

# *Detekce protein-proteinových interakcí*

Tereza Stará, Polina Shpet, Barbora Habánová, Klára Hánělová, Tereza Brůžová  
Masarykova univerzita

# *Úvod*

- ❖ • Tvorba komplexů
- ❖ • Klíčová role ve většině buněčných procesech
- ❖ • Proteinová síť - interaktom
- ❖ • Studium buněčné fyziologie, enzymové kinetiky, identifikace funkcí neznámých proteinů
- ❖ • Specifické interakce – specifická funkce
- ❖ • Klasifikace:
  - Slabé přechodné
  - Silné trvalé

# Izotermální titrační kalorimetrie ITC

- ❖ • Studium biologické aktivity, enzymové kinetiky, strukturní změny
- ❖ • Měření termodynamických parametrů interakce:

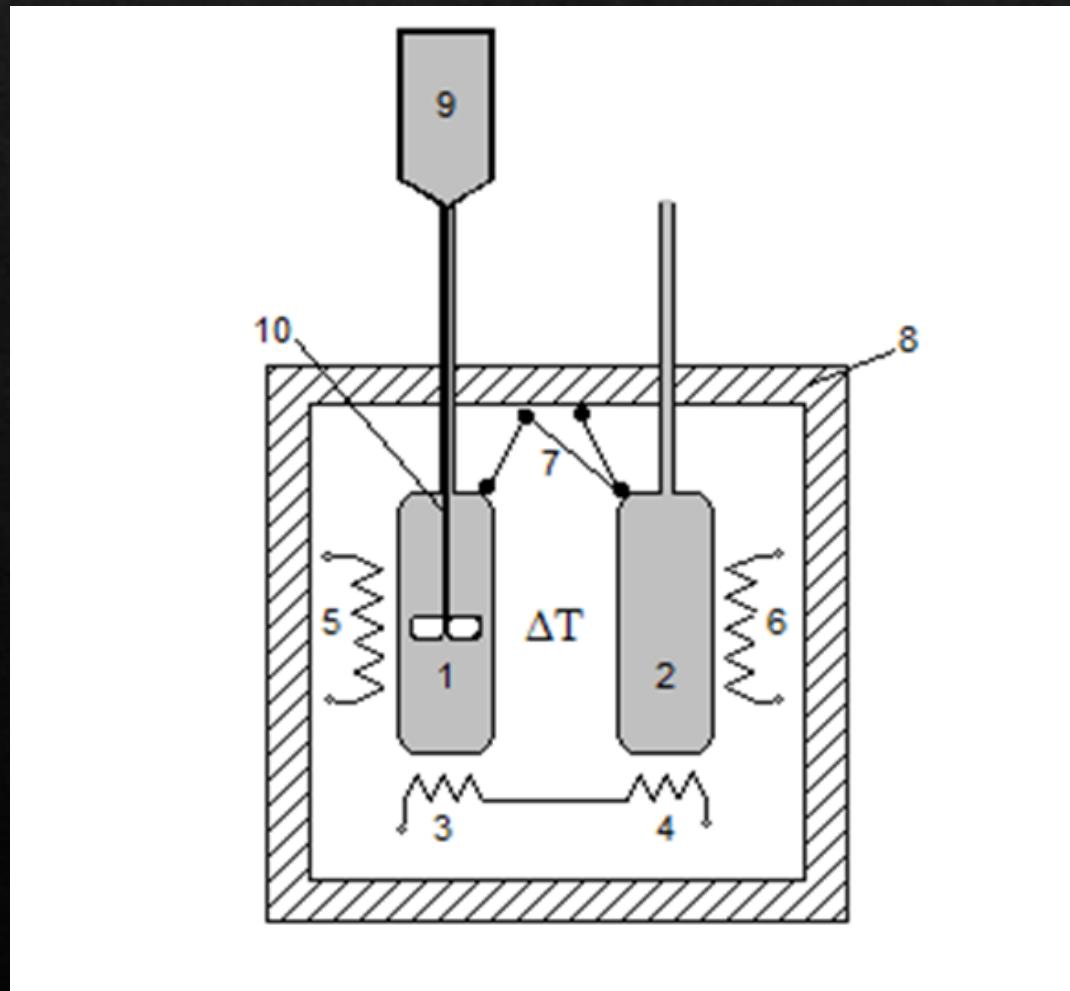
- vazebná konstanta  $K_D$
- stechiometrie interakce n
- entalpie  $\Delta H$
- entalpický přírůstek  $-T\Delta S$

- ❖ • Typy vzorků:

- Pevné vzorky rozpuštěné v pufru
- Kapalné vzorky a roztoky látek
- Organické, anorganické a biologické materiály
- Farmaceutika

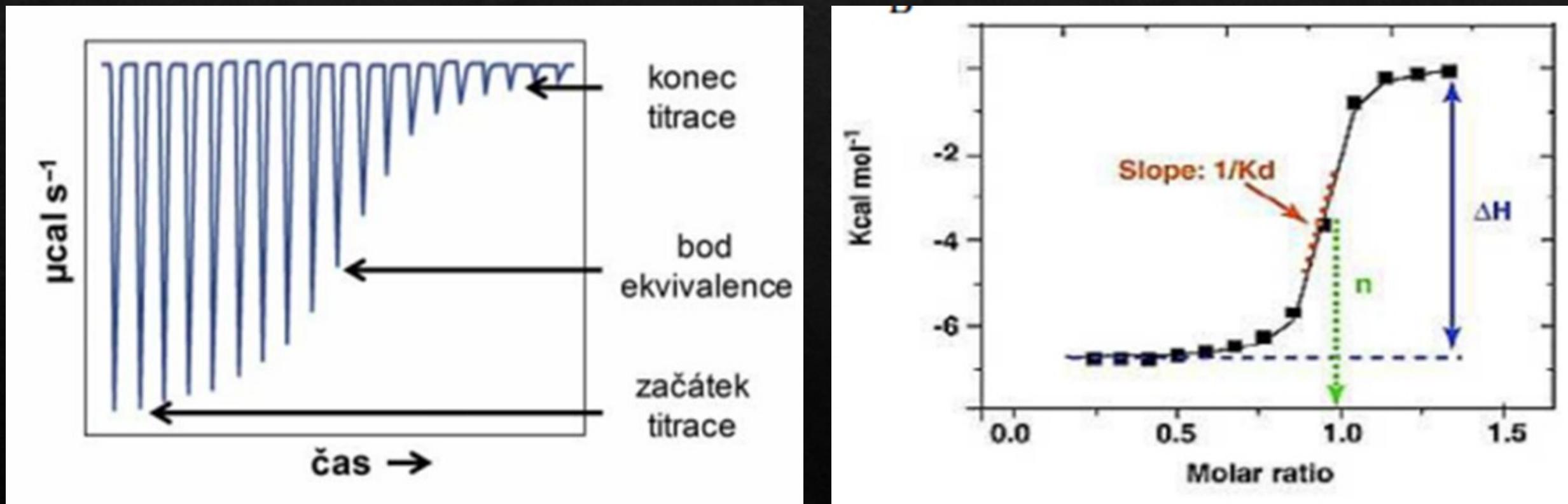
Výhody	Nevýhody
<ul style="list-style-type: none"><li>- Všechny vazebné parametry po 1 měření</li><li>- Žádné značení</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>-Větší objemy</li><li>-Pomalé měření</li></ul>

# Izotermální titrační kalorimetrie ITC



- 1 – vzorková cela
- 2 – referentní cela
- 3, 4, 5, 6 – elektická topná tělesa
- 7 – čidlo zaznamenávající rozdíl teploty mezi celami
- 8 – adiabatický plášt'
- 9 – injektor
- 10 - míchadlo

# Izotermální titrační kalorimetrie ITC

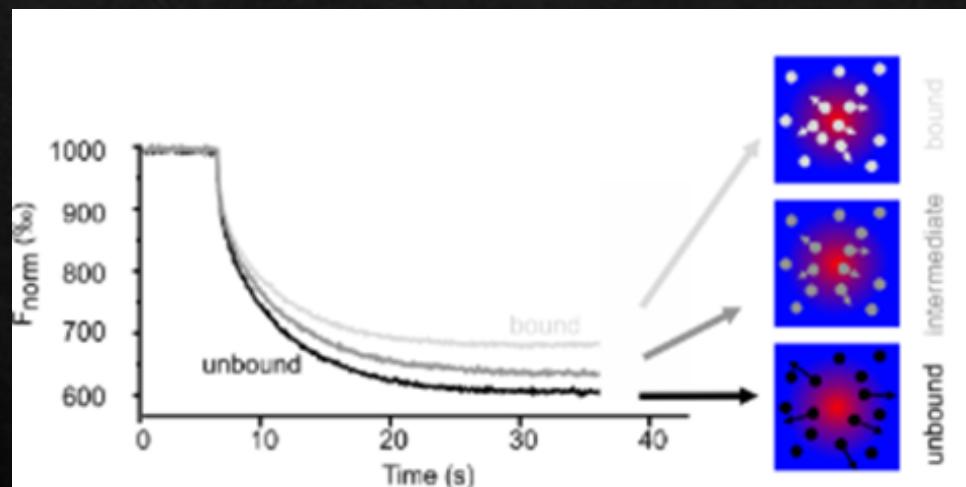
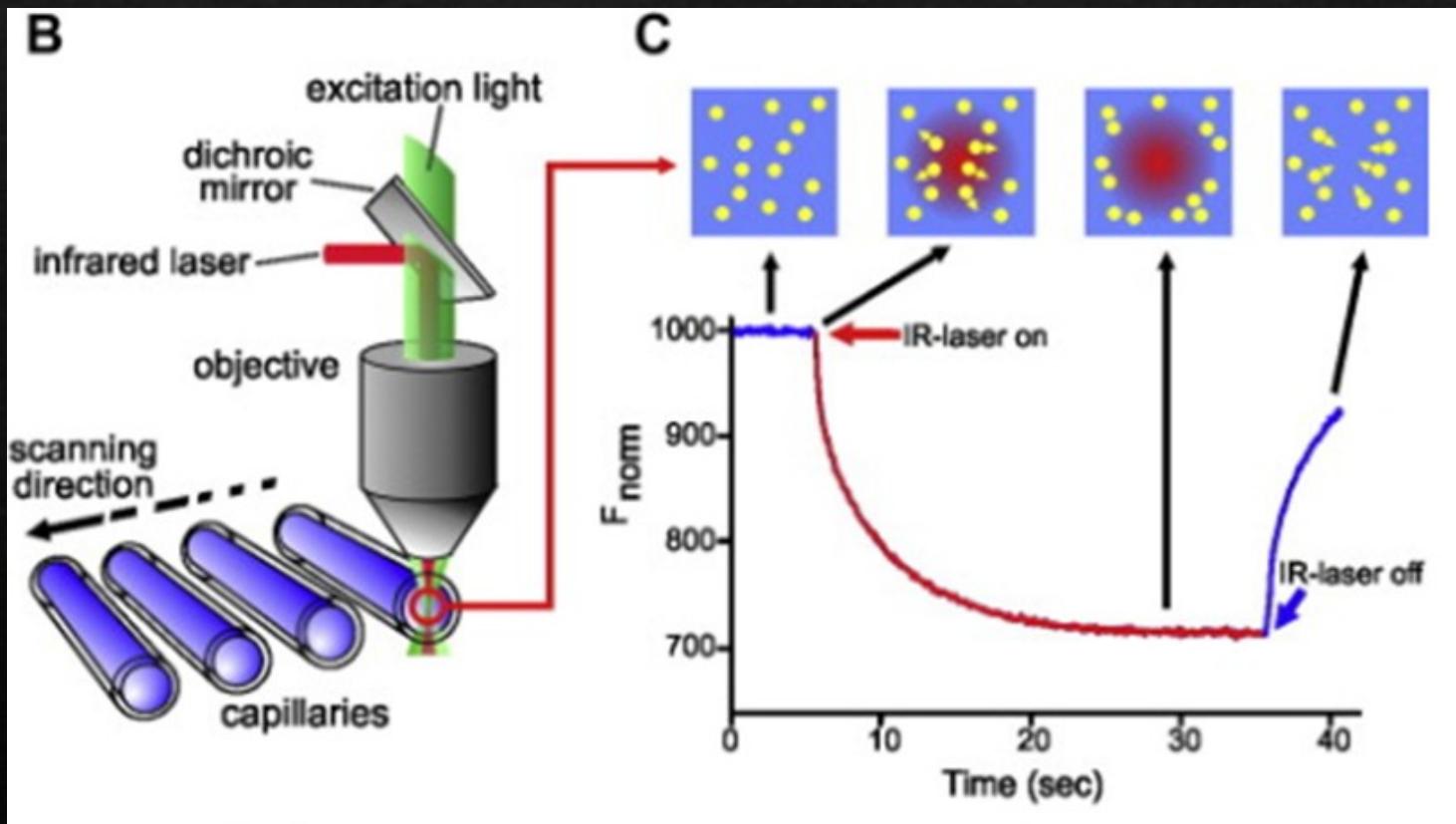


# *Mikroskopická termoforéza MST*

- ❖ Informace o velikosti molekuly, náboji
- ❖ Studium:
  - enzymová kinetika
  - termodynamika interakce
  - mechanismus vysoce afinitních interakcí proteinů
- ❖ Řízený pohyb molekul v teplotním gradientu
- ❖ Optická metoda
- ❖ Biologické tekutiny (krev, lyzáty)
- ❖ Fluorescence:
  - Vnější
  - Vnitřní (aromatické AMK)

Výhody	Nevýhoda
<ul style="list-style-type: none"><li>- Malé množství vzorku</li><li>- Velikost molekul není limitována</li><li>- Bez immobilizace</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>- Fluorescenční značení</li></ul>

# Mikroskopická termoforéza MST



# *Metody založené na hmotnostní spektrometrii*

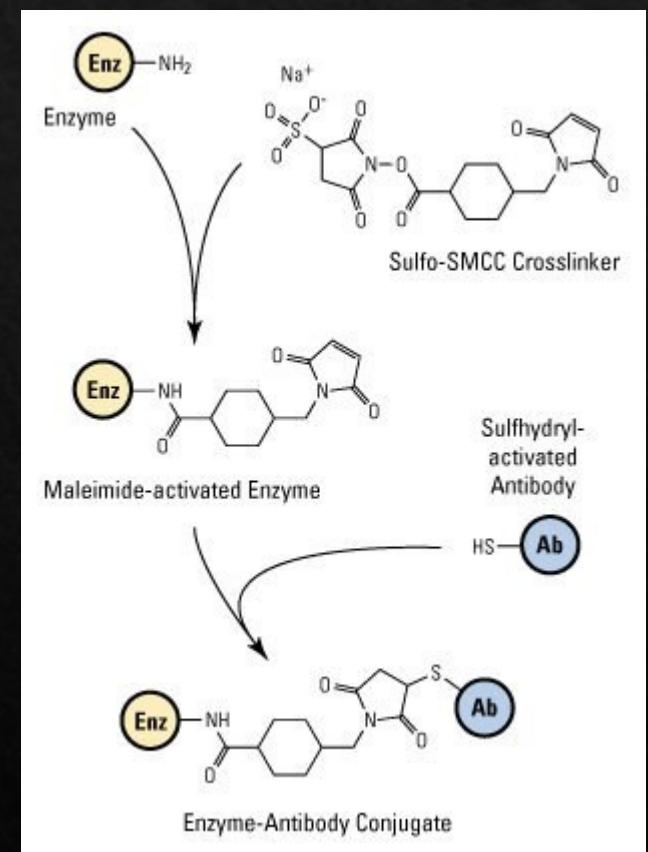
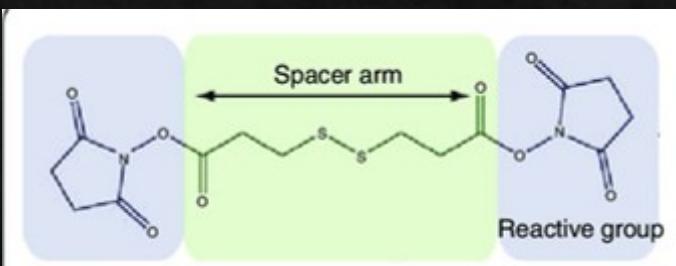
- ❖ Cross-linking
- ❖ Protein painting
- ❖ Hydrogen/Deuterium Exchange

# Cross-linking

Zachycení přechodných nebo slabých PPI, stabilizace interakcí

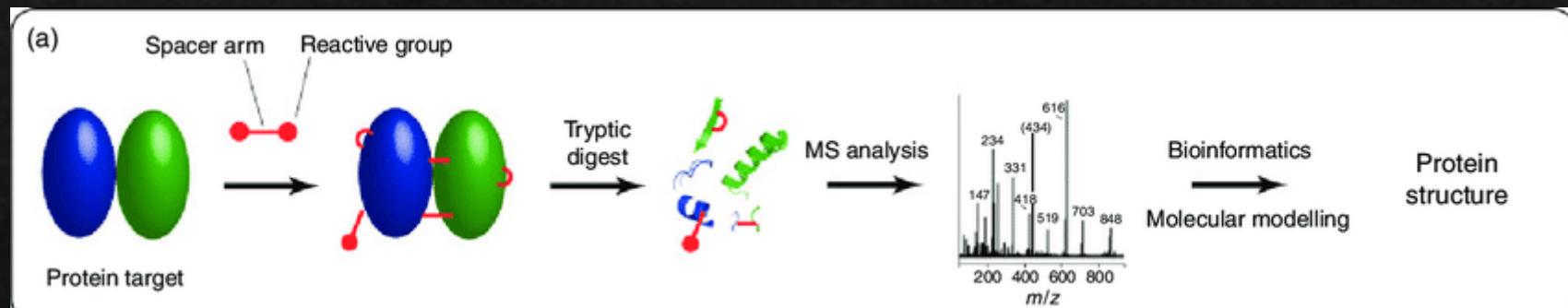
Zesíťovací činidla obsahují na koncích dvě reaktivní skupiny, které se kovalentně vážou na funkční skupiny proteinů:

- primární aminy -NH<sub>2</sub>
- karboxyly -COOH
- thioly -SH
- karbonyly -CHO



# Cross-linking

Cross-linking se provádí jak *in vivo*, tak *in vitro*



Pro výhodnocení pomocí MS jsou proteiny denaturovány a štěpeny proteázou. Identifikace na základě změny hmotnosti vyplývá z připojení bud' deuterované nebo nedeuterované molekuly zesítovacího činidla.

**Nevýhoda:** někdy je pro zesítovací molekuly obtížné se dostat k místu interakce proteinů, proto se mohou vyskytovat falešně negativní výsledky

# *Protein painting*

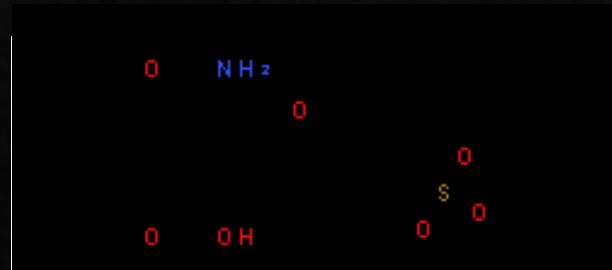
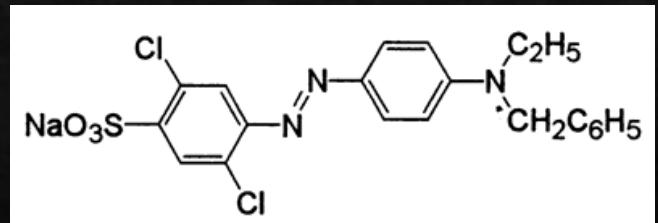
Poměrně nová metoda využívající molekulové „barvy“, které se vážou na povrch proteinového komplexu, **nikoli** na místo interakce proteinů

Rychlá metoda, nevyžaduje žádný speciální software

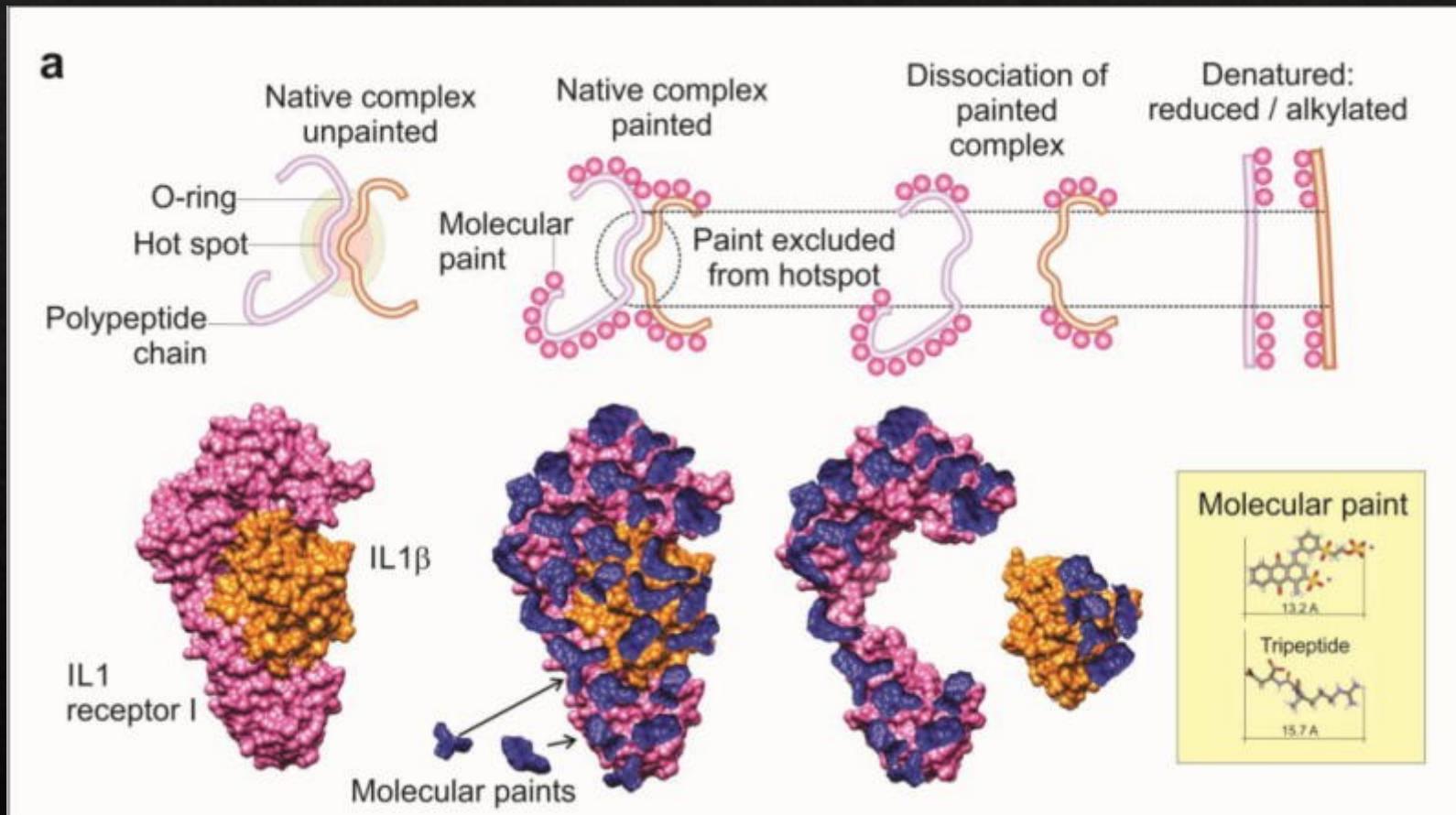
Ve výsledku jsou spektra jen vazebných míst, protože „obarvené“ oblasti nejsou viditelné pro MS

## Molekulové „barvy“

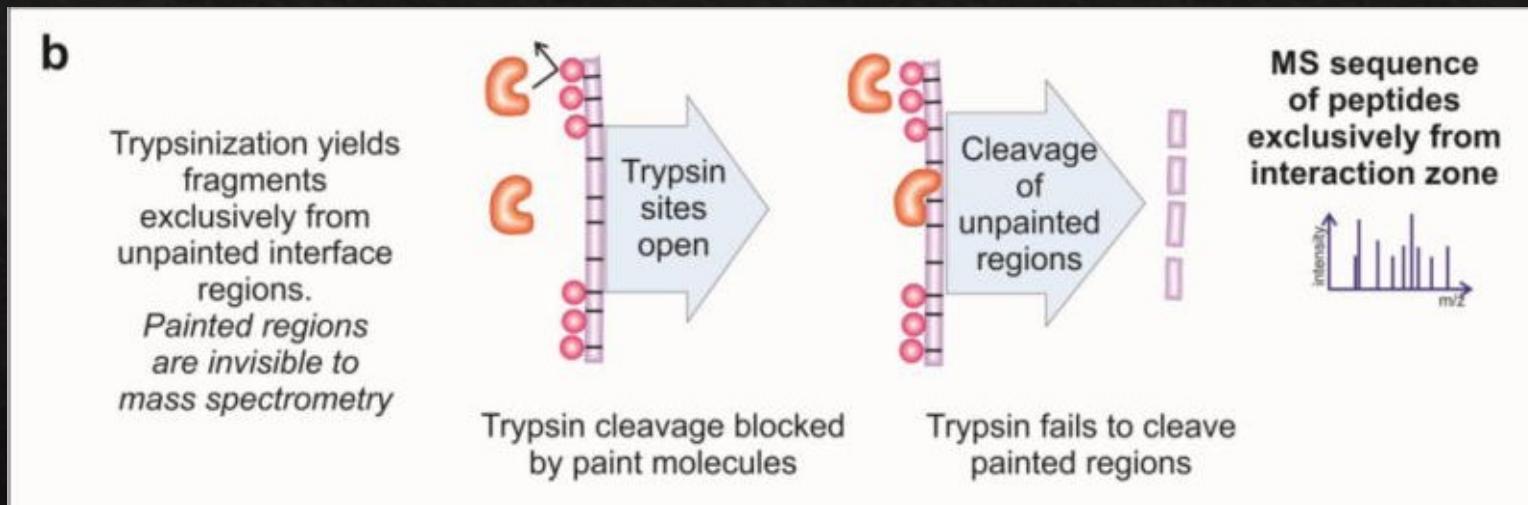
- ❖ Acid Orange 50
- ❖ R495034



# *Protein painting*



# Protein painting

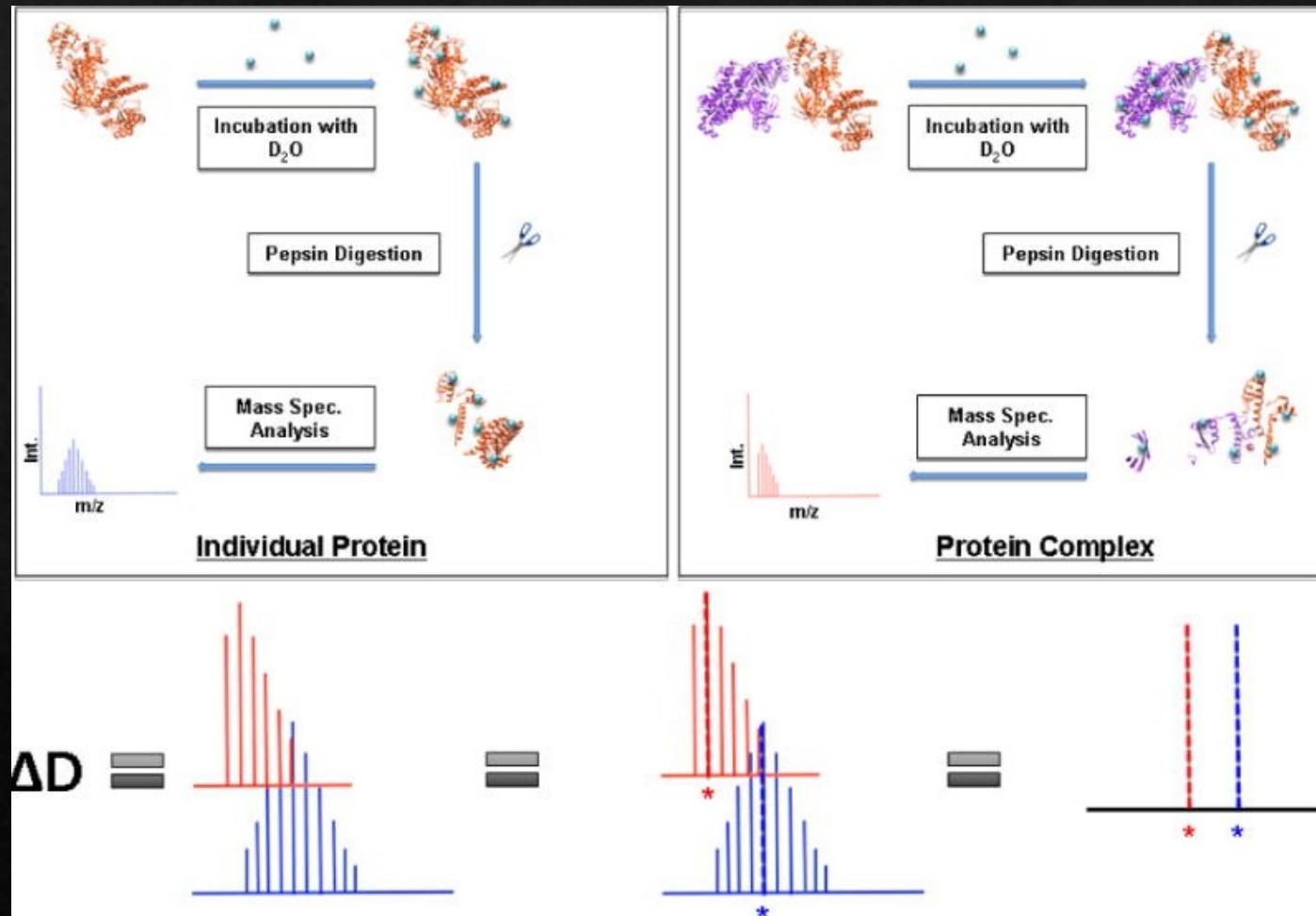


**Nevýhoda:** pokud je ve vazebném místě málo oblastí pro štěpení trypsinem, vede to ke snížení rozlišení měřených peptidů

# *Hydrogen/Deuterium Exchange*

- ❖ Deuterium se používá k přechodnému značení amidů v proteinové kostře
- ❖ Rychlosť výměny vodíku za deuterium poskytuje informace o přístupnosti amidů pro rozpouštědlo  $D_2O \rightarrow$  amidy v lineárním peptidu mají vyšší poměr rychlosti výměny H/D než amidy na rozhraní PPI, protože jsou lépe přístupné

# Hydrogen/Deuterium Exchange



# *Hydrogen/Deuterium Exchange*

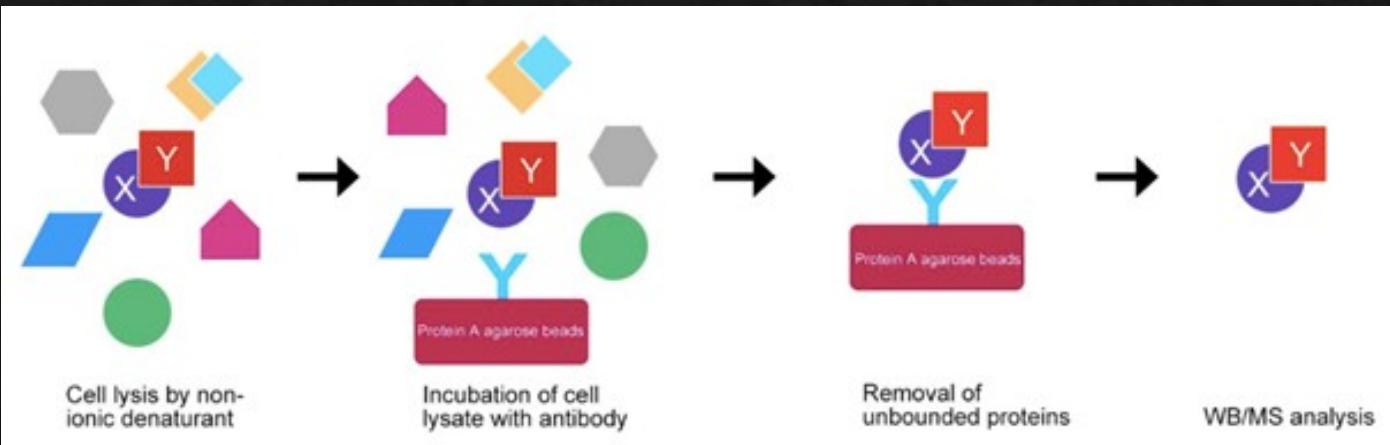
- ❖ Deuterium se používá k přechodnému značení amidů v proteinové kostře
- ❖ Rychlosť výměny vodíku za deuterium poskytuje informace o přístupnosti amidů pro rozpouštědlo  $D_2O \rightarrow$  amidy v lineárním peptidu mají *vyšší* poměr rychlosti výměny H/D než amidy na rozhrání PPI, protože jsou lépe přístupné
- ❖ K **identifikaci** se využívá software, který srovnává hmotnostní spektrum deuterovaných a nedeuterovaných peptidových fragmentů. Peptidy, které mají *menší* obsah D mohou být součástí místa, ve kterém dochází k PPI
- ❖ **Nevýhody:** je obtížné stanovit přesnou sekvenci v místě interakce, není možné stanovit konformační změnu proteinu nebo zaznamenat slabé interakce

# *Koimunoprecipitace*

- ❖ *in vivo* metoda pro studium proteinů a jejich interakčních partnerů v buňkách nebo ve vzorcích tkání
- ❖ princip je založen jako u ostatních imunoprecipitačních technik na interakci **antigen-protilátka**
- ❖ specifická protilátka – protein vázaný v komplexu s jinými proteiny (často i neznámými)
- ❖ alternativa k afinitní chromatografii

# Průběh koimunoprecipitace

- ❖ příprava lyzátu (nedenaturační činidla)
- ❖ tvorba imunokomplexu
- ❖ precipitace
- ❖ promytí nespecificky se vázajících proteinů
- ❖ eluce
- ❖ analýza komplexů s protilátkou



# *Shrnutí*

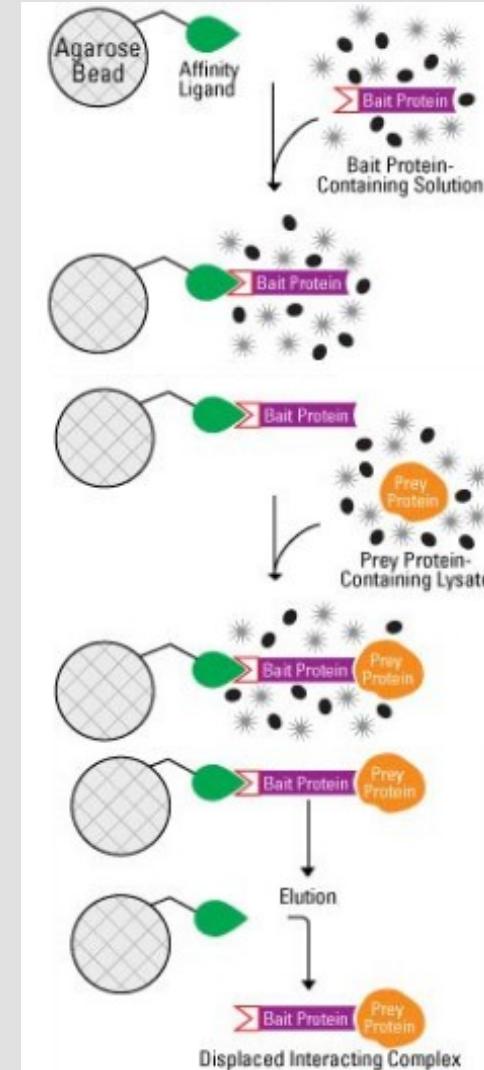
- ❖ Výhody:
  - ❖ vysoce specifická a velmi jednoduchá metoda
  - ❖ proteiny interagují během této metody téměř ve fyziologickém stavu
  - ❖ získaný komplex je možné analyzovat dalšími metodami (western blot, MS)
  - ❖ dají se takto identifikovat proteiny, které se v buňce vyskytují i ve velmi malém množství
- ❖ Nevýhody:
  - ❖ slabší interakce z nízkoafinitních proteinů nemusí být detekovány
  - ❖ náročná izolace protilátek s vysokou afinitiou
  - ❖ není vhodná pro interakce, ke kterým dochází v krátkém časovém období

# *Pull down assay*

- ❖ *in vitro* purifikační metoda používaná ke studiu interakcí mezi dvěma nebo více proteiny
- ❖ podobná koimunoprecipitaci s tím rozdílem, že pro záchyt proteinových komplexů na povrch nosiče není používána protilátka, ale využívá se vazby **afinitní značky se specifickým imobilizovaným ligandem**
- ❖ klonování a přenos cizorodé rekombinantní molekuly DNA do buněk → exprese fúzovaného proteinu se značkou

# Průběh

- ❖ afinitní ligand je immobilizován na pevném nosiči
- ❖ „návnada“ je označena značkou (tag) a zachycena na immobilizovaném afinitním ligandu specifickým pro tuto značku
- ❖ inkubace se zdrojem interakčních partnerů
- ❖ promytí
- ❖ eluce
- ❖ analýza (např. western blot)



<https://www.mybiosource.com/learn/assay-learning-center/coimmunoprecipitation/>

<https://www.thermofisher.com/cz/en/home/life-science/protein-biology/protein-biology-learning-center/protein-biology-resource-library/pierce-protein-methods/pull-down-assays.html>

# *Shrnutí*

## ❖ Výhody

- ❖ možnost identifikovat i interakční partnery různých nízkomolekulárních ligandů (např. kofaktorů) po jejich kovalentní modifikaci afinitní značkou

## ❖ Nevýhody

- ❖ vyžaduje klonování a přenos cizorodé rekombinantní molekuly DNA do buňky

## ❖ Příklady afinitních značek a jejich ligandů

afinitní značka	afinitní ligand
(GST) glutathion-S-transferasa	glutathion
poly-histidin	chelát kobaltu nebo niklu
biotin	strepravidin

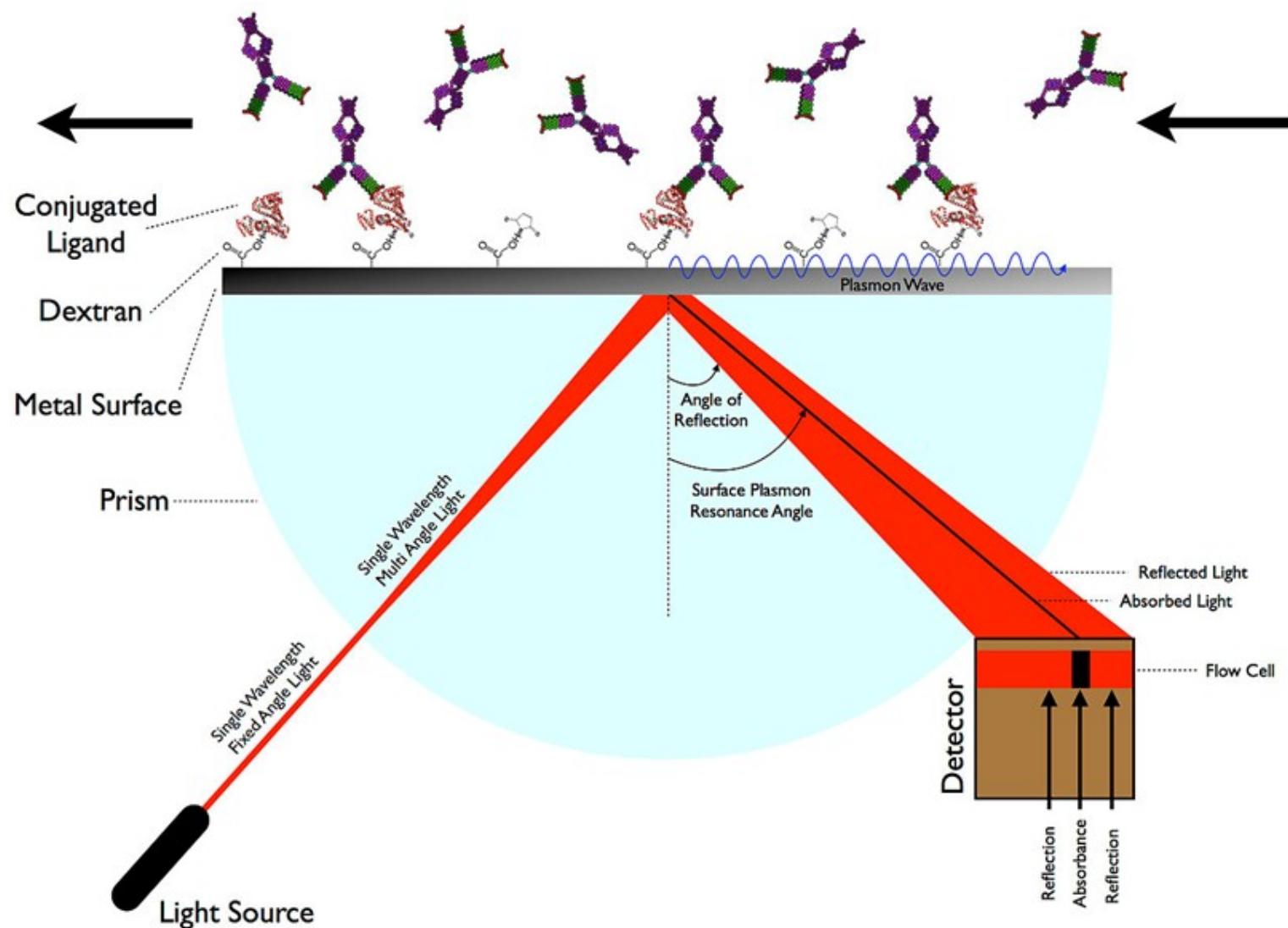
# *Povrchová plazmonová rezonance*

- ❖ SPR, Surface Plasmon Resonance
- ❖ založena na oscilaci elektronů na rozhraní dvou materiálů o různé optické hustotě
- ❖ ozáření monochromatickým světlem způsobuje rezonanci plazmonů na povrchu a vznik plazmonové vlny
- ❖ rezonance závislá na indexu lomu světla
- ❖ imobilizace jednoho interakčního partnera na povrch kovu (kovalentní, pomocí protilátky, pomocí značky)
- ❖ kolem imobilizované molekuly proudí roztok s interagující látkou

# SPR

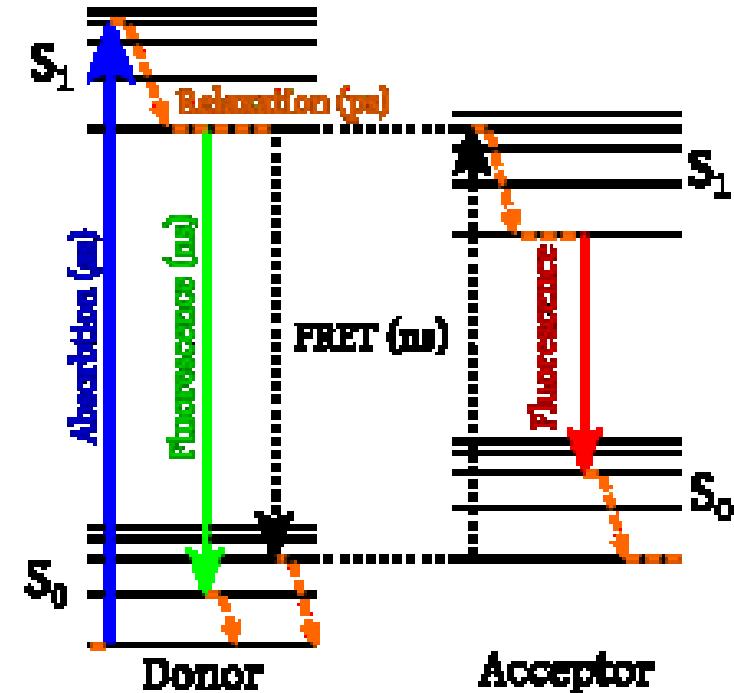
- ❖ vazbou druhé molekuly se změní index lomu, dojde k posunu rezonančního úhlu
- ❖ využití: určení asociačních a disociačních konstant a přítomnosti vlastní interakce

[http://old.vscht.cz/nmr/mol\\_model\\_bioinfo/lekce/SPR.pdf](http://old.vscht.cz/nmr/mol_model_bioinfo/lekce/SPR.pdf)



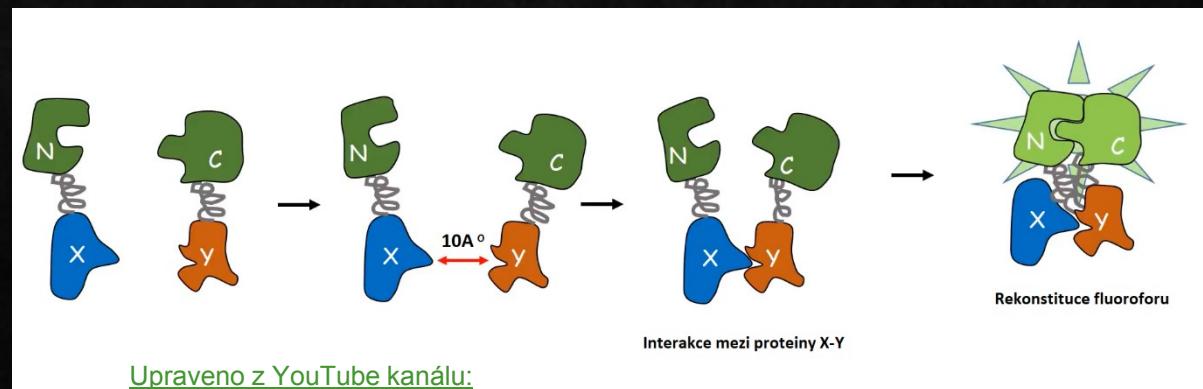
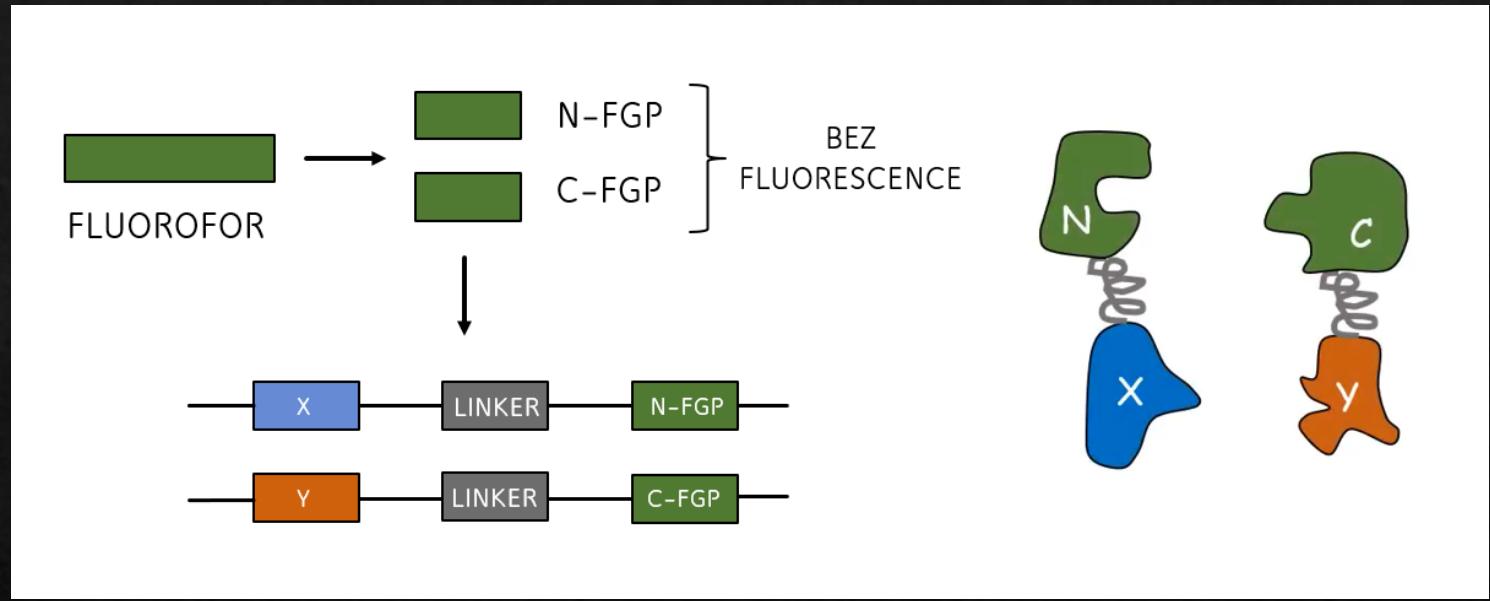
# Försterův rezonanční přenos energie

- ❖ FRET
- ❖ přenos energie mezi dvěma chromofory (molekulami citlivými na světlo)
- ❖ donorová molekula v excitovaném stavu
- ❖ přenos energie na akceptor přes dipól-dipólovou interakci
- ❖ extrémně citlivá metoda na vzdálenost molekul
- ❖ studium interakce mezi proteiny a proteinovými doménami



# Bimolekulární fluorescenční komplementace

- ❖ BiFC
- ❖ *In vivo* metoda
- ❖ Vznik fluorescenčního komplexu (např. YFP – yellow fluorescent protein) asociací 2 fragmentů fluoroforu (N a C fragment)
- ❖ Každý z fragmentů navázán na jeden protein zájmu
- ❖ Detekujeme sílu i lokalizaci interakce



Upraveno z YouTube kanálu:

<https://www.youtube.com/watch?v=q6XeVH08xzY&t=12s>

[https://www.news-medical.net/life-sciences/Bimolecular-Fluorescence-Complementation-\(BiFC\).aspx](https://www.news-medical.net/life-sciences/Bimolecular-Fluorescence-Complementation-(BiFC).aspx)

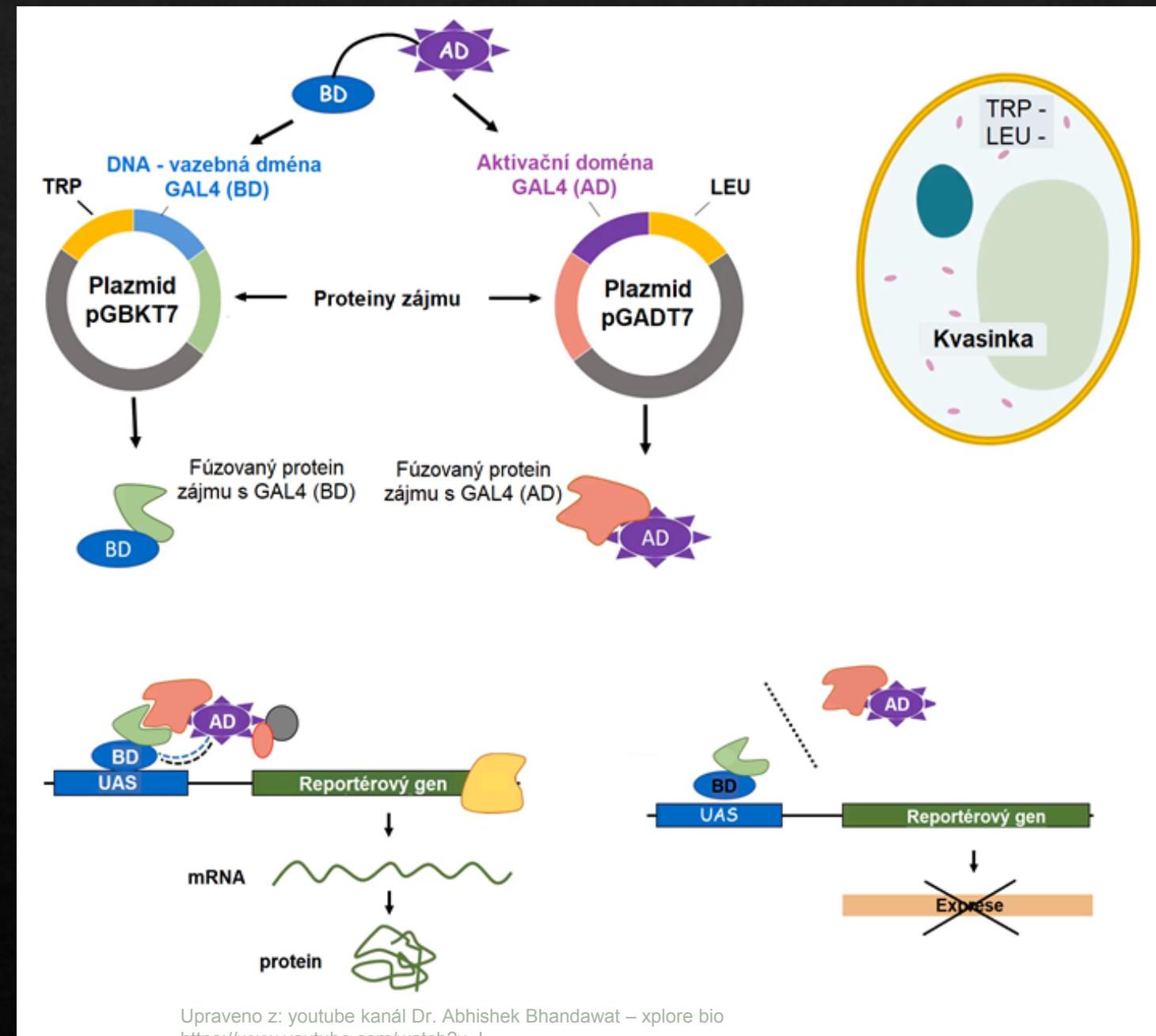
# *Bimolekulární fluorescenční komplementace*



- ❖ zobrazit lokalizaci vznikající interakce v závislosti na čase
- ❖ Vysoká citlivost – detekce i při nízkých hladinách interagujících proteinů
- ❖ Není zapotřebí dalších chemických reagentů
- ❖ MULTICOLOR IMAGING: umožňuje vizualizovat několik P-P komplexů v rámci jedné buňky
- ❖ Pomalá maturace fluoroforu – může ovlivnit vizualizaci krátce trvajících či proměnlivých interakcí
- ❖ Nevhodné pro anaerobní organismy (poslední krok maturace fluoroforu vyžaduje kyslík)

# Yeast two hybrid (Y2H)

- ❖ Kvasinkový dvouhybridní systém
- ❖ Rekonstituce domén transkripčního faktoru GAL4 – spuštění transkripce reportérového genu
- ❖ Aktivační doména (AD) GAL4 je fúzována s jedním a DNA vazebná (BD) doména s druhým proteinem zájmu
- ❖ Různé expresní vektory s HIS-tagy na C i N konci pro expresi v *E. coli*
- ❖ Selekcí markery (Trp, Leu)
- ❖ Reportérové markery (His, Ade)



Upraveno z: youtube kanál Dr. Abhishek Bhandawat – xplore bio  
<https://www.youtube.com/watch?v=l>

# *Yeast two hybrid* (Y2H)



- ❖ Velmi citlivá metoda – vhodná pro širší screening
- ❖ Metodicky snadná
- ❖ Ekonomicky nenáročná
- ❖ Vyšší míra falešně pozitivních i negativních výsledků – nutno ověřit použitím jiné metody

*Děkujeme za pozornost*