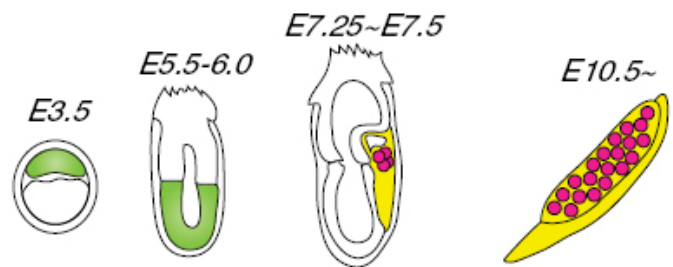
Expresse Fragilis mezi 6 – 7 dpc



Expresse Oct-4 v PGC usazených v zárodečné liště

Mechanismus vzniku PGC

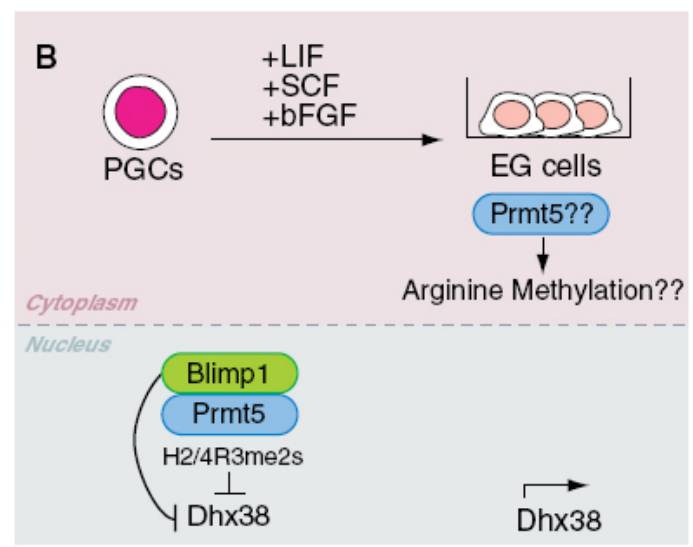
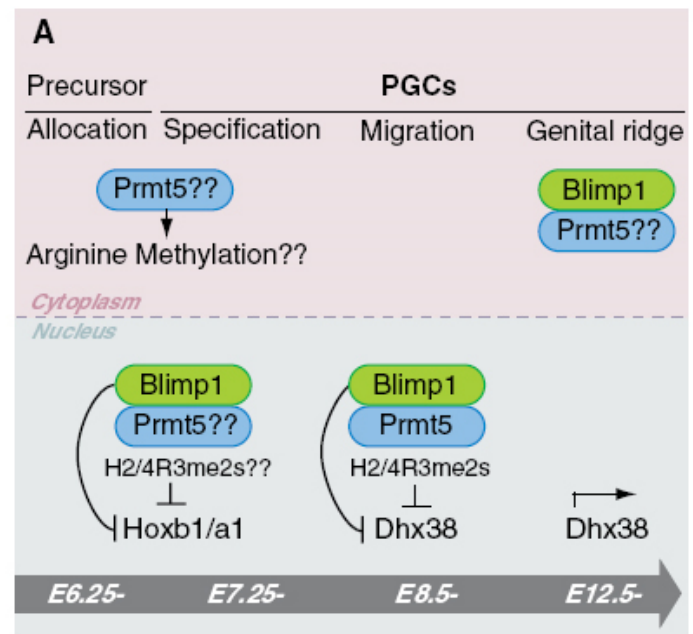




	E3.5	E5.5-6.0	E7.25~E7.5	E7.25~E7.5	E7.25~E7.5	E10.5~	E10.5~
Pluripotent	<i>Oct4</i>	+	+	+	-	+	-
	<i>Sox2</i>	+	+/-	+	-	+	+/-
	<i>Nanog</i>	+	-	+	-	+	-
Germ cell-enriched	<i>Blimp1</i>	-	-	+	-	+	+/-
	<i>Stella</i>	+	-	+	-	+	-
	<i>Fragilis</i>	+	+/-	+	+/-	+	+/-
	<i>Nanos3</i>	-	-	+	-	+	-
	<i>Dnd</i>	-?	-?	+	+/-	+	+/-
	<i>Dazl</i>	+?	-?	-	-	+	-
	<i>Mvh</i>	-	-	-	-	+	-
Somatic	<i>Hoxa1</i>	-	-	-	+	-	+/-
	<i>Hoxb1</i>	-	-	-	+	-	+/-
	<i>T</i>	-	+/-	-	+	-	+/-

+/- The expression depends on cells, regions or tissues
 ? Data are preliminary

Epigenetic	E3.5	E5.5-6.0	E7.25~E7.5	E7.25~E7.5	E7.25~E7.5	E10.5~	E10.5~
H3K4me2/3			+++	+	+	+	+
H3K9me2			+	+	+	+	+
H3K27me3			+++	+	+	+	+
5meC			+	+	+	+	+



Embryonální zárodečné buňky - EGC (Embryonic germ cells)

- EGC jsou odvozeny z primordiálních zárodečných buněk (PGC - primordial germ cell).
- Podobně jako ES buňky je lze expandovat *in vitro*, a jsou pluripotentní, jak dokazuje jejich schopnost diferencovat do buněk všech tří zárodečných listů jak *in vitro* (EB), tak *in vivo* (chiméry a teratomy).
- Z epigenetického pohledu (DNA metylace) jsou však více podobné PGC než ES buňkám
- Rozdíly v metylaci DNA se týkají zejména imprintovaných genů v závislosti na pohlaví, u EGC izolovaných z pozdějších embryonálních stádií se tento rozdíl zmenšuje. Tyto „imprinting-free“ PGC, však již netvoří zdravé chimerické jedince.
- U myši lze EGC izolovat z PGC mezi 8.5 - 12.5 dpc, později to již nelze
- PGC a následně EGC lze izolovat *in vitro* z ES buněk (lidských i myších)
- m/hEGC jsou závislé na LIF, během časně kultivace i na FGF2 a Stem cell faktoru (SCF; + feeder & FCS/SR).
- Exprimují podobné markery jako ES buňky, lidské EGC jsou fenotypem více podobné mES než hES (morfologie + exprese SSEA-1!;
u hES se SSEA-1 exprimuje až s jejich diferenciací)

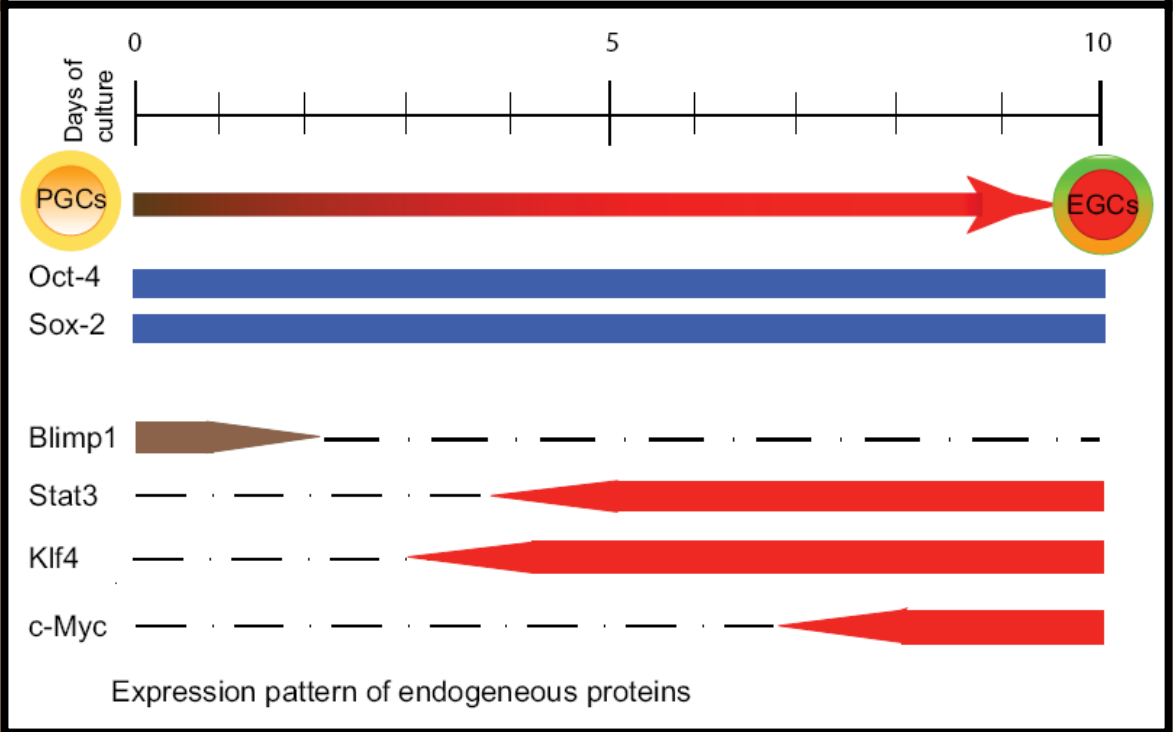
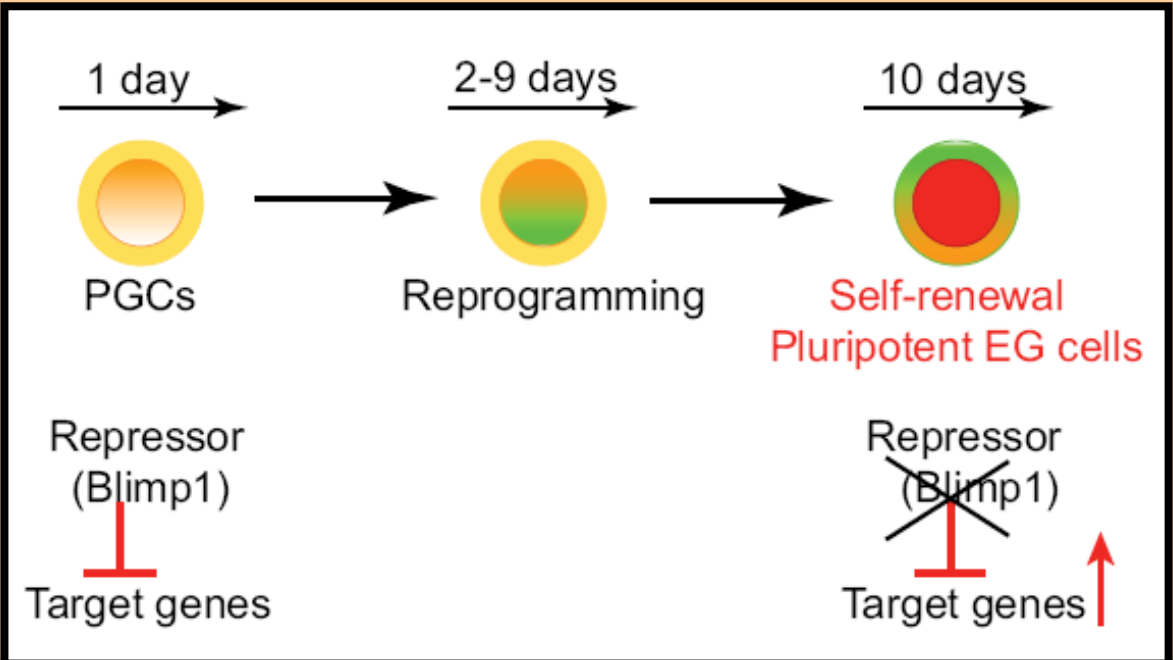
Vznik EGC z PGC

Gene	8.5 dpc PGCs				EG cells			
	5	7	14	20	1	2	3	6
Group I								
Oct-4	+	+	+	+	+	+	+	+
Sox-2	+	+	+	+	+	+	+	+
nanog	+	+	+	+	+	+	+	+
Dppa5(Esg-1)	+	+	+	+	+	+	+	+
Sall4	+	+	+	+	+	+	+	+
mRif1	+	+	+	+	+	+	+	+
E-cadherin	+	+	+	+	+	+	+	+
TNAP	+	+	+	+	+	+	+	+
Rex1 (Zfp42)	+	+	+	+	+	+	+	+
Utf1	+	+	+	+	+	+	+	+
Dppa3 (Stella)	+	+	+	+	+	+	+	+
Sox15	+	+	+	+	+	+	+	+
Grb2	-	+	+	+	+	+	+	+
β-catenin	-	+	+	+	+	+	+	+

Gene	8.5 dpc PGCs				EG cells			
	5	7	14	20	1	2	3	6
Group II								
<i>c-Myc</i>	-	-	-	+	+	+	+	+
<i>Stat-3</i>	-	-	-	-	+	+	+	+
<i>Klf-4</i>	-	-	-	-	+	+	+	+
Dnmt3L	-	-	-	-	+	+	+	+
ERas	-	-	-	-	+	+	+	+
Fthl-17	-	-	-	-	+	+	+	+
Dppa2	-	-	-	-	+	+	+	+
Dppa4	+	-	-	-	+	+	+	+
Ecat1	-	-	-	-	+	+	+	+
Ecat8	-	+	+	-	+	+	+	+
Gdf3	+	+	+	+	+	-	-	-
Fbxo15	-	+	-	+	+	+	+	+
Tcl1	-	+	-	-	+	+	+	+

Group I – genes in this group were expressed in both PGCs and EG cells.
 Group II – genes were expressed differentially in PGCs and EG cells, and shown as positive (+) and negative (-).
 E8.5 PGCs samples tested for expression are referred to as 5, 7, 14, 20.

(Durcova-Hills 2008)



Porovnání transkriptomů mES, mPGC a některých tkání

(Mise et al., 2008)

Table 1 Pairwise comparisons of gene expression profiles

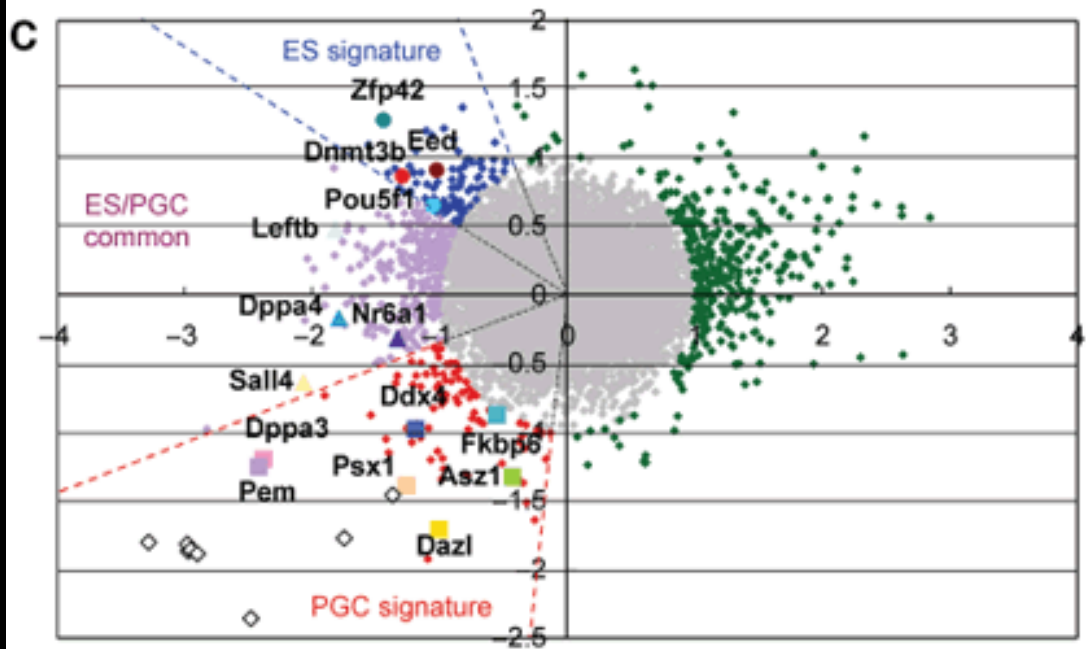
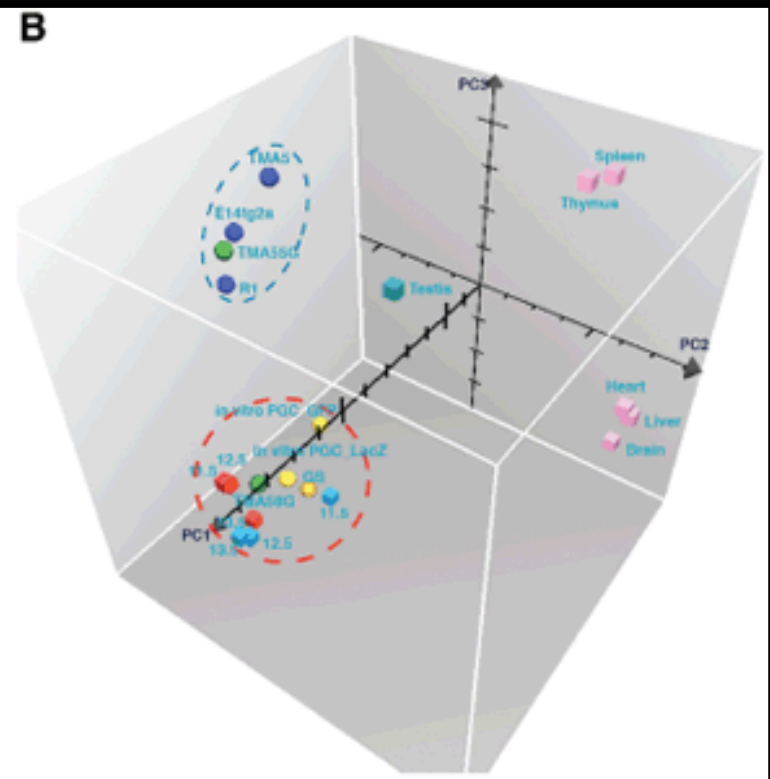
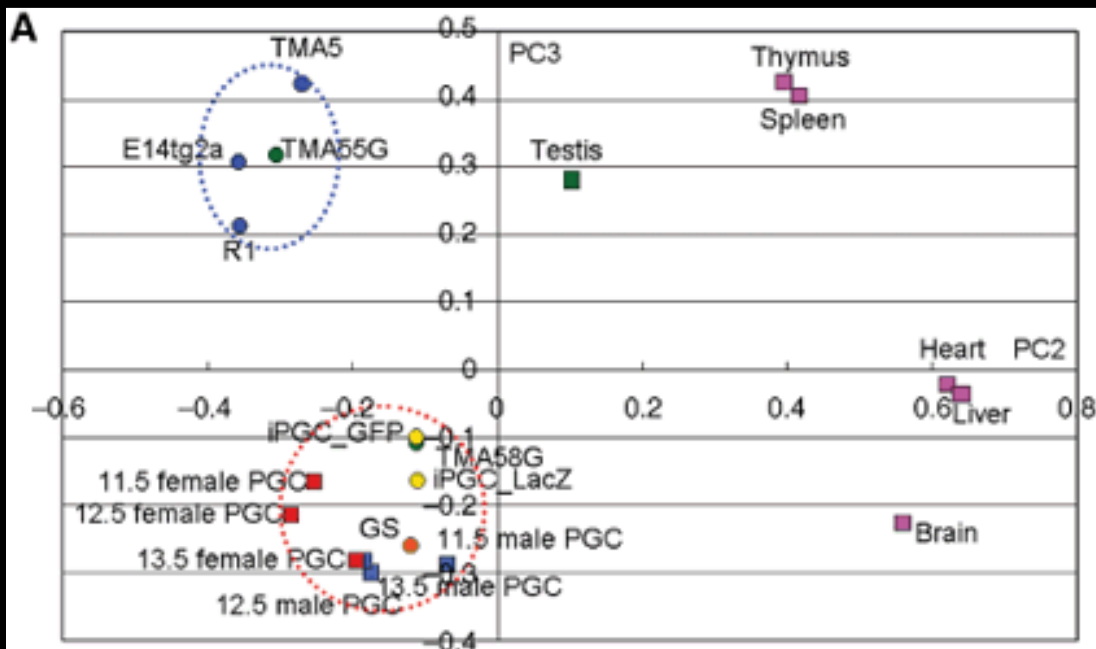
	R1	E14tg2a	TMA5	TMA55G	TMA58G	<i>in vitro</i> PGC_LacZ	<i>in vitro</i> PGC_GFP	11.5 male PGC	11.5 female PGC	12.5 male PGC	12.5 female PGC	13.5 male PGC	13.5 female PGC	GS	Testis	Heart	Brain	Liver	Spleen	Thymus
R1		0.878	0.709	0.742	0.684	0.651	0.639	0.515	0.662	0.613	0.654	0.629	0.591	0.533	0.454	0.150	0.203	0.203	0.213	0.278
E14tg2a	0.878		0.715	0.754	0.643	0.572	0.615	0.439	0.619	0.561	0.634	0.582	0.562	0.489	0.459	0.109	0.201	0.183	0.238	0.309
TMA5	0.709	0.715		0.867	0.598	0.520	0.460	0.424	0.612	0.492	0.547	0.525	0.489	0.431	0.606	0.274	0.135	0.179	0.201	0.300
TMA55G	0.742	0.754	0.867		0.672	0.614	0.555	0.517	0.696	0.604	0.649	0.627	0.598	0.505	0.602	0.287	0.155	0.193	0.218	0.297
TMA58G	0.684	0.643	0.598	0.672		0.874	0.652	0.645	0.745	0.800	0.708	0.794	0.733	0.664	0.505	0.396	0.304	0.401	0.294	0.320
<i>in vitro</i> PGC_LacZ	0.651	0.572	0.520	0.614	0.874		0.686	0.644	0.692	0.741	0.660	0.747	0.706	0.620	0.468	0.379	0.275	0.380	0.249	0.257
<i>in vitro</i> PGC_GFP	0.639	0.615	0.460	0.555	0.652	0.686		0.585	0.611	0.647	0.630	0.635	0.593	0.531	0.406	0.280	0.313	0.342	0.236	0.257
11.5 male PGC	0.515	0.439	0.424	0.517	0.645	0.644	0.585		0.760	0.724	0.700	0.758	0.714	0.623	0.419	0.319	0.350	0.311	0.245	0.300
11.5 female PGC	0.662	0.619	0.612	0.696	0.745	0.692	0.611	0.760		0.898	0.908	0.901	0.855	0.723	0.536	0.290	0.224	0.291	0.262	0.320
12.5 male PGC	0.613	0.561	0.492	0.604	0.800	0.741	0.647	0.724	0.898		0.909	0.950	0.881	0.755	0.501	0.344	0.270	0.341	0.289	0.297
12.5 female PGC	0.654	0.634	0.547	0.649	0.708	0.660	0.630	0.700	0.908	0.909		0.899	0.917	0.726	0.495	0.242	0.226	0.247	0.260	0.298
13.5 male PGC	0.629	0.582	0.525	0.627	0.794	0.747	0.635	0.758	0.901	0.950	0.899		0.900	0.797	0.519	0.339	0.281	0.334	0.289	0.315
13.5 female PGC	0.591	0.562	0.489	0.598	0.733	0.706	0.593	0.714	0.855	0.881	0.917	0.900		0.791	0.524	0.294	0.281	0.292	0.279	0.317
GS	0.533	0.489	0.431	0.505	0.664	0.620	0.531	0.623	0.723	0.755	0.726	0.797	0.791		0.500	0.282	0.288	0.307	0.264	0.303
Testis	0.454	0.459	0.606	0.602	0.505	0.468	0.406	0.419	0.536	0.501	0.495	0.519	0.524	0.500		0.453	0.299	0.356	0.333	0.381
Heart	0.150	0.109	0.274	0.287	0.396	0.379	0.280	0.319	0.290	0.344	0.242	0.339	0.294	0.282	0.453		0.437	0.568	0.333	0.347
Brain	0.203	0.201	0.135	0.155	0.304	0.275	0.313	0.350	0.224	0.270	0.226	0.281	0.281	0.288	0.299	0.437		0.434	0.260	0.343
Liver	0.203	0.183	0.179	0.193	0.401	0.380	0.342	0.311	0.291	0.341	0.247	0.334	0.292	0.307	0.356	0.568	0.434		0.411	0.409
Spleen	0.213	0.238	0.201	0.218	0.294	0.249	0.236	0.245	0.262	0.289	0.260	0.289	0.279	0.264	0.333	0.333	0.260	0.411		0.675
Thymus	0.278	0.309	0.300	0.297	0.320	0.257	0.257	0.300	0.320	0.297	0.298	0.315	0.317	0.303	0.381	0.347	0.343	0.409	0.675	

R1, E14tg2a, TMA5 – linie mES buněk

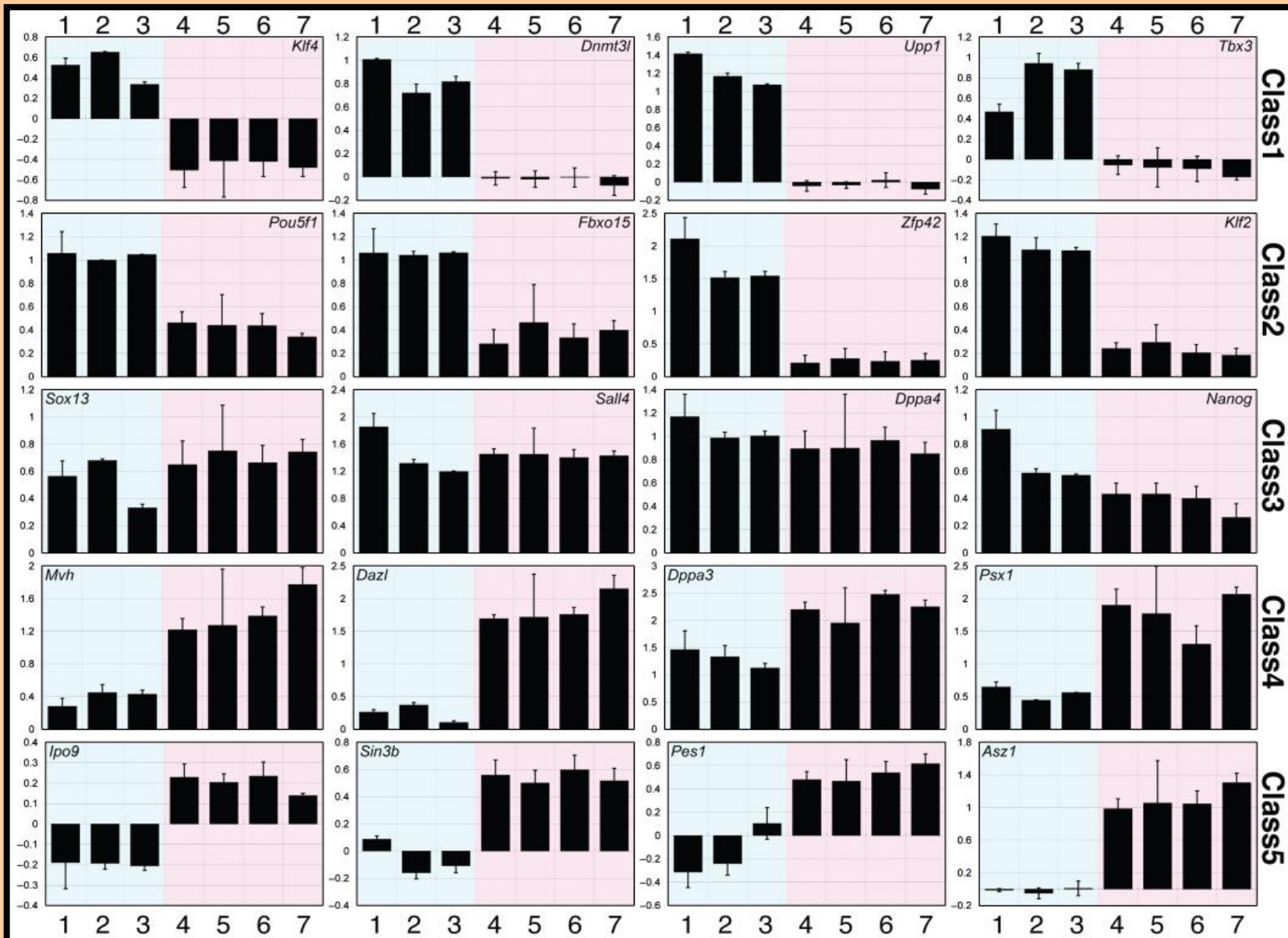
TMA55G (male), TMA58G (female) – EGC

GS – germ stem cell (derived from spermatogonia)

Analýza hlavních komponent expresních profilů

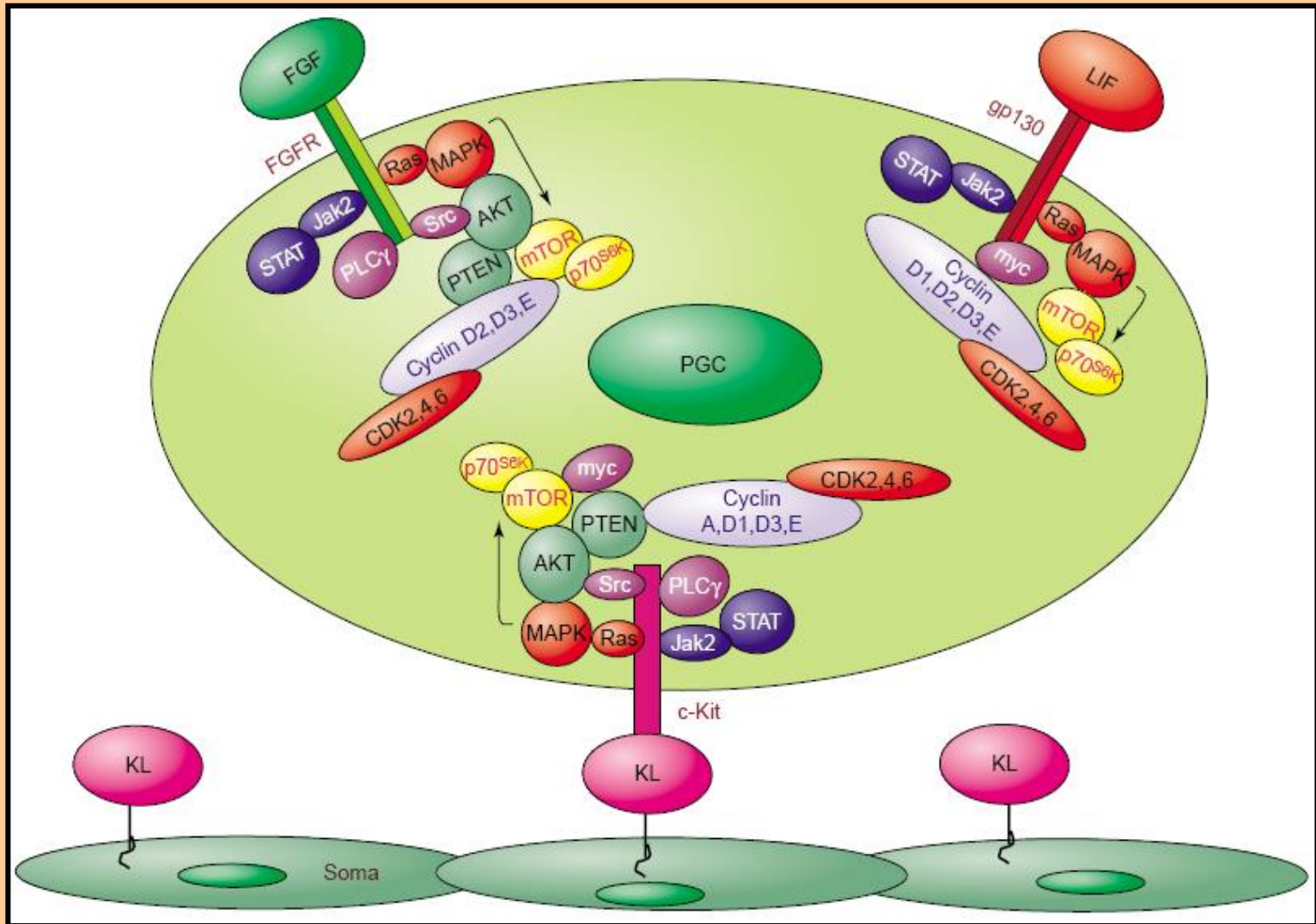


blue – ES specifický patern
 red – PGC specifický patern
 purple - ES/PGC specifický patern
 green – nevýznamné pro specifikaci ES/PGC

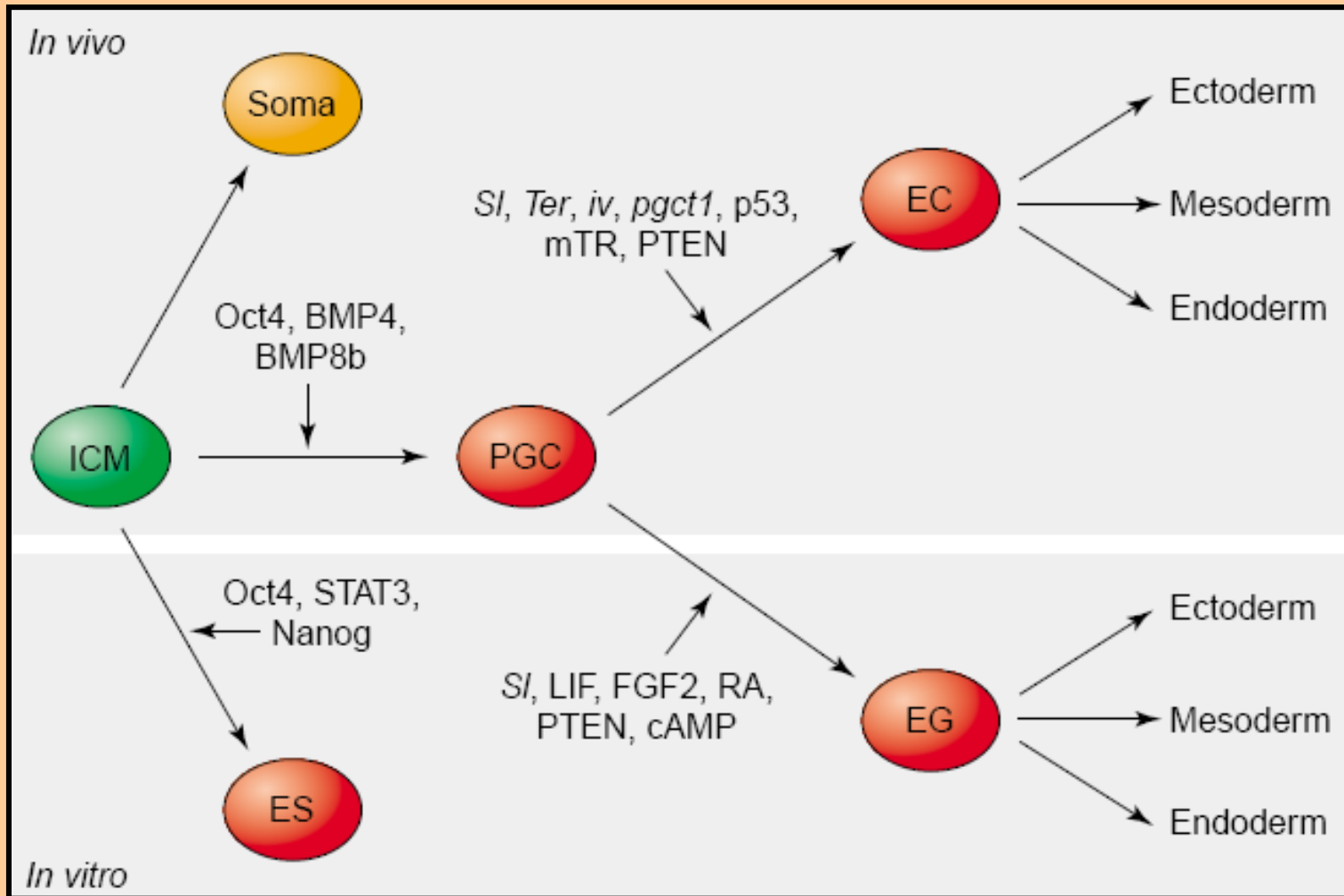


- | | |
|------------|--------------------|
| 1. R1 | 4. 12.5 male PGC |
| 2. E14tg2a | 5. 12.5 female PGC |
| 3. TMA5 | 6. 13.5 male PGC |
| | 7. 13.5 female PGC |

Schema předpokládaného zapojení FGF, LIF a KL (c-Kit ligand = Steel factor (SF)/ stem cell factor (SCF) v regulaci sel-renewal EG buněk

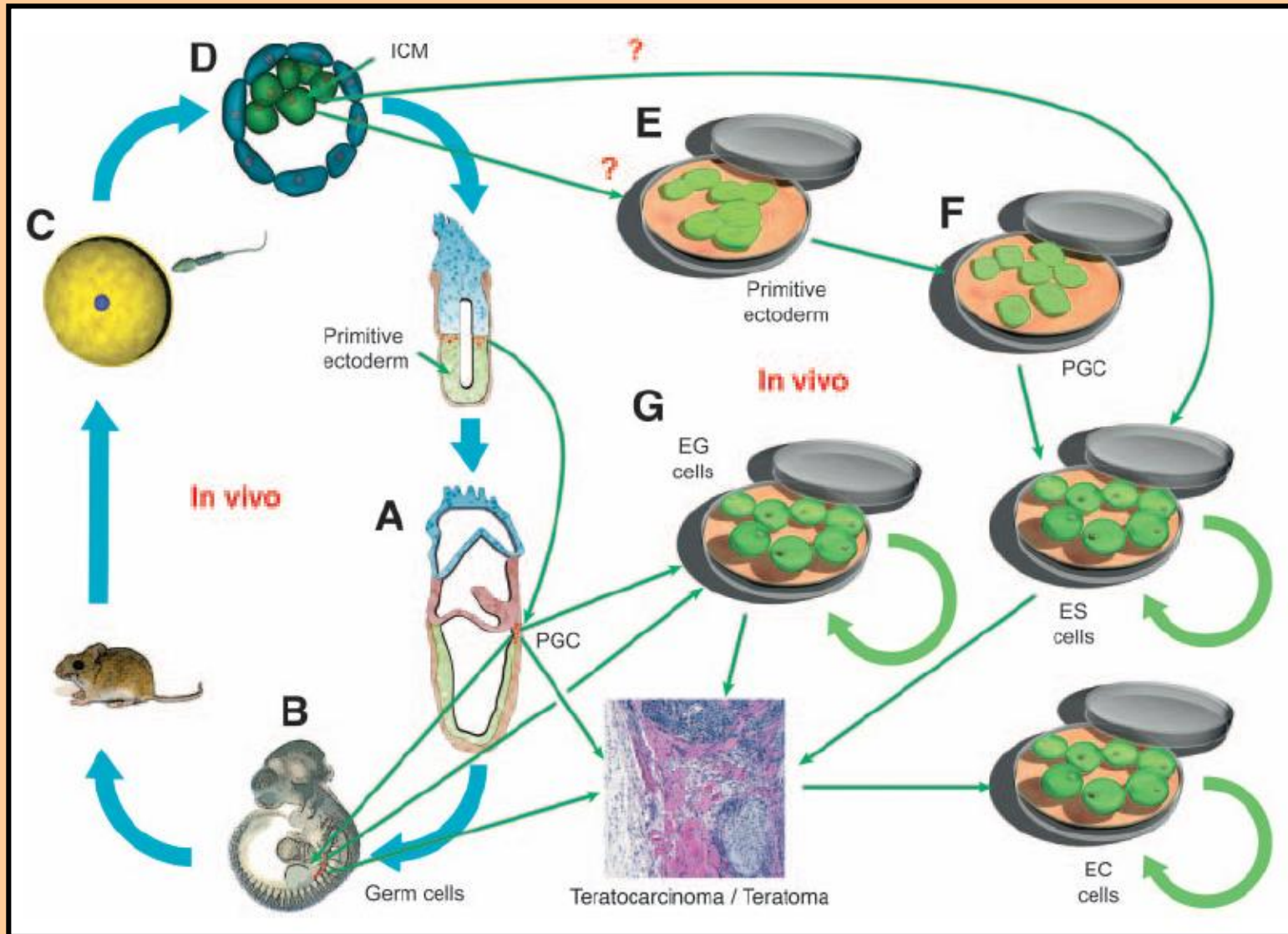


Vztahy mezi pluripotentními buňkami a některé klíčové regulační komponenty těchto buněk



Sl – *Steel* locus, *Ter* – *Teratoma* locus, *pgct1* – primordial germ cell tumor susceptibility locus, PTEN – Phosphatase and tensin homologue deleted on chromosome 10, mTR (mTOR) - serine-threonine kinase mammalian target of rapamycin

Není původ ES buněk v PGC ???



Není původ ES buněk v PGC ???

Gene	Species	ES	EGC	LGC	ICM	PE
<i>Pou5f1</i> (Pesce and Scholer, 2001)	M	+	+	+	+	+
<i>Nanog</i> (Chambers et al., 2003)	M	+	+	+	+	+
<i>Dppa3</i> (Saitou et al., 2002)	M	+	+	+	+	+
<i>Ifitm3</i> (Saitou et al., 2002)	M	+	+	+	+	+
<i>Kit</i> (Horie et al., 1991)	M	+	+	+	-	N/D
<i>DAZL</i> (Clark et al., 2004)	H	+	+	+	-	N/D
<i>Ddx4</i> (Toyooka et al., 2003)	M	-	-	+	-	-
<i>Akp2</i> (Chiquoine, 1954)	M	+	+	+	+	+
<i>Zfp42</i> (Rogers et al., 1991)	M	+	N/D	N/D	+	-
<i>Fgf5</i> (Haub and Goldfarb, 1991; Hebert et al., 1991)	M	-	N/D	N/D	-	+
<i>Gbx1</i> (Chapman et al., 1997)	M	+	N/D	N/D	+	-

Zwaka, 2005

M- myš; H – člověk; N/D – netestováno; ES – embryonální kmenové buňky; EGC – časné primordiální zárodečné buňky (!); LGC – pozdní primordiální zárodečné buňky; ICM – vnitřní buněčná masa; PE – primitivní ectoderm/epiblast

[Nature](#). 2013 Oct 30. doi: 10.1038/nature12745. [Epub ahead of print]

Derivation of novel human ground state naive pluripotent stem cells.

[Gafni O](#), [Weinberger L](#), [Mansour AA](#), [Manor YS](#), [Chomsky E](#), [Ben-Yosef D](#), [Kalma Y](#), [Viukov S](#), [Maza I](#), [Zviran A](#), [Rais Y](#), [Shipony Z](#), [Mukamel Z](#), [Krupalnik V](#), [Zerbib M](#), [Geula S](#), [Caspi I](#), [Schneir D](#), [Shwartz T](#), [Gilad S](#), [Amann-Zalcenstein D](#), [Benjamin S](#), [Amit I](#), [Tanay A](#), [Massarwa R](#), [Novershtern N](#), [Hanna JH](#).

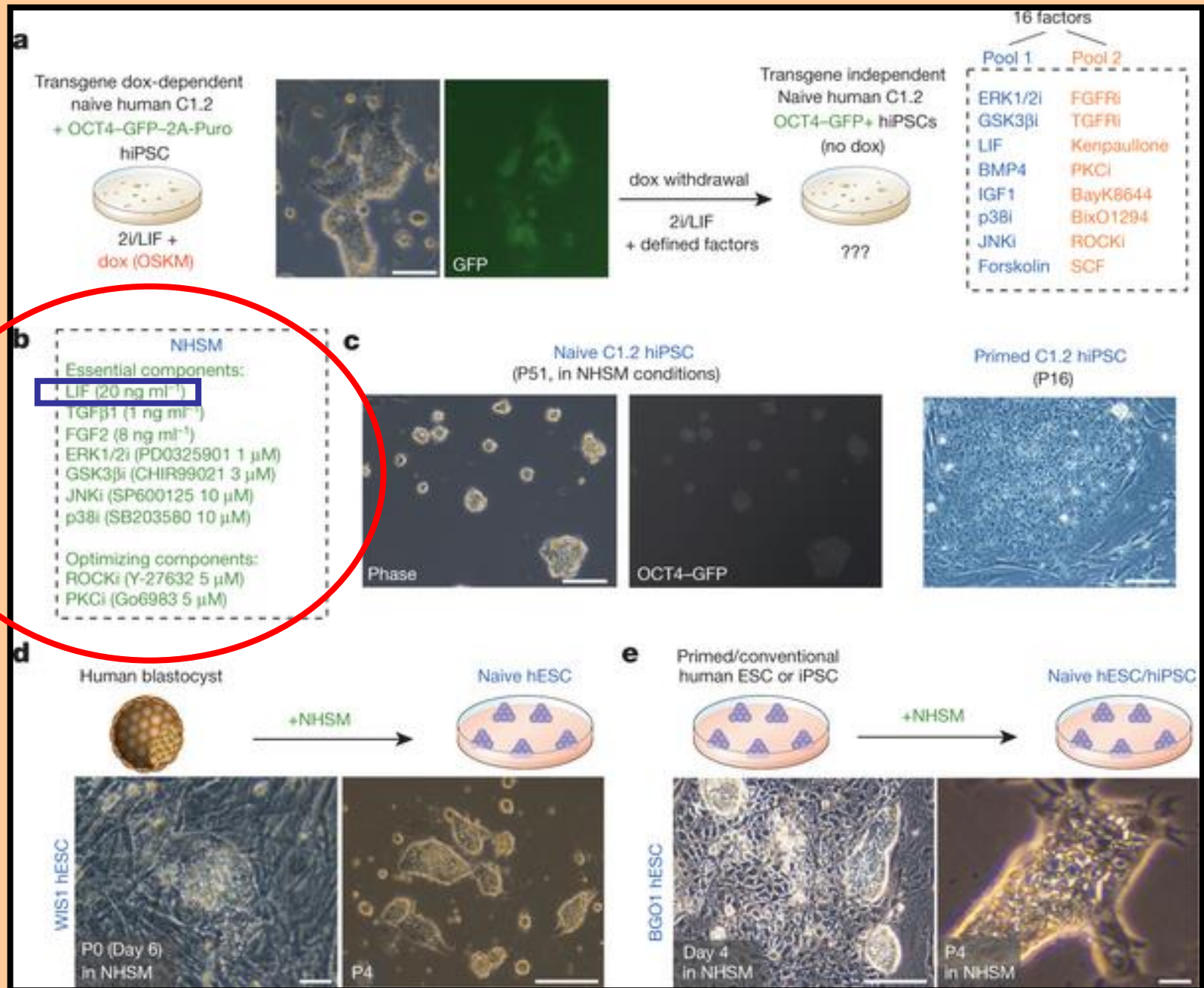
Source

1] The Department of Molecular Genetics, Weizmann Institute of Science, Rehovot 76100, Israel [2].

Abstract

Mouse embryonic stem (ES) cells are isolated from the inner cell mass of blastocysts, and can be preserved in vitro in a naive inner-cell-mass-like configuration by providing exogenous stimulation with leukaemia inhibitory factor (LIF) and small molecule inhibition of ERK1/ERK2 and GSK3 β signalling (termed 2i/LIF conditions). Hallmarks of naive pluripotency include driving Oct4 (also known as Pou5f1) transcription by its distal enhancer, retaining a pre-inactivation X chromosome state, and global reduction in DNA methylation and in H3K27me3 repressive chromatin mark deposition on developmental regulatory gene promoters. Upon withdrawal of 2i/LIF, naive mouse ES cells can drift towards a primed pluripotent state resembling that of the post-implantation epiblast. Although human ES cells share several molecular features with naive mouse ES cells, they also share a variety of epigenetic properties with primed murine epiblast stem cells (EpiSCs). These include predominant use of the proximal enhancer element to maintain OCT4 expression, pronounced tendency for X chromosome inactivation in most female human ES cells, increase in DNA methylation and prominent deposition of H3K27me3 and bivalent domain acquisition on lineage regulatory genes. The feasibility of establishing human ground state naive pluripotency in vitro with equivalent molecular and functional features to those characterized in mouse ES cells remains to be defined. Here we establish defined conditions that facilitate the derivation of genetically unmodified human naive pluripotent stem cells from already established primed human ES cells, from somatic cells through induced pluripotent stem (iPS) cell reprogramming or directly from blastocysts. The novel naive pluripotent cells validated herein retain molecular characteristics and functional properties that are highly similar to mouse naive ES cells, and distinct from conventional primed human pluripotent cells. This includes competence in the generation of cross-species chimaeric mouse embryos that underwent organogenesis following microinjection of human naive iPS cells into mouse morulas. Collectively, our findings establish new avenues for regenerative medicine, patient-specific iPS cell disease modelling and the study of early human development in vitro and in vivo.

Lidské „naivní“ pluripotentní kmenové buňky (human naive hESC = ekvivalent mESC)



Dospělé multipotentní zárodečné kmenové buňky (AMGDSC Adult multipotent germ-derived stem cell)

- odvozeno ze spermatogonií
- fenotyp velmi podobný ES buňkám
- oproti ES buňkám snižená schopnost pluripotence – jen chiméry
- pluripotence také *in vitro*

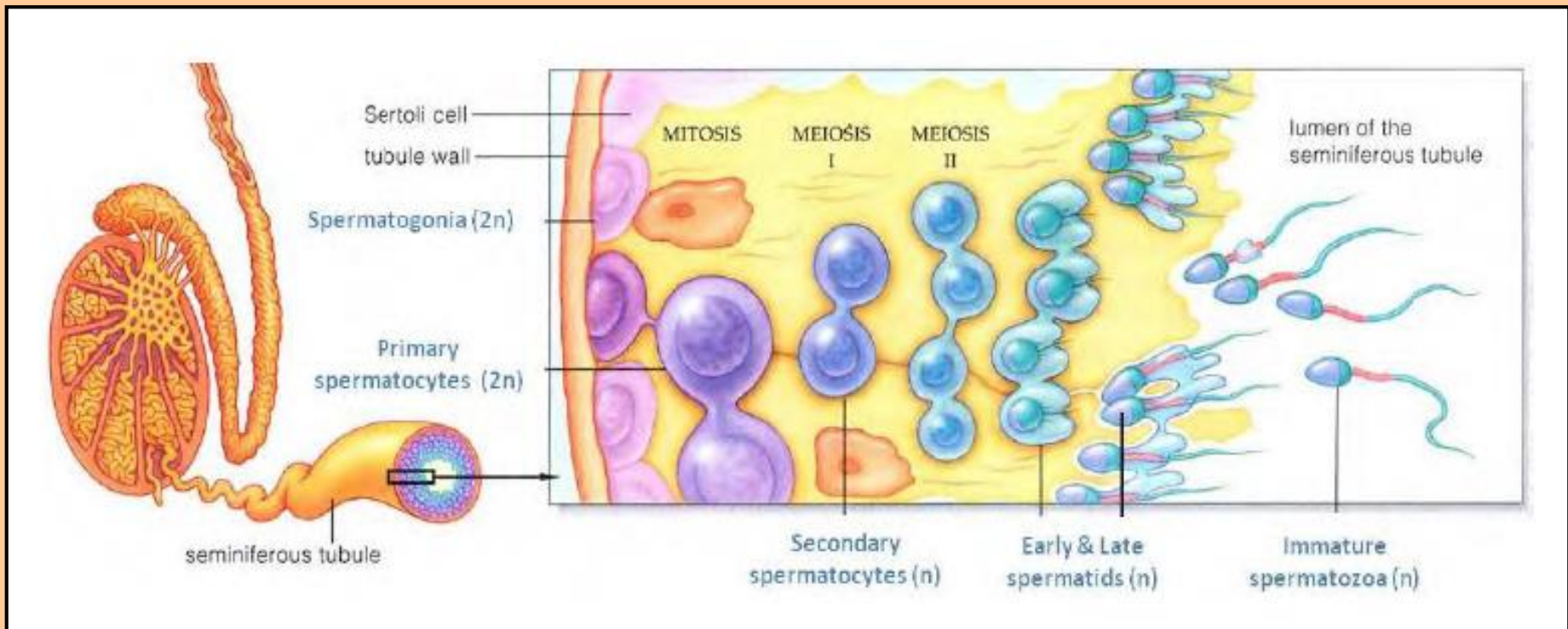


Image modified from (Hammack's universe of ideas. 2011).

Pluripotency of spermatogonial stem cells from adult mouse testis.

Guan K, Nayernia K, Maier LS, Wagner S, Dressel R, Lee JH, Nolte J, Wolf F, Li M, Engel W, Hasenfuss G. Nature. 2006 Apr 27;440(7088):1199-203.

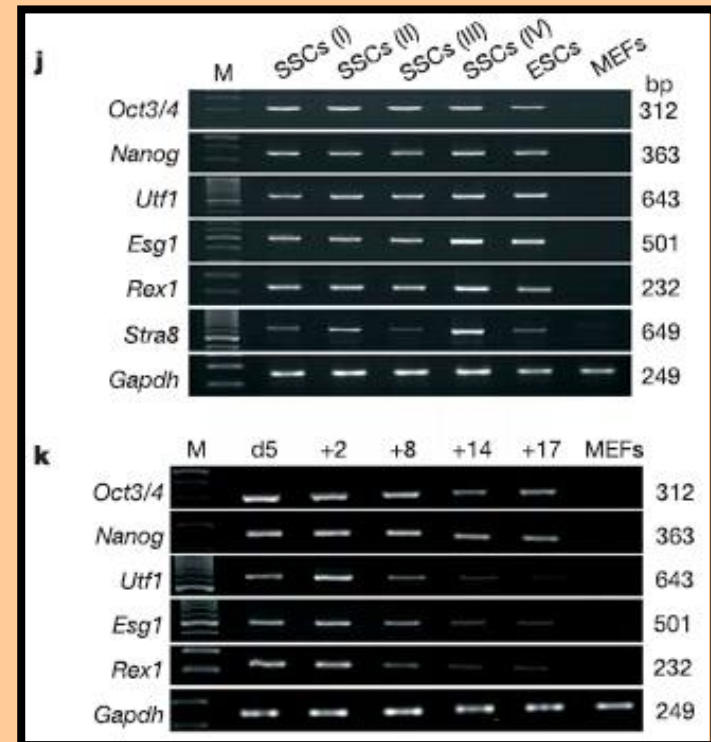
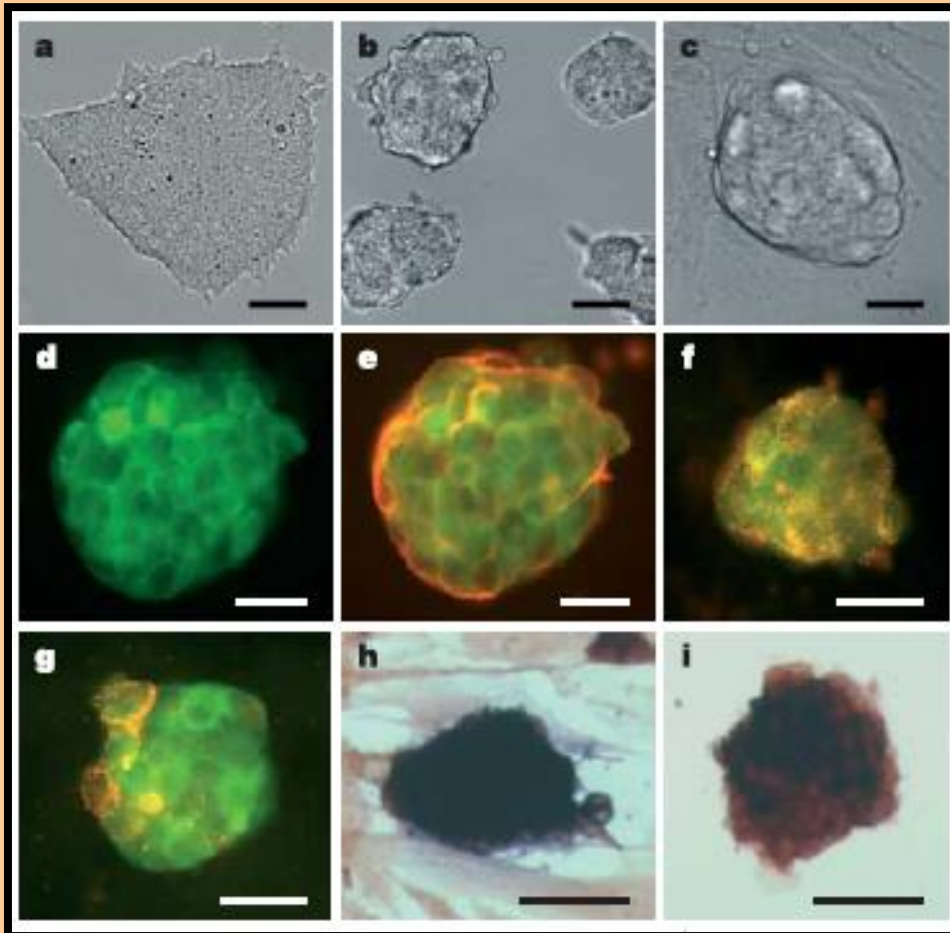


Figure 1 | Cellular and molecular characterization of cultured SSCs and maGSCs. **a**, Epiblast-like colony formed under culture condition I. **b**, ESC-like colonies appeared under culture condition II. **c**, A typical colony of established culture under condition IV at passage 30. **d–g**, Double immunostaining of maGSCs in culture condition IV (**d–f**) or condition II (**g**) with antibodies against GFP (green, **d–g**) and SSEA-1 (red, **e**), Oct4 (red, **f**) or SSEA-3 (red, **g**). **h, i**, Alkaline phosphatase staining. SSCs cultured under condition IV (maGSCs, **h**) are strongly positive for alkaline phosphatase, whereas SSCs under condition II (**i**) show a mixed colony phenotype. **j, k**, RT-PCR analyses of transcription factors essential for undifferentiated cells in SSCs cultured under conditions I, II, III and IV (**j**) and during differentiation of embryoid bodies after plating at day 5 (d5; **k**). M, 100-bp DNA markers; numbers to the right indicate the sizes of the resolved DNA fragments (in bp). Scale bars, 50 μ m (**a–c, h, i**), 25 μ m (**d–g**).

Condition II & IV + LIF

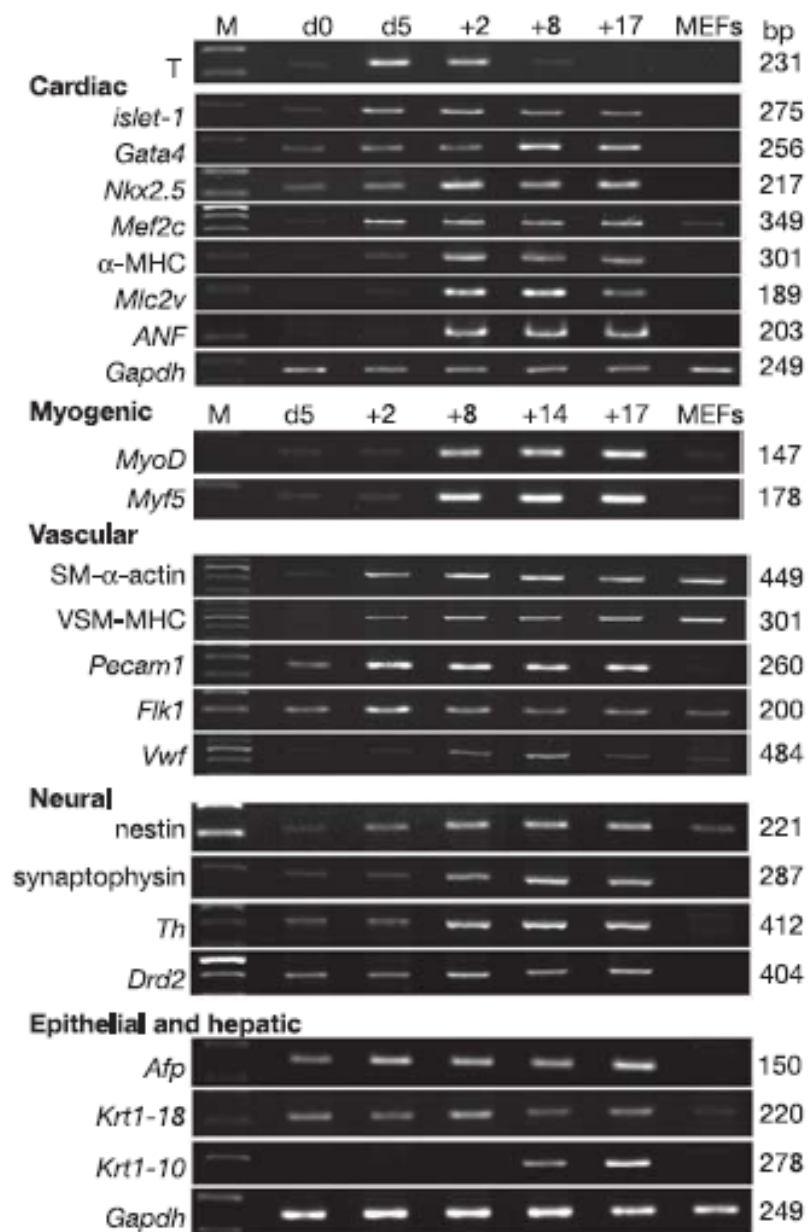


Figure 2 | RT-PCR analysis of lineage-specific transcription factors and genes. Analyses were performed at different stages during the differentiation of embryoid bodies after plating at day 5 (d5). M, 100-bp DNA markers. d0, maGSCs before embryoid body formation.

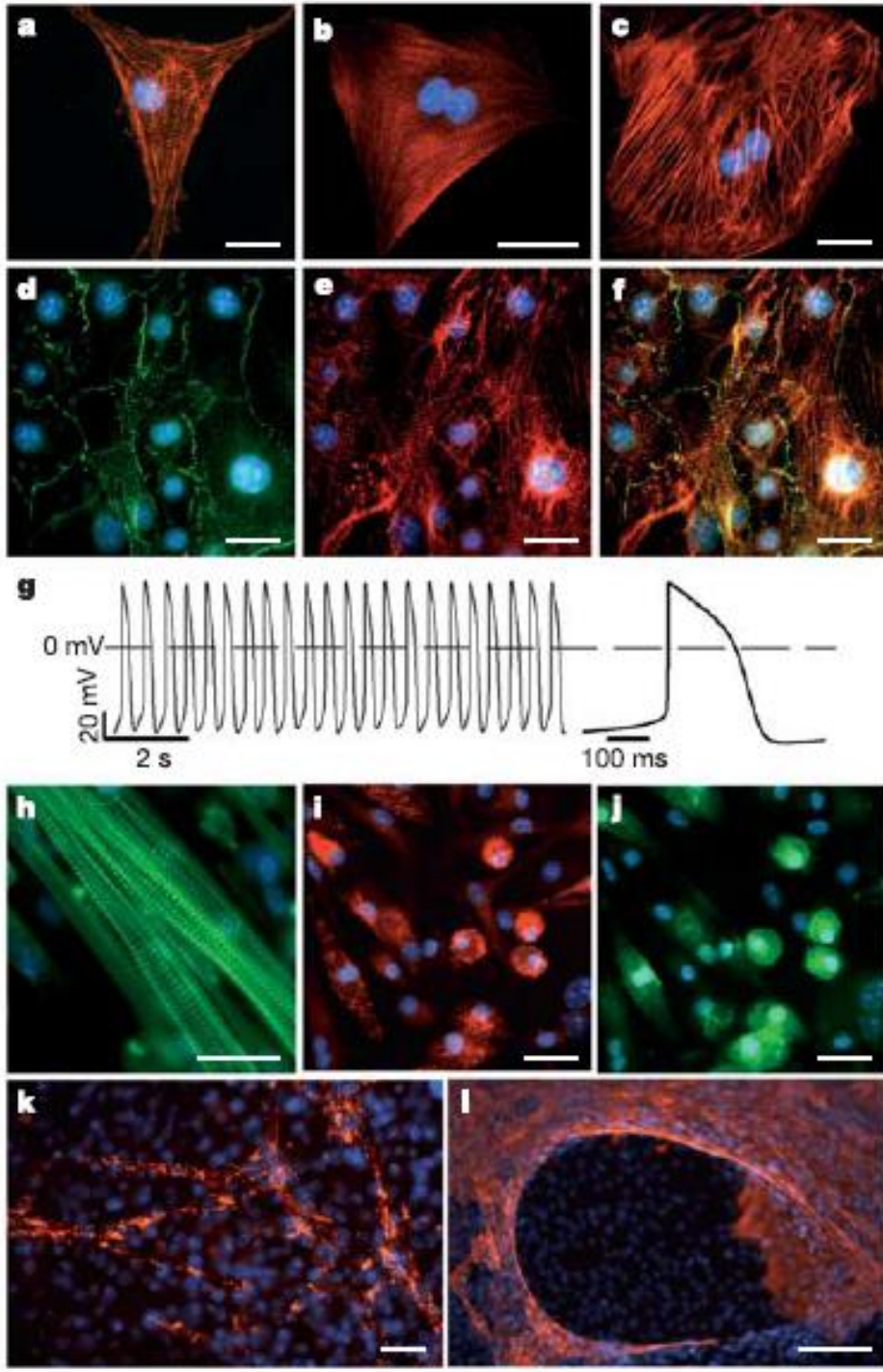


Figure 3 | Mesoderm differentiation of maGSCs. **a–c**, Organization of the sarcomeric proteins α -actinin (**a**), sarcomeric MHC (**b**) and cardiac troponin T (**c**) in isolated cardiomyocytes at day 5 + 7. **d–f**, Connexin 43 staining (**d**, green) in a cluster of uninucleate cardiac cells stained for sarcomeric α -actinin (**e**, red), with an overlay of **d** and **e** shown in **f**. Nuclei are stained with DAPI. **g**, Original traces of ventricle-like action potentials in a cardiomyocyte derived from maGSCs. **h**, Nebulin-positive myotubes at differentiation day 5 + 23. **i, j**, Dil-acLDL uptake (**i**, red) and lectin binding (**j**, green) of endothelial cells in embryoid body outgrowths at day 5 + 14. **k**, Vwf-positive endothelial cells (red) at day 5 + 17. **l**, Smooth muscle α -actin-positive cells (red) of tube-like structure in embryoid body outgrowths at day 5 + 14. Scale bars, 25 μ m (**a–f, h–k**), 100 μ m (**l**).

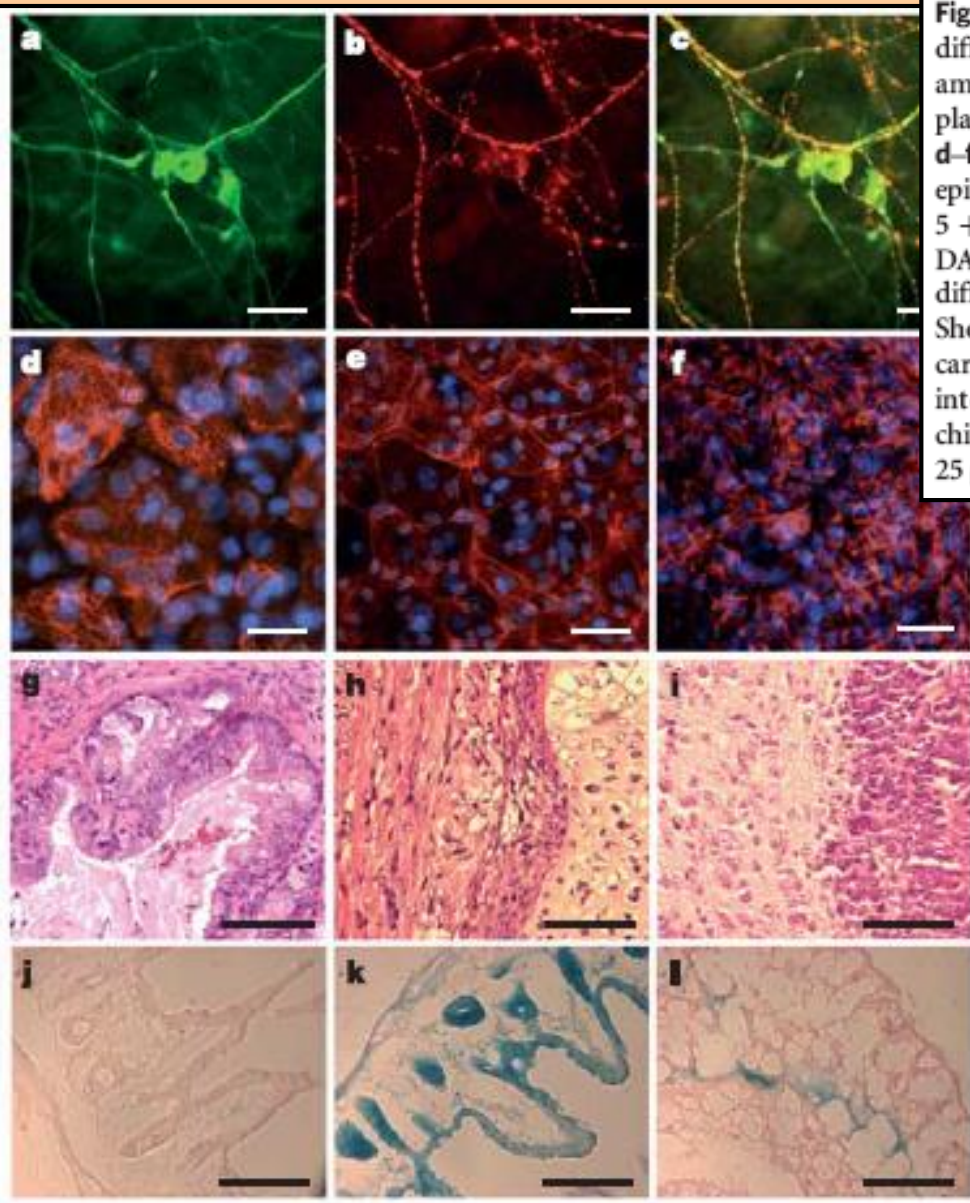


Figure 4 | Differentiation of maGSCs *in vitro* and *in vivo*. **a–c**, Neuronal differentiation of maGSCs. TH-positive dopaminergic neurons (**b**) appeared among neurofilament protein M (NFM)-positive neurons (**a**) on day 12 after plating of embryoid bodies at day 5 (day 5 + 12). **c**, Overlay of **a** and **b**. **d–f**, Epithelial cell/hepatocyte differentiation. **d**, Pan-cytokeratin-positive epithelial cells on day 5 + 14. **e**, CK18-positive large epithelioid cells on day 5 + 17. **f**, CK7-positive bile duct cells on day 5 + 14. Nuclear staining with DAPI. **g–i**, Teratomas from maGSCs. The tumours contained abundant differentiation of advanced derivatives of all three embryonic germ layers. Shown are epithelium with intestinal differentiation (**g**), striated muscle, cartilage (**h**) and neural tissue (**i**). **j–l**, Representative images of LacZ-stained intestine tissue from a wild-type mouse (**j**), a mouse with high grade of chimaerism (**k**) and a mouse with low grade of chimaerisms (**l**). Scale bars, 25 μm (**a–f**), 50 μm (**g–i**), 100 μm (**j–l**).

V současnosti ale pochybnosti

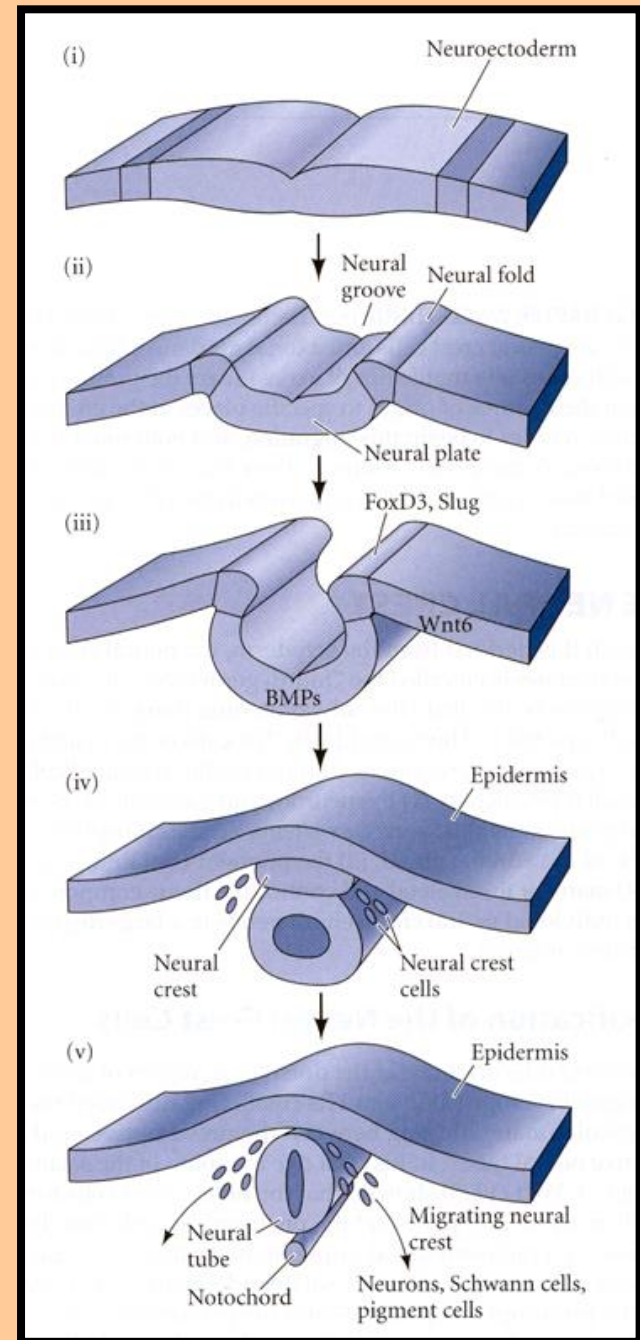
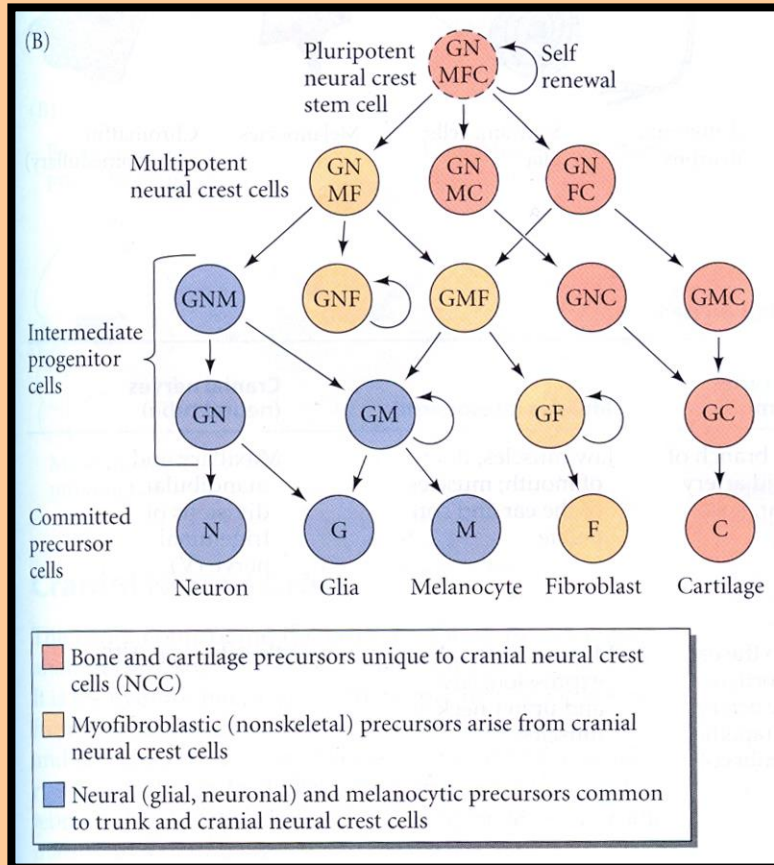


[Concise review: challenging the pluripotency of human testis-derived ESC-like cells.](#)
 Tapia N, Araúzo-Bravo MJ, Ko K, Schöler HR.
 Stem Cells. 2011 Aug;29(8):1165-9.

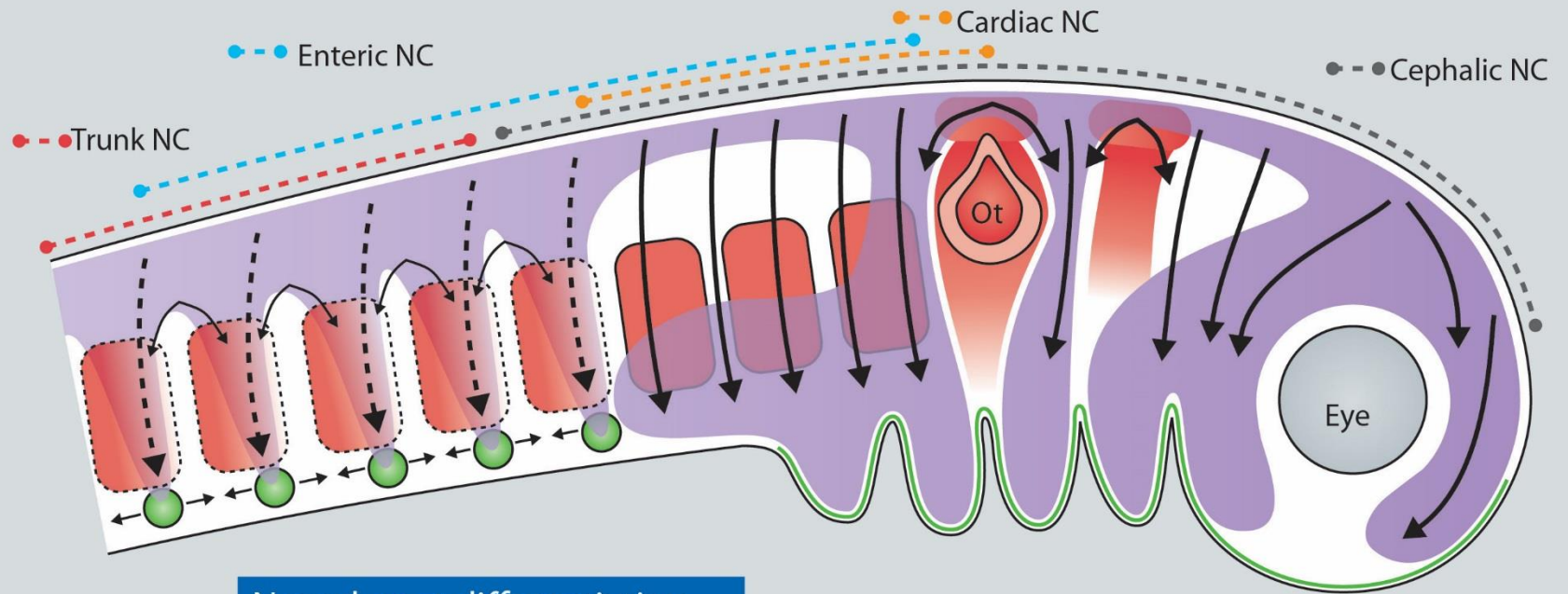
Kmenové buňky teratomu / teratokarcinomu - ECC Embryonální nádorové buňky (Embryonal carcinoma cells)

- Izolované rozkultivováním a klonální selekcí buněk teratomu / teratokarcinomu
- Lidské spontánně, myší indukované transplantací časných embryonálních buněk do dobře vyživované tkáně (varlata, ledviná kapsa, břišní dutina,...), musí být imunotolerance
- Podobné vlastnosti jako ES buňky, ale méně závislé na specifických růstových faktorech (+)
- Tvoří také chiméry, ale nedokonalé, většinou hynou v průběhu embryogeneze (-)
- Většinou snížená schopnost pluripotence jak *in vivo*, tak *in vitro* (-)
- Obecně nestabilní genotyp a časté aneuploidie (-)
- Modelové studie genetické nestability a diferenciací, vzniku teratomů
- Levnější alternativa k ES buňkám, lepší stabilita v experimentálních systémech jak ES (+)

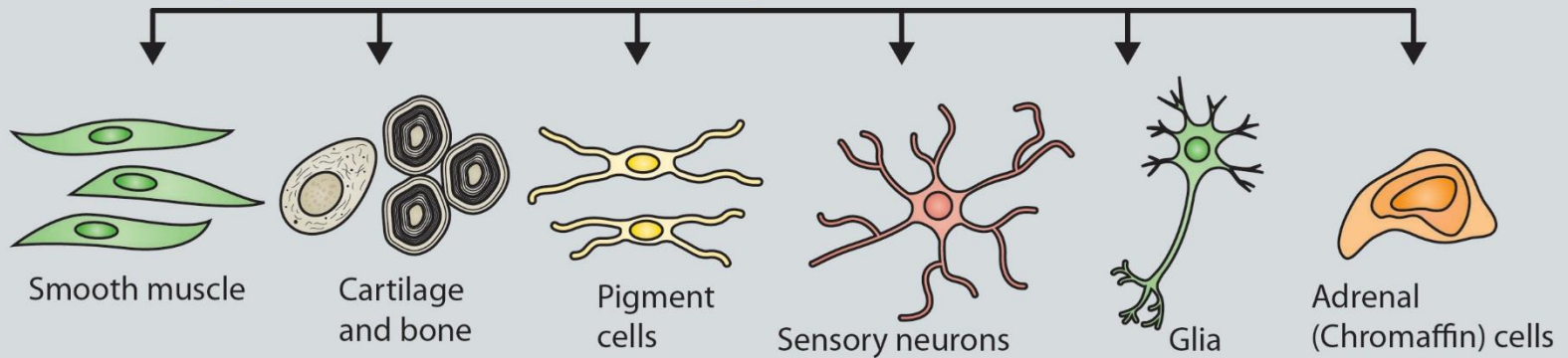
Neurální lišta a kmenové buňky neurální lišty



Neural crest migration



Neural crest differentiation



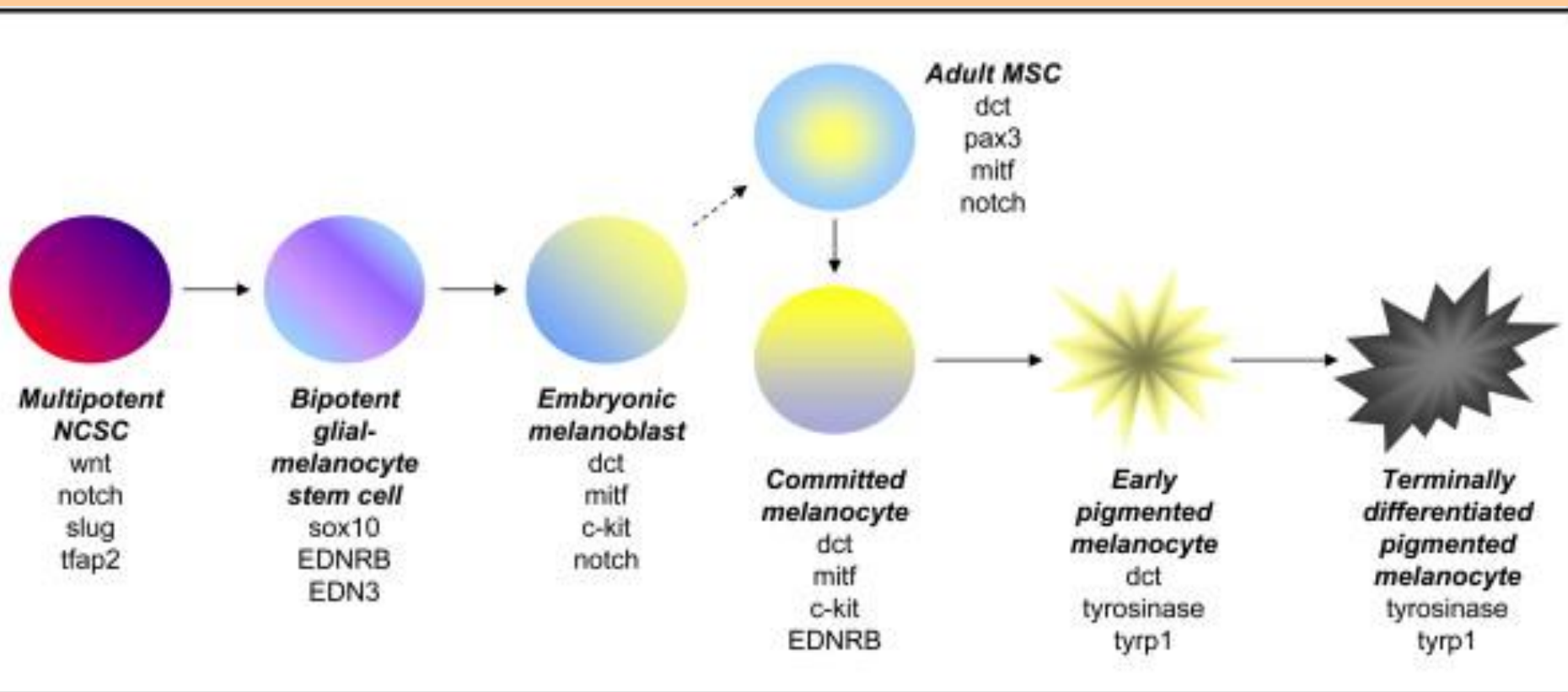
Neural crest stem cell - NCSC

Sebeobnova

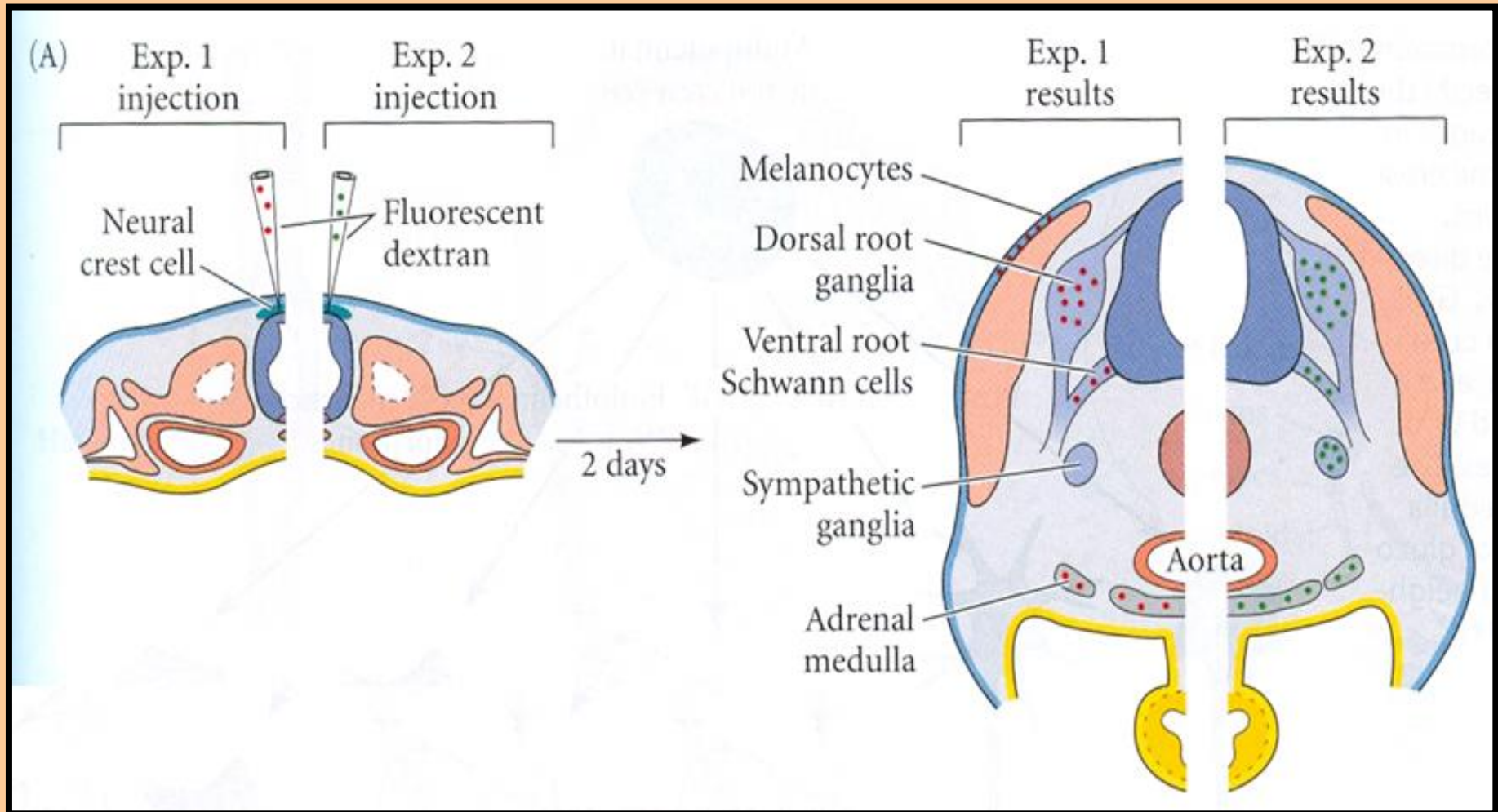
Růstové faktory - FGF2, Notch, Wnt

Transkripční faktory - Slug (Snai2), Sox10

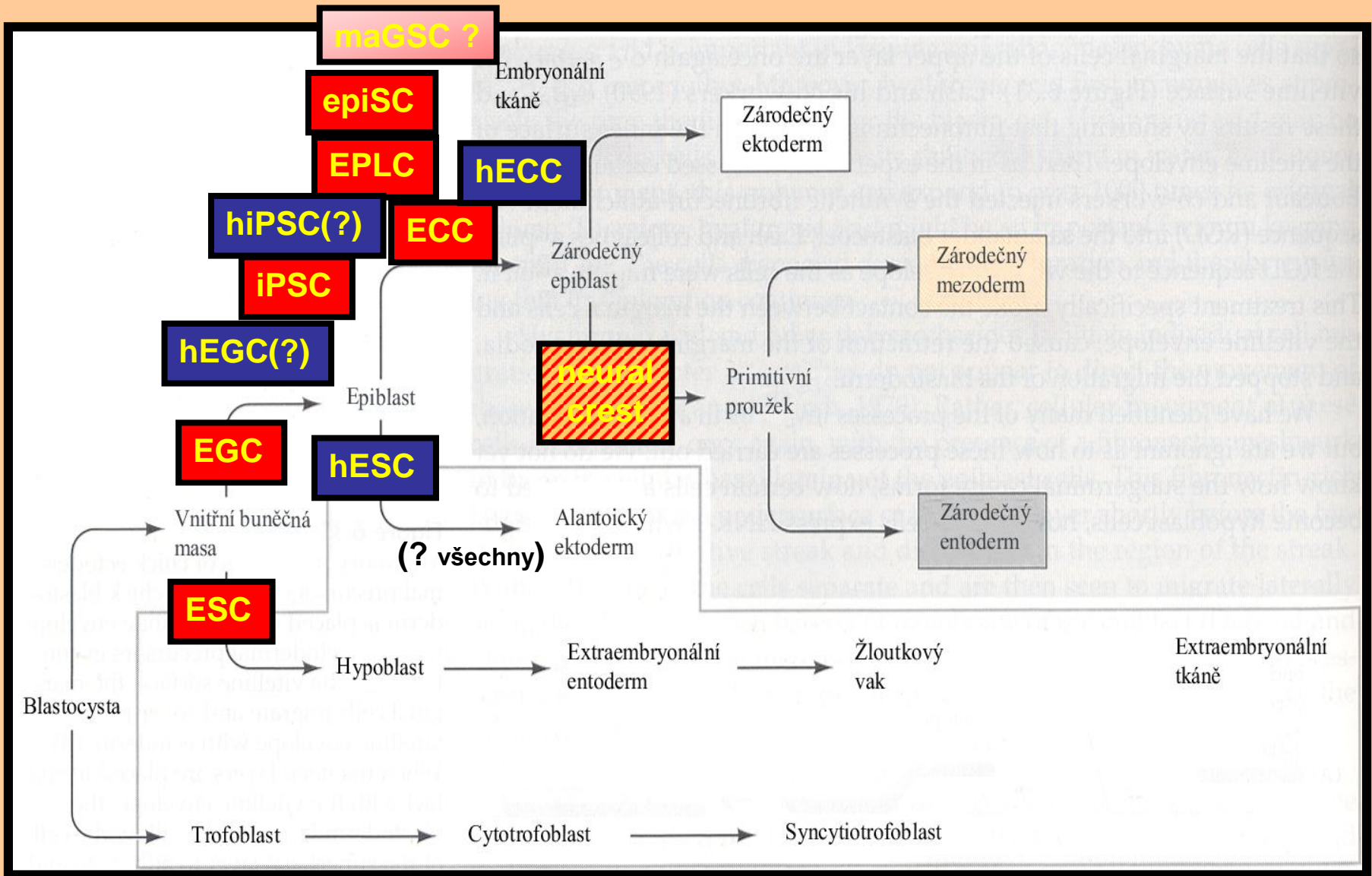
Fenotyp - blízký NSC - exprese Nestinu (protein intermediálních filament)



Experiment potvrzující pluripotenci buněk neurální lišty



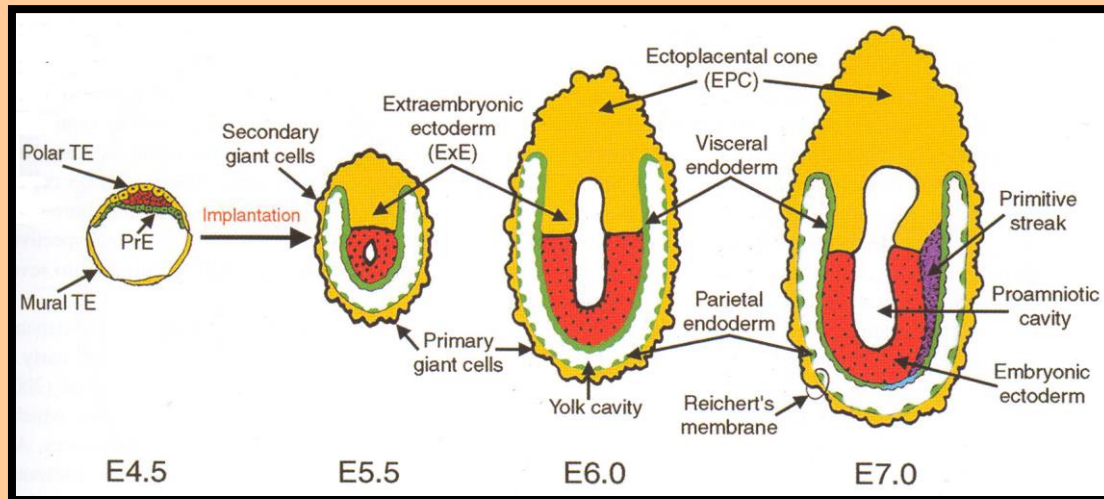
Schopnost pluripotence – tvorba chimér a teratomů



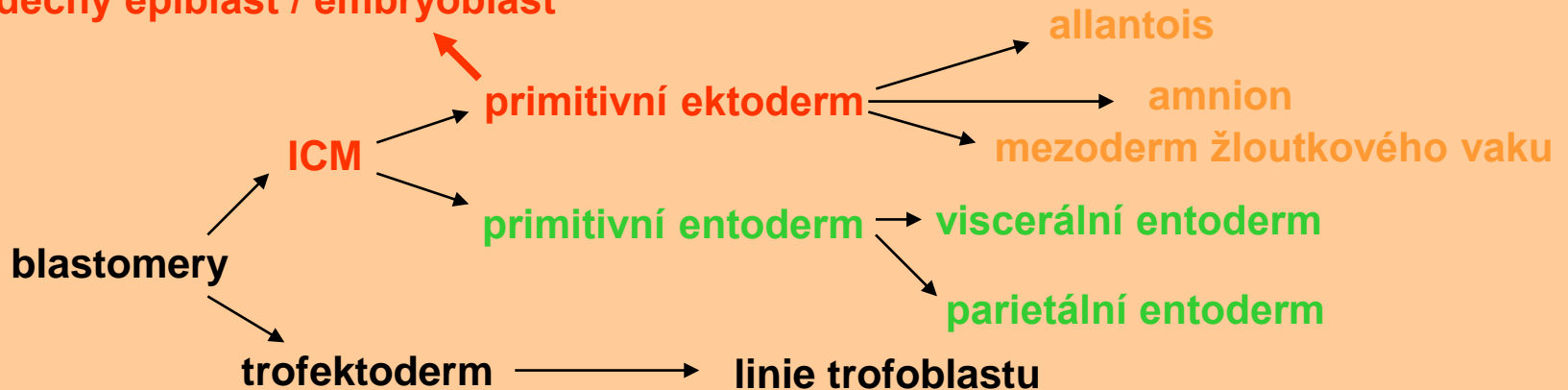
Kmenové buňky extraembryonálních tkání

A) Kmenové buňky trofektodermu (trofoblastu)
FGF-dependent (FGF4, FGFR2); *Cdx2*, *Eomes*, *Errβ*

B) Kmenové buňky primitivního entodermu (hypoblastu)
 XEN – buňky extraembryonálního entodermu



zárodečný epiblast / embryoblast



Regulace kmenových buněk trofoblastu signály z epiblastu

