

# NMR spektroskopie

*Metody biofyzikální chemie - seminář (C5856)*

Jan Novotný

novotnyjan@mail.muni.cz

November 18, 2019

# Interakce jaderného spinového momentu - kontext

Doplňte k zadaným interakčním mechanismům symbolické znázornění a příslušný Hamiltonián:

Dipol-dipolová interakce

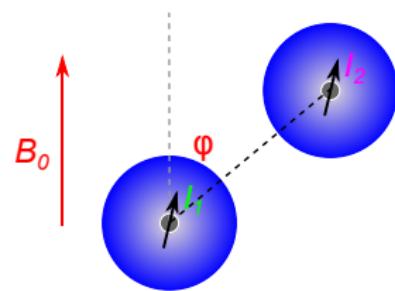
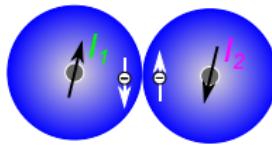
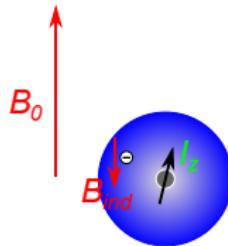
Chemický posun

Nepřímá spin-spinová interakce

$$\hat{H}_i = -\mu \cdot B_{ind} \propto \gamma_i \hat{l}_z \cdot \sigma \cdot B_0$$

$$\hat{H}_{ij} \propto \frac{\gamma_i \gamma_j (3 \cos^2 \varphi - 1)}{r^3} \hat{l}_i \cdot \hat{l}_j$$

$$\hat{H}_{ij} \propto 2\pi J \cdot \hat{l}_i \cdot \hat{l}_j$$



# Úlohy na rozjezd - rozhodněte o pravdivosti následujících tvrzení

- 1 Metodou NMR strukturní analýzy se rutinně studují biosystémy o velikosti do 10 kDa.

## Úlohy na rozjezd - rozhodněte o pravdivosti následujících tvrzení

- ① Metodou NMR strukturní analýzy se rutinně studují biosystémy o velikosti do 10 kDa.
- ② Nukleární Overhauserův efekt umožňuje korelovat NMR aktivní jádra pouze v rámci jednoho spinového systému.

## Úlohy na rozjezd - rozhodněte o pravdivosti následujících tvrzení

- ① Metodou NMR strukturní analýzy se rutinně studují biosystémy o velikosti do 10 kDa.
- ② Nukleární Overhauserův efekt umožňuje korelovat NMR aktivní jádra pouze v rámci jednoho spinového systému.
- ③ V NMR pevné fáze jsou spektra ovlivněna anizotropií chemického stínění a přímou dipól-dipólovou interakcí

## Úlohy na rozjezd - rozhodněte o pravdivosti následujících tvrzení

- ① Metodou NMR strukturní analýzy se rutinně studují biosystémy o velikosti do 10 kDa.
- ② Nukleární Overhauserův efekt umožňuje korelovat NMR aktivní jádra pouze v rámci jednoho spinového systému.
- ③ V NMR pevné fáze jsou spektra ovlivněna anizotropií chemického stínění a přímou dipól-dipólovou interakcí
- ④ Rozlišení signálů v NMR spektru roste s velikostí externího magnetického pole, protože rezonanční frekvence je úměrná  $B_0$ .

## Úlohy na rozjezd - rozhodněte o pravdivosti následujících tvrzení

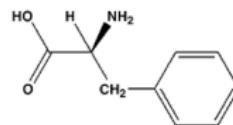
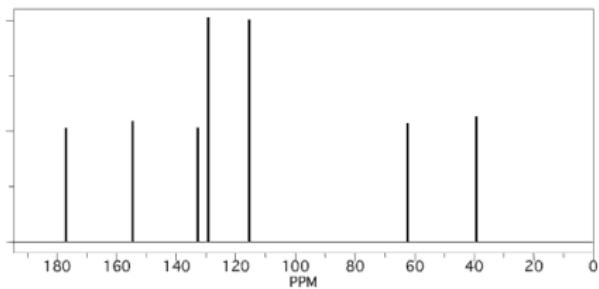
- ① Metodou NMR strukturní analýzy se rutinně studují biosystémy o velikosti do 10 kDa.
- ② Nukleární Overhauserův efekt umožňuje korelovat NMR aktivní jádra pouze v rámci jednoho spinového systému.
- ③ V NMR pevné fáze jsou spektra ovlivněna anizotropií chemického stínění a přímou dipól-dipólovou interakcí
- ④ Rozlišení signálů v NMR spektru roste s velikostí externího magnetického pole, protože rezonanční frekvence je úměrná  $B_0$ .
- ⑤ Rezonanční signál ovlivněný pomalou výměnou vzhledem k NMR časové škále se projevuje ve spektru rozšířením a polohou rezonanční linie odpovídající váženému průměru chemických posunů limitních stavů.

## Úlohy na rozjezd - rozhodněte o pravdivosti následujících tvrzení

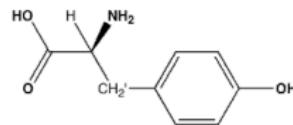
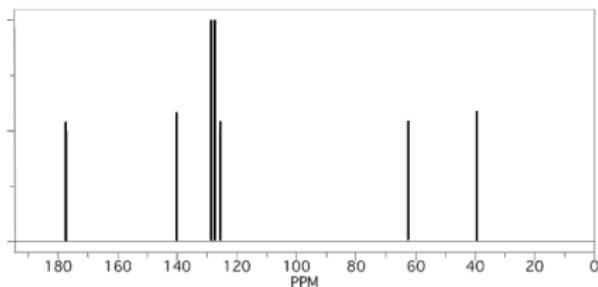
- ① Metodou NMR strukturní analýzy se rutinně studují biosystémy o velikosti do 10 kDa.
- ② Nukleární Overhauserův efekt umožňuje korelovat NMR aktivní jádra pouze v rámci jednoho spinového systému.
- ③ V NMR pevné fáze jsou spektra ovlivněna anizotropií chemického stínění a přímou dipól-dipólovou interakcí
- ④ Rozlišení signálů v NMR spektru roste s velikostí externího magnetického pole, protože rezonanční frekvence je úměrná  $B_0$ .
- ⑤ Rezonanční signál ovlivněný pomalou výměnou vzhledem k NMR časové škále se projevuje ve spektru rozšířením a polohou rezonanční linie odpovídající váženému průměru chemických posunů limitních stavů.
- ⑥ NMR spektrum proteinu s malým stupněm strukturovanosti(foldu) se vyznačuje úzkými signály o malé disperzí.

# Úloha 1: Chemický posun - identifikace aminokyselin

Pro daná  $^{13}\text{C}$  NMR spektra určete, jaké aromatické aminokyselině náleží a proč.



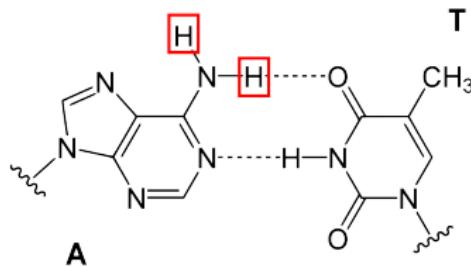
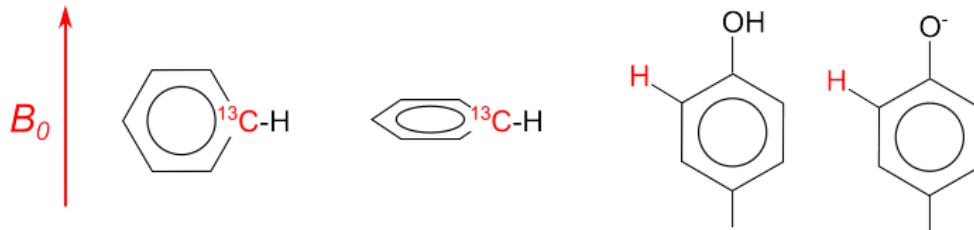
phenylalanine



tyrosine

## Úloha 2: Chemický posun - rozlišení

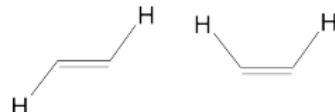
Pro dané systémy, rozhodněte, který z dvojice označených atomů bude mít vyšší hodnotou chemického posunu:



## Úloha 3: $J$ -coupling a konformace vazby, Karplusova rovnice

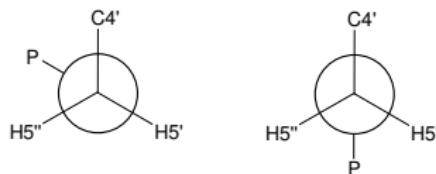
Pro určení torzního úhlu v kovalentních strukturách slouží analýza vicinálních spin-spinových konstant (tzv.  $^3J$ -coupling).

- **Kvalitativní pohled:** Na základě srovnání orbitálního překryvu rozhodněte, v jaké konfiguraci nabývá  $^3J$  větší hodnoty.



- **Kvantitativní pohled:** K určení konformace cukr-fosfátové páteře nukleových kyselin se používá Karplusova rovnice parametrizovaná mj. pro interakci H5' a P:  
$$^3J_{HCOP} = 15.3\cos^2\varphi - 6.2\cos\varphi + 1.5.$$

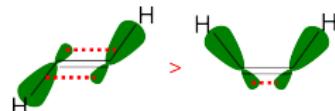
Vypočtěte hodnotu konstanty pro znázorněné konformery a charakterizujte je pomocí velikosti úhlu  $\beta$ :



# Úloha 3: $J$ -coupling a konformace vazby, Karplusova rovnice

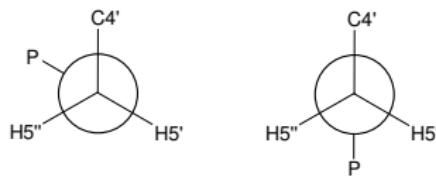
Pro určení torzního úhlu v kovalentních strukturách slouží analýza vicinálních spin-spinových konstant (tzv.  $^3J$ -coupling).

- **Kvalitativní pohled:** Na základě srovnání orbitálního překryvu rozhodněte, v jaké konfiguraci nabývá  $^3J$  větší hodnoty.



- **Kvantitativní pohled:** K určení konformace cukr-fosfátové páteře nukleových kyselin se používá Karplusova rovnice parametrizovaná mj. pro interakci H5' a P:  
$$^3J_{HCOP} = 15.3\cos^2\varphi - 6.2\cos\varphi + 1.5.$$

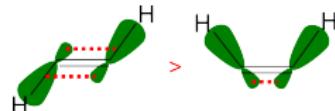
Vypočtěte hodnotu konstanty pro znázorněné konformery a charakterizujte je pomocí velikosti úhlu  $\beta$ :



# Úloha 3: $J$ -coupling a konformace vazby, Karplusova rovnice

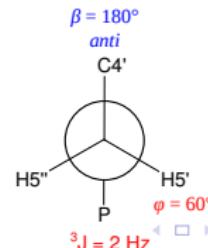
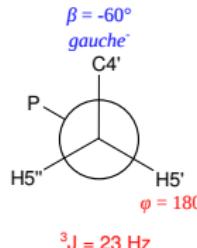
Pro určení torzního úhlu v kovalentních strukturách slouží analýza vicinálních spin-spinových konstant (tzv.  $^3J$ -coupling).

- **Kvalitativní pohled:** Na základě srovnání orbitálního překryvu rozhodněte, v jaké konfiguraci nabývá  $^3J$  větší hodnoty.



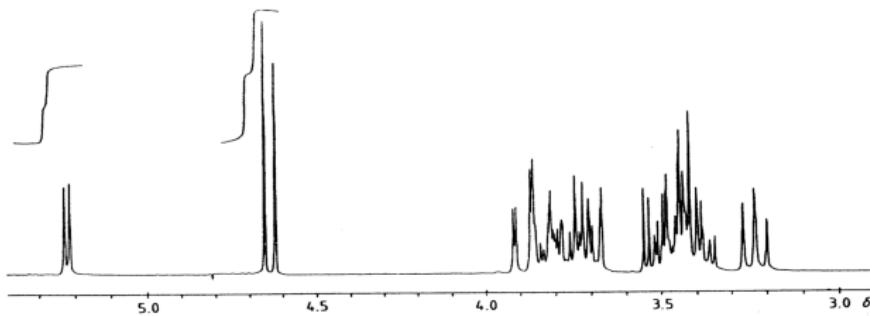
- **Kvantitativní pohled:** K určení konformace cukr-fosfátové páteře nukleových kyselin se používá Karplusova rovnice parametrizovaná mj. pro interakci H5' a P:  
$$^3J_{HCOP} = 15.3\cos^2\varphi - 6.2\cos\varphi + 1.5.$$

Vypočtěte hodnotu konstanty pro znázorněné konformery a charakterizujte je pomocí velikosti úhlu  $\beta$ :



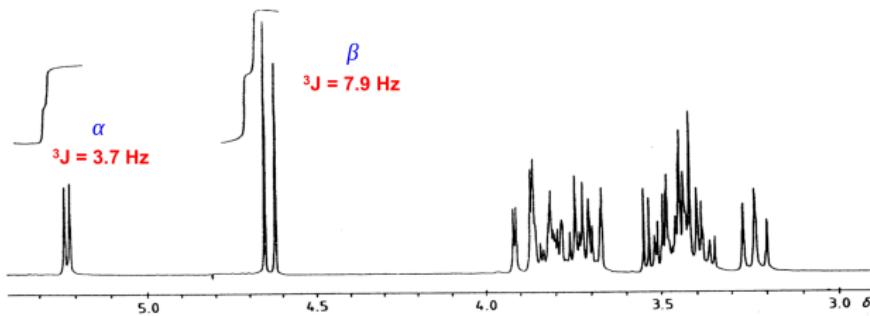
## Úloha 3: *J*-coupling a konformace vazby

Pomocí přiloženého 1D  $^1\text{H}$  NMR spektra odhadněte poměr  $\alpha$  a  $\beta$  izomeru v roztoku D-glukopyranozy naměřeném v  $\text{D}_2\text{O}$ .



# Úloha 3: *J*-coupling a konformace vazby

Pomocí přiloženého 1D  $^1\text{H}$  NMR spektra odhadněte poměr  $\alpha$  a  $\beta$  izomeru v roztoku D-glukopyranozy naměřeném v  $\text{D}_2\text{O}$ .



# Úloha 4: Příklady biochemických aplikací

K uvedeným problémům strukturní analýzy přiřaďte odpovídající techniku:

Potlačení dipol-dipolové relaxace u proteinu

Rozlišení intra- a intermolekulárních kontaktů v komplexu ligand-receptor

Odstranění signálů labilních protonů v molekule nukleové kyseliny

Přiřazení málo rozlišených signálů v nestrukturované části proteinu

Mapování reziduí směřujících k povrchu proteinu

Převedení vzorku do D<sub>2</sub>O

<sup>13</sup>C editované NOESY spektrum

Exprese proteinu v deuterovaném médiu

Aplikace paramagnetických sond

Multidimensionální inverzní experimenty (4D, 5D)

# Úloha 4: Příklady biochemických aplikací

K uvedeným problémům strukturní analýzy přiřaďte odpovídající techniku:

Potlačení dipol-dipolové relaxace u proteinu

exprese proteinu v deuterovaném médiu

Rozlišení intra- a intermolekulárních kontaktů v komplexu ligand-receptor

<sup>13</sup>C editované NOESY spektrum

Odstranění signálů labilních protonů v molekule nukleové kyseliny

převedení vzorku do D<sub>2</sub>O

Přiřazení málo rozlišených signálů v nestrukturované části proteinu

multidimenzionální inverzní experimenty (4D, 5D)

Mapování reziduí směřujících k povrchu proteinu

aplikace paramagnetických sond

# Úloha 5: Protein vs. Nukleové kyseliny: NMR aspekty

Diskutujte o následujících praktických okolností NMR experimentů při srovnání protein a DNA/RNA:

	Proteiny	NA
<b>Syntéza vzorku</b>		
<b>Izotopické značení</b>		
<b>Hustota <math>^1\text{H}</math></b>		
<b>Sekvenční přiřazení</b>		
<b>Restrainty pro určení struktury</b>		

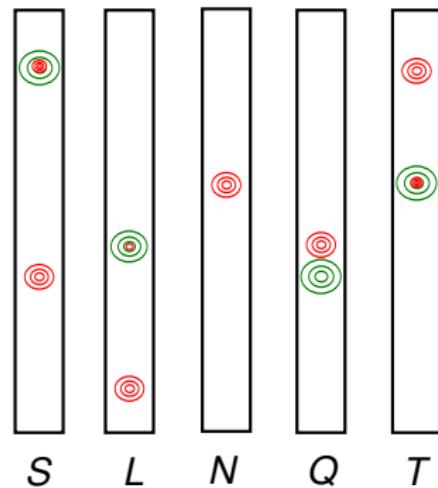
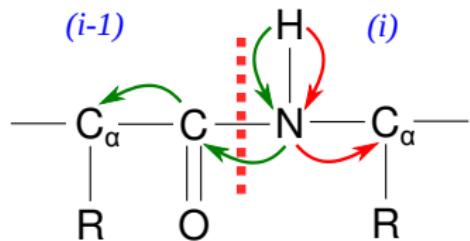
# Úloha 5: Protein vs. Nukleové kyseliny: NMR aspekty

Diskutujte o následujících praktických okolností NMR experimentů při srovnání protein a DNA/RNA:

	Proteiny	NA
<b>Syntéza vzorku</b>	<i>in vivo</i>	chemickou cestou
<b>Izotopické značení</b>	snadné	nákladné
<b>Hustota <math>^1\text{H}</math></b>	rel. vysoká	nižší
<b>Sekvenční přiřazení</b>	through bond J-coupling	through space NOE
<b>Restrainy pro určení struktury</b>	$\delta$ : alfa vs. beta, NOE, RDC	mj. NOE, RDC, J-coupling(riboza), $^{31}\text{P}$

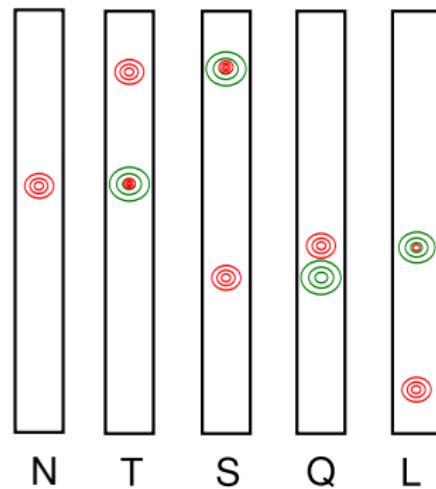
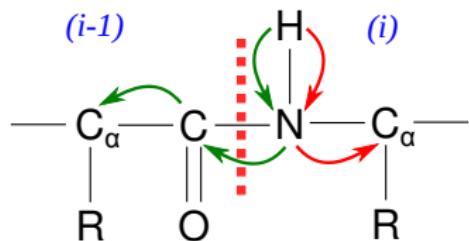
# Úloha 6: Sekvenční přiřazení peptidu pomocí J-korelace

Pomocí fiktivních výsledků (strip-plotu) 3D NMR experimentů (**HNCA**, **HN(CO)CA**) určete N→C sekvenci hypotetického peptidu:



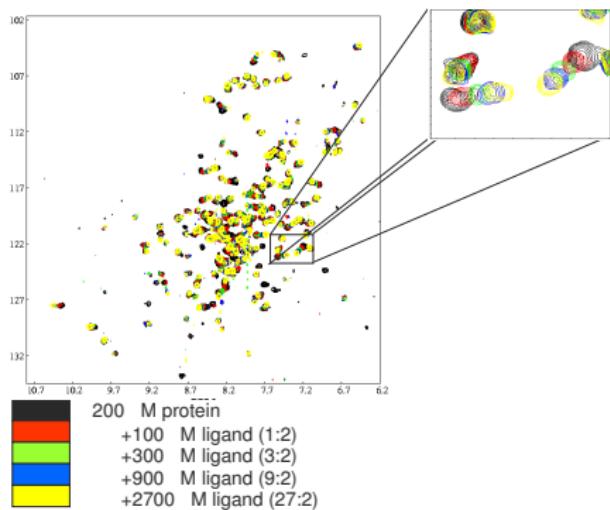
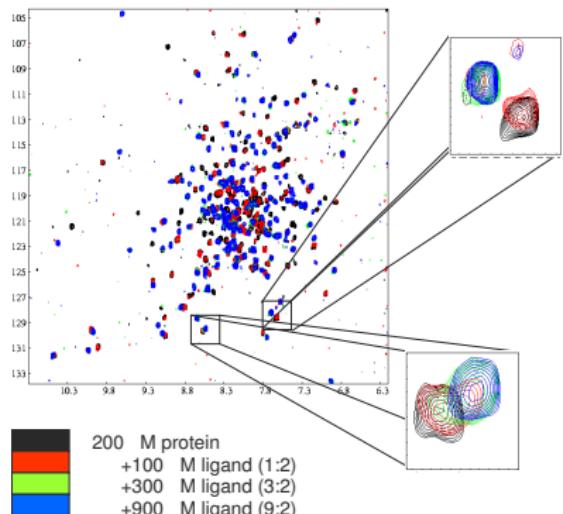
# Úloha 6: Sekvenční přiřazení peptidu pomocí J-korelace

Pomocí fiktivních výsledků (strip-plotu) 3D NMR experimentů (**HNCA**, **HN(CO)CA**) určete N→C sekvenci hypotetického peptidu:



## Úloha 7: Časová škála interakce ligand-receptor

Charakterizujte přiložená  $^{15}\text{N}-^1\text{H}$  HSQC spektra zobrazující titrační experiment pomocí pojmu: *rychlá, střední a pomalá výměna*:



## Úloha 8: Populace jaderného spinu

Vypočtěte rozdíl v populaci izolovaných jaderných spinů  $\alpha - \beta$  pro atom  ${}^1\text{H}$  (magnetogyrická konstanta  $\gamma = 2.68 \cdot 10^8 \text{ T}^{-1}\text{s}^{-1}$ ) v magnetickém poli 11.7 T a teplotě 298 K.

## Úloha 8: Populace jaderného spinu

Vypočtěte rozdíl v populaci izolovaných jaderných spinů  $\alpha - \beta$  pro atom  ${}^1\text{H}$  (magnetogyrická konstanta  $\gamma = 2.68 \cdot 10^8 \text{ T}^{-1}\text{s}^{-1}$ ) v magnetickém poli 11.7 T a teplotě 298 K.

### Řešení

$$\Delta E = E_\beta - E_\alpha = \hbar\omega = \hbar\gamma B_0$$

$$\frac{N_\beta}{N_\alpha} = e^{-\frac{(E_\beta - E_\alpha)}{kT}} = e^{-\frac{\hbar\gamma B_0}{kT}} = 0.999919 \approx \frac{100000}{100008}$$

## Úloha 9: Nukleární Overhauserův efekt

Uvažujme zjednodušený NOE experiment provedený na malém proteinu. Krátkým ozařováním o délce 25 ms saturujeme populaci spinu  $H\beta$  a okamžitě měříme signál blízkého spinu  $H\gamma$  v leucinu - za podmínky approximace počátečního stavu ( $t \rightarrow 0$ ). Ukažte, jak se za těchto podmínek zjednoduší kinetická rovnice prvního řádu popisující časový vývoj magnetizace spinu  $H\gamma$  v závislosti na auto-relaxaci (rychlostní konstanta  $\rho$ ) a cross-relaxaci ( $\sigma$ ):

$$\frac{dI_\gamma}{dt} = -\rho[I_\gamma - I_\gamma(0)] - \sigma[I_\beta - I_\beta(0)]$$

Jaká je přibližná vzdálenost atomů  $H\beta$  a  $H\gamma$ , jestliže jsme při tomto experimentu pozorovali změnu signálu v důsledku NOE o velikosti -0.04 a pro referenční vzdálenost atomů  $H\beta_1$  -  $H\beta_2$  1.75 Å bylo naměřeno NOE -0.3?

## Úloha 9: Nukleární Overhauserův efekt

Uvažujme zjednodušený NOE experiment provedený na malém proteinu. Krátkým ozařováním o délce 25 ms saturujeme populaci spinu  $H\beta$  a okamžitě měříme signál blízkého spinu  $H\gamma$  v leucinu - za podmínky approximace počátečního stavu ( $t \rightarrow 0$ ). Ukažte, jak se za těchto podmínek zjednoduší kinetická rovnice prvního řádu popisující časový vývoj magnetizace spinu  $H\gamma$  v závislosti na auto-relaxaci (rychlostní konstanta  $\rho$ ) a cross-relaxaci ( $\sigma$ ):

$$\frac{dI_\gamma}{dt} = -\rho[I_\gamma - I_\gamma(0)] - \sigma[I_\beta - I_\beta(0)]$$

Jaká je přibližná vzdálenost atomů  $H\beta$  a  $H\gamma$ , jestliže jsme při tomto experimentu pozorovali změnu signálu v důsledku NOE o velikosti -0.04 a pro referenční vzdálenost atomů  $H\beta_1$  -  $H\beta_2$  1.75 Å bylo naměřeno NOE -0.3?

### Řešení

$$\frac{dI_\gamma}{dt}|_{t \rightarrow 0} = -\rho[I_\gamma(0) - I_\gamma(0)] + \sigma I_\beta(0) = \sigma I_\beta(0) \Rightarrow I_\gamma = \sigma I_\beta(0)t$$

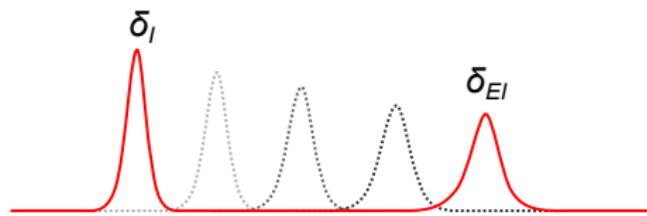
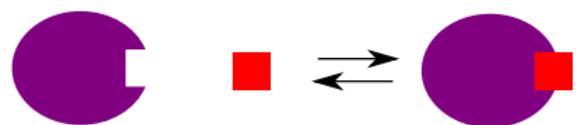
$$\frac{NOE_{\gamma-\beta}}{NOE_{\beta_1-\beta_2}} = \frac{r_{\beta_1-\beta_2}^6}{r_{\gamma-\beta}^6} \Rightarrow r_{\gamma-\beta}^6 = 1.75^6 \frac{-0.3}{-0.04} = 2.44 \text{ Å}$$

## Úloha 10: Určování vazebné konstanty

Pomocí NMR titrace lze určit vazebnou konstantu např. interakce enzym-inhibitor:



V případě rychlé výměny pozorujeme posun zprůměrovaného signálu inhibitoru v závislosti na poměru volné a vázané formy inhibitoru ( $f_I, f_{EI}$ ). Ukažte, čemu se rovná směrnice a průsečík lineární závislosti počáteční koncentrace inhibitoru na změně chemického posunu  $[I]_0 \propto \delta_I - \delta_I(0)$ , pokud je počáteční koncentrace inhibitoru mnohem větší než koncentrace enzymu.



# Použitá a doporučená literatura

<http://bouman.chem.georgetown.edu/nmr/dipolar/dipolar.html>

<http://groups.chem.ubc.ca/straus/l2.pdf>

<http://www.columbia.edu/itc/chemistry/chem-c1403/lectures/Fall2005/>

[http://otter.biochem.ubc.ca/publications/BcX\\_Tyrosine\\_JBNMR\\_2011.pdf](http://otter.biochem.ubc.ca/publications/BcX_Tyrosine_JBNMR_2011.pdf)

P. Atkins, J. de Paula: Physical Chemistry

## Příště: Biosenzory a jejich aplikace